

Fig. 1B

Fig. 1A

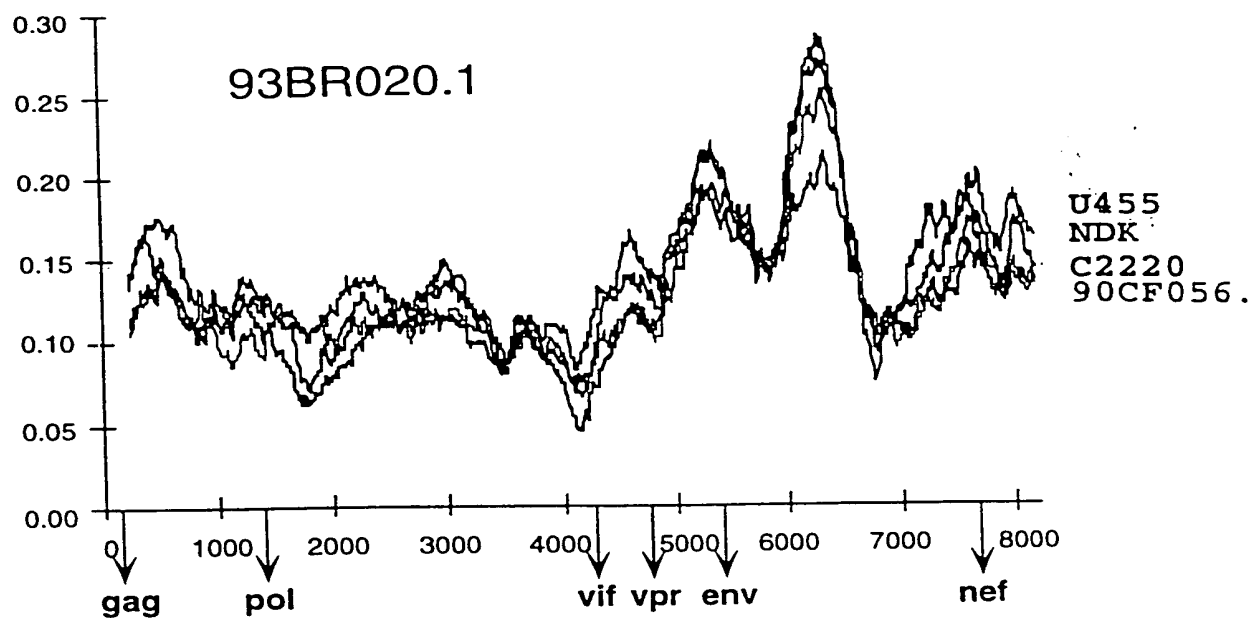


Fig. 2A

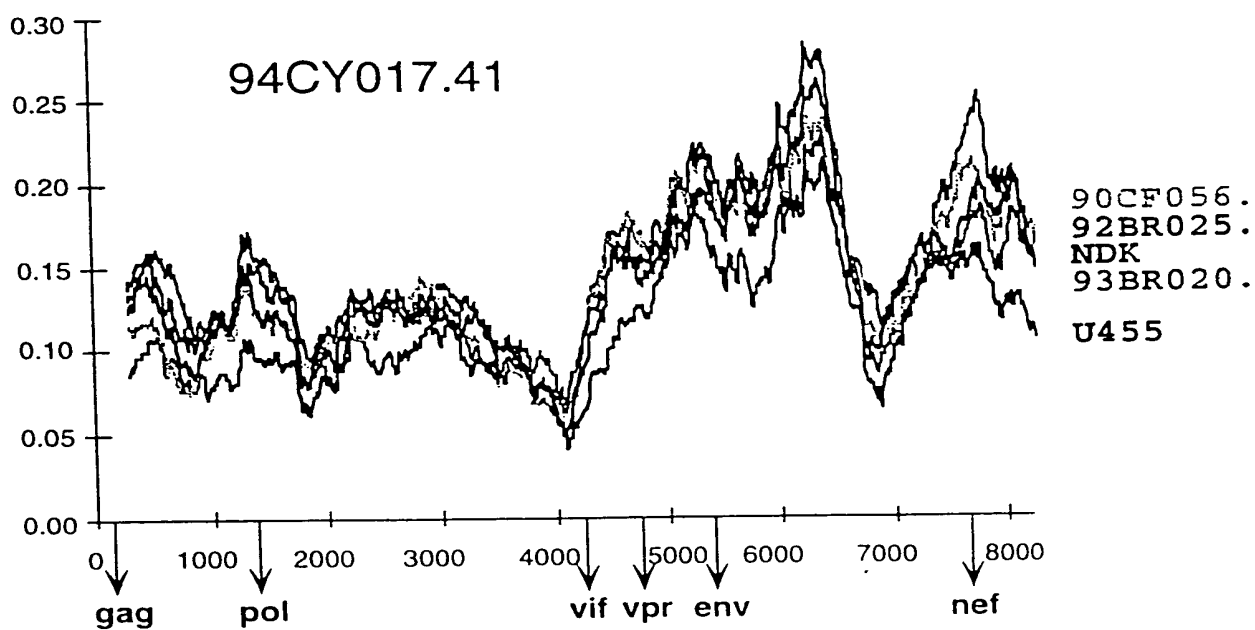


Fig. 2B

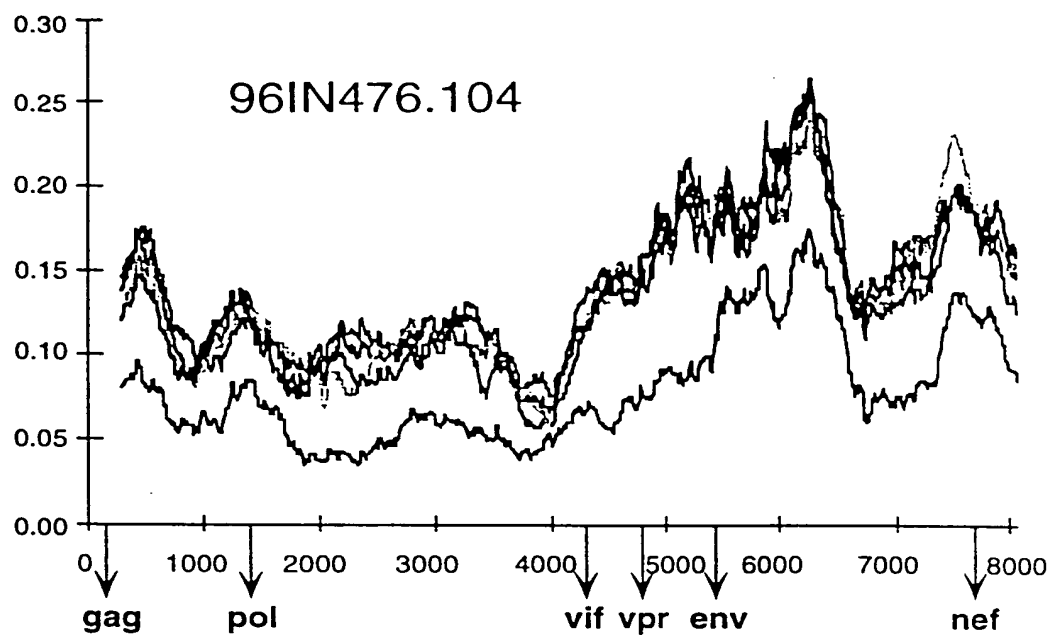


Fig. 2C

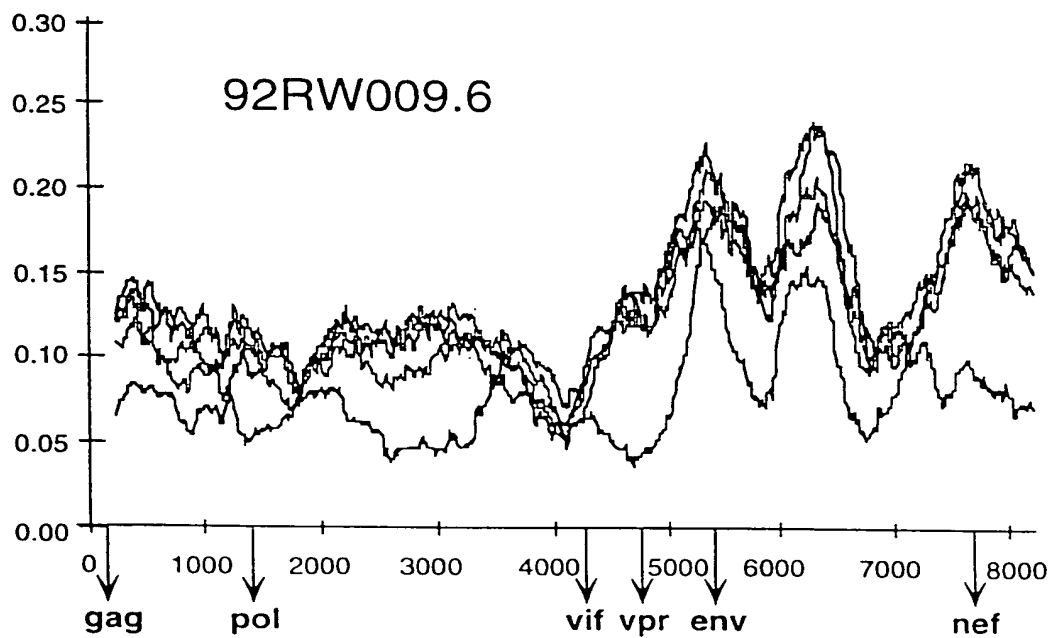


Fig. 2D

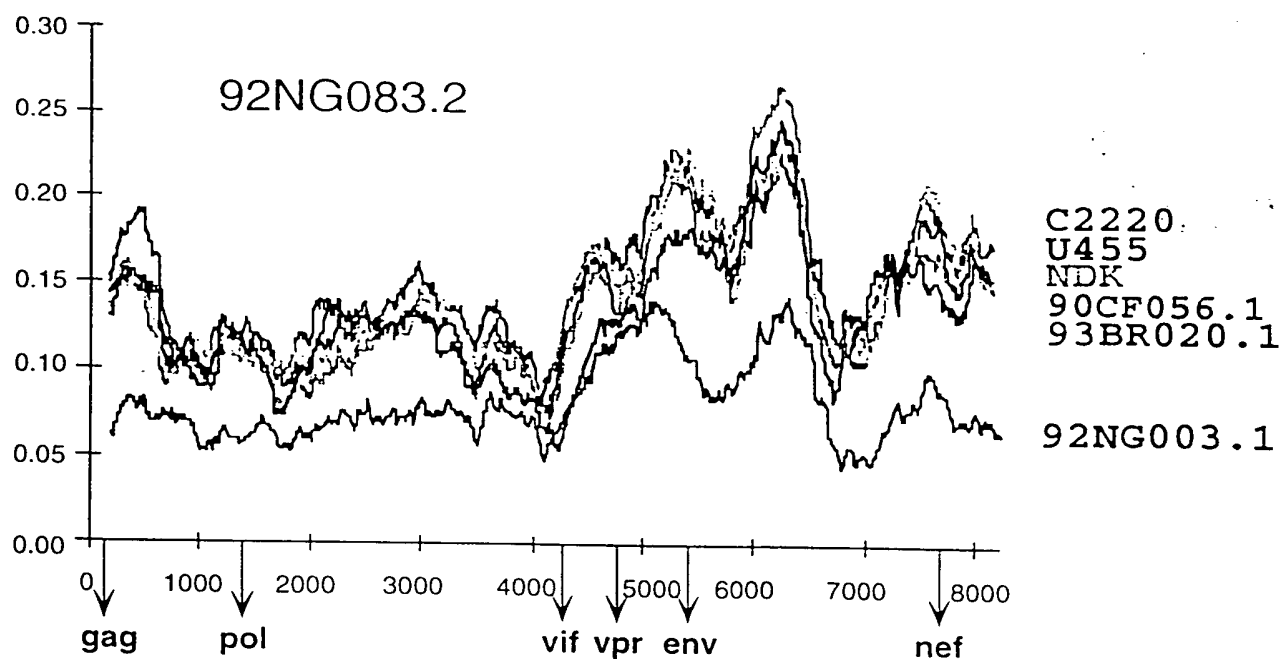


Fig. 2E

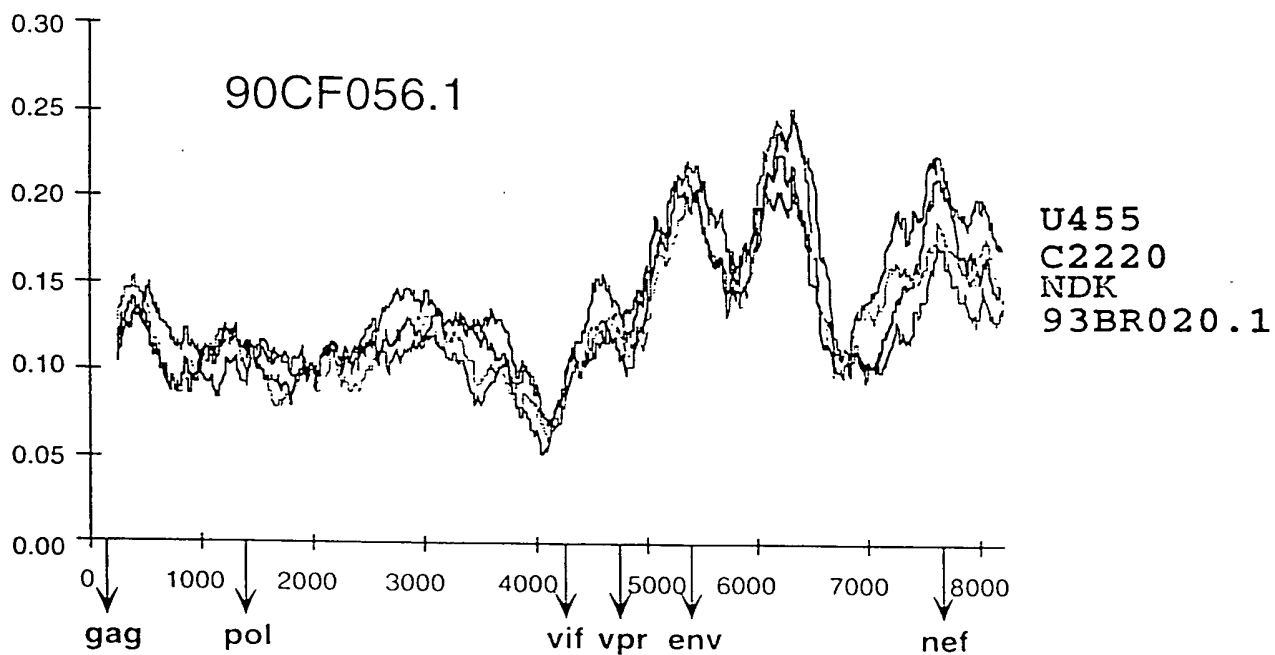


Fig. 2F

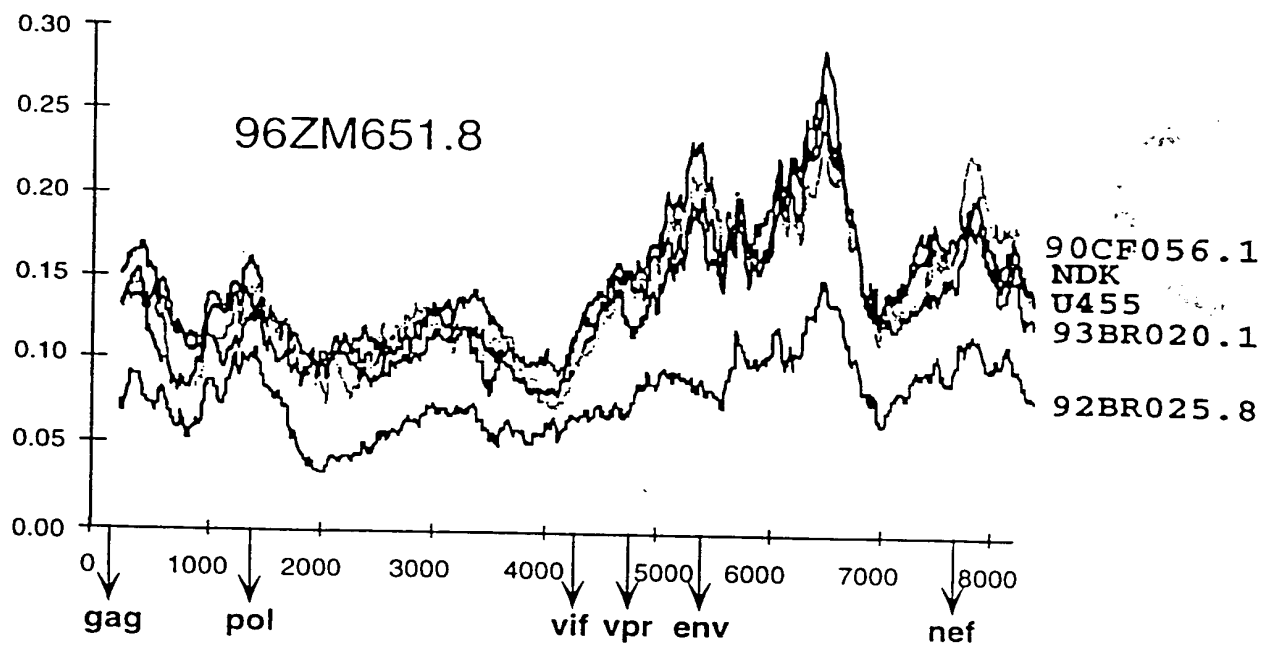


Fig. 2G

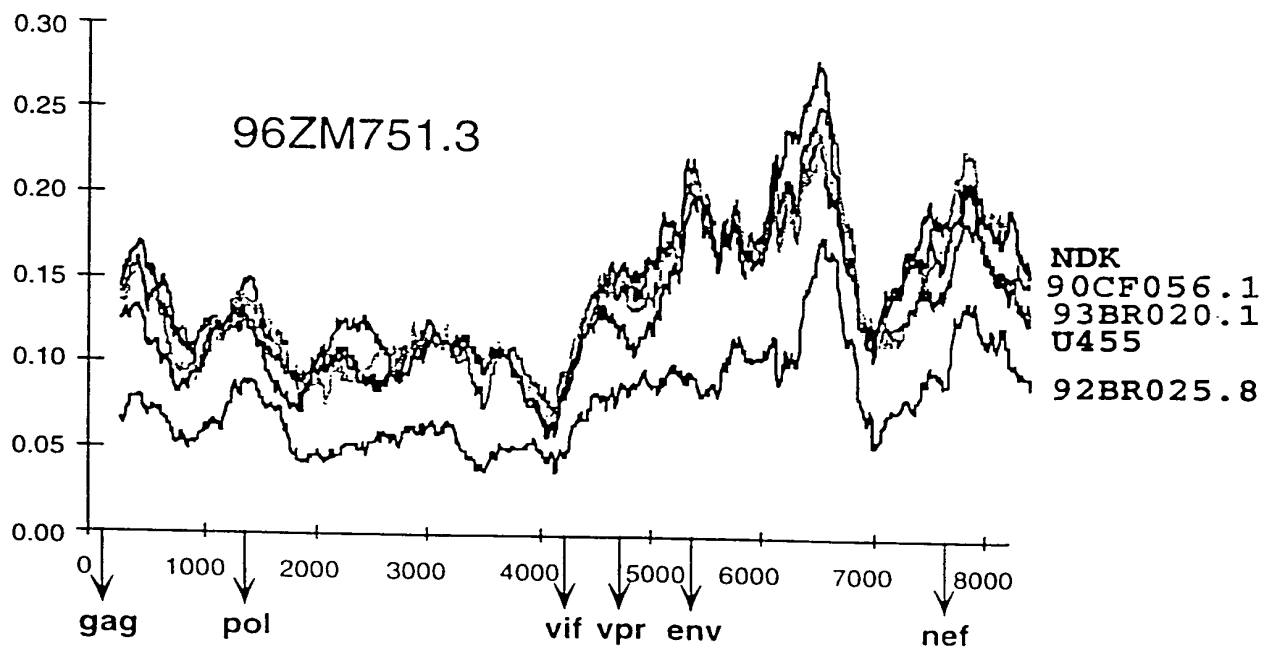


Fig. 2H

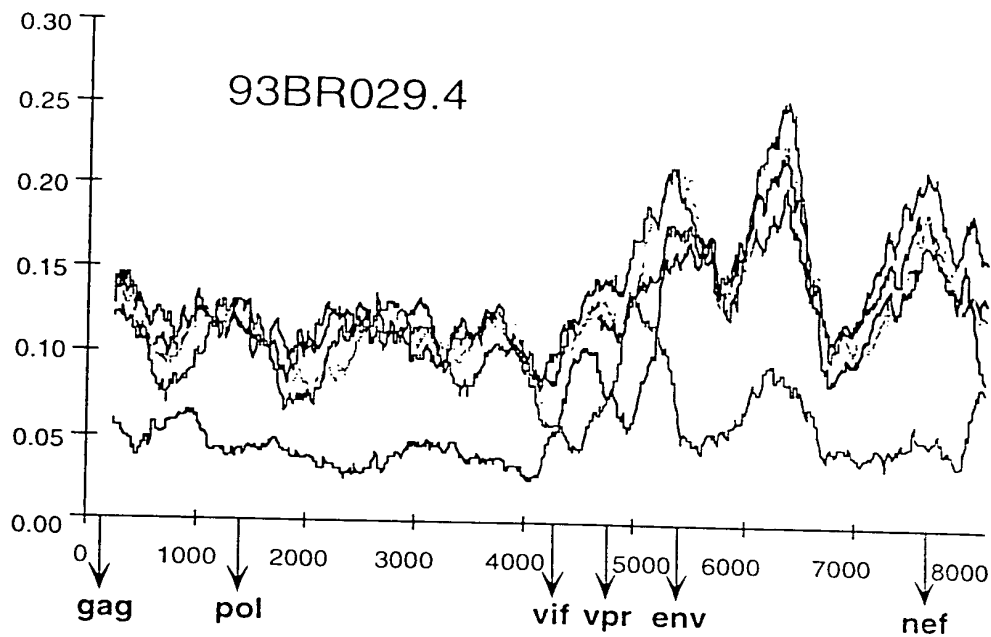


Fig. 2I

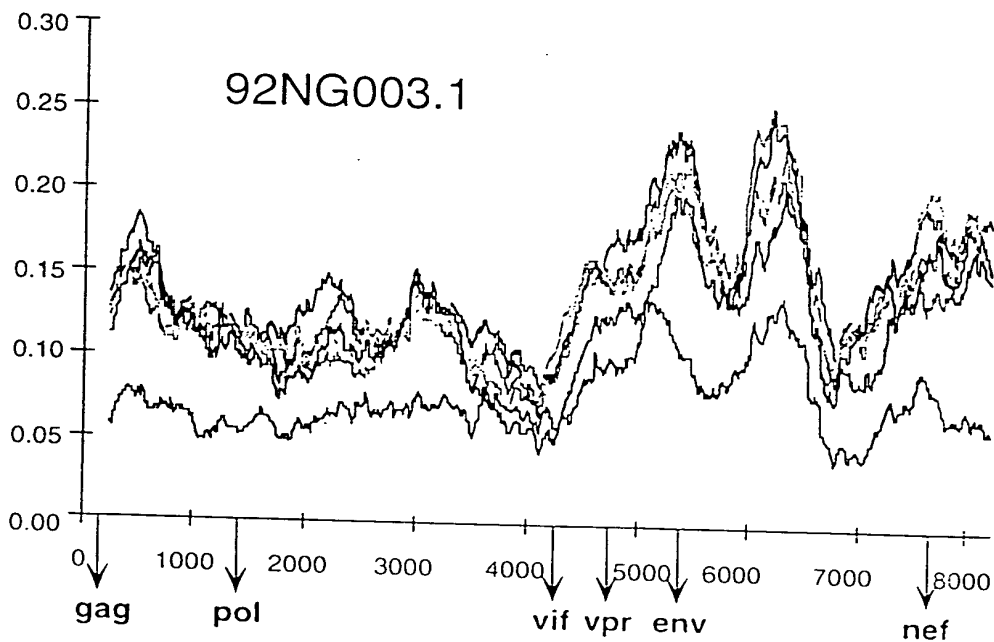


Fig. 2J

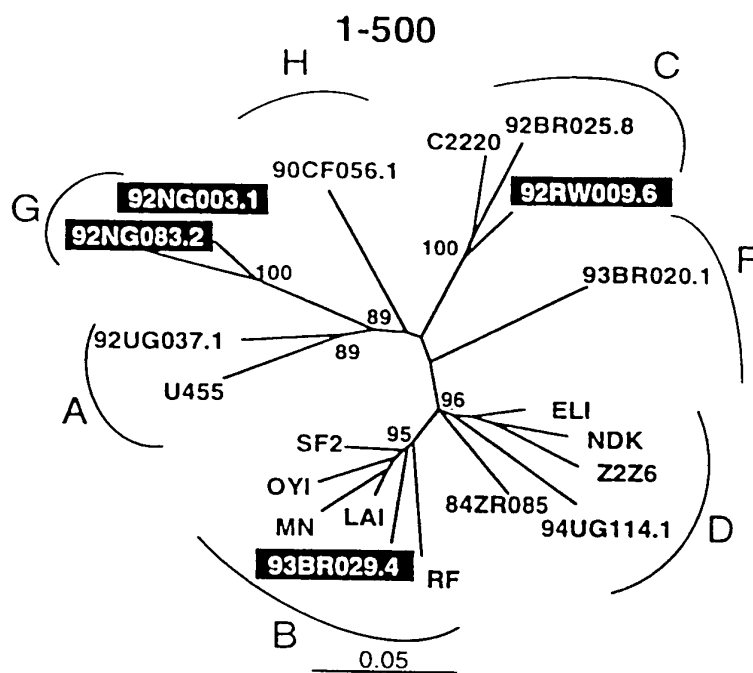


Fig. 3A

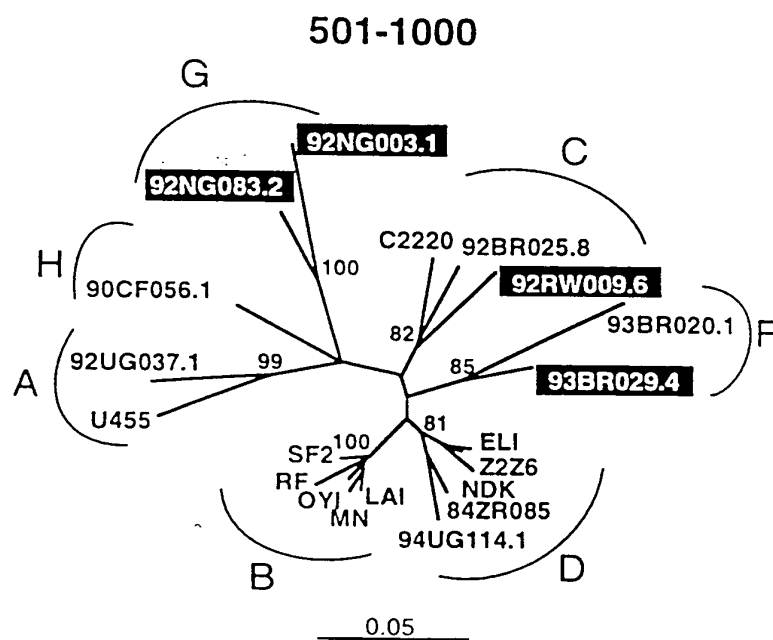


Fig. 3B

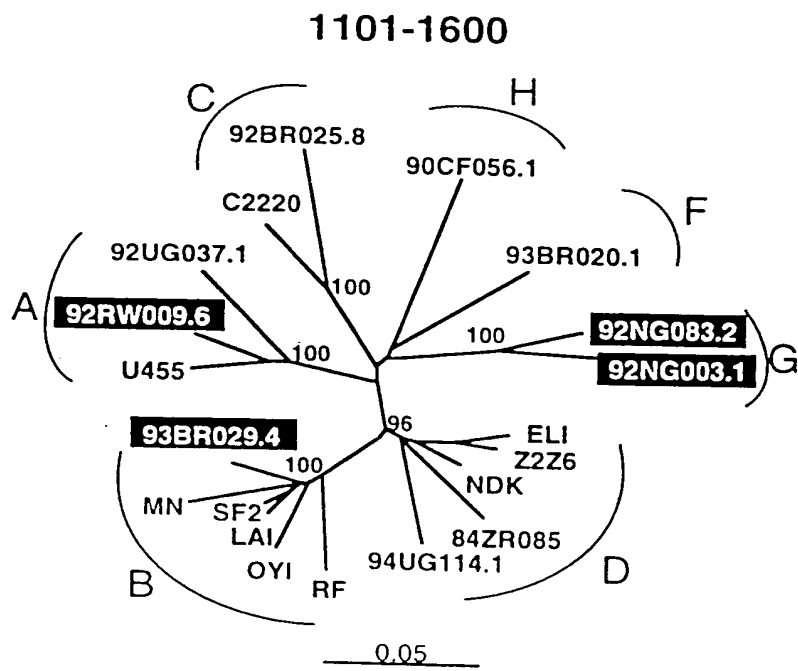


Fig. 3C

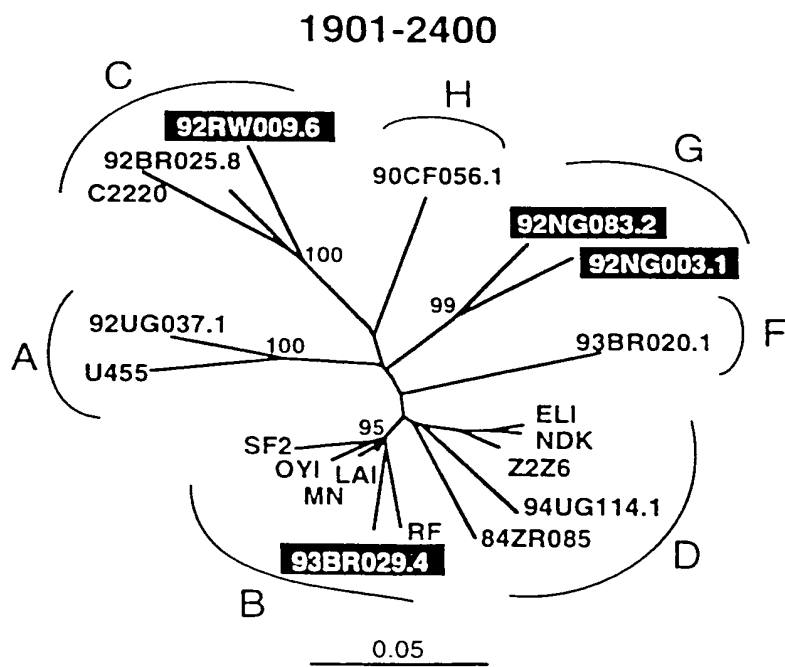


Fig. 3D



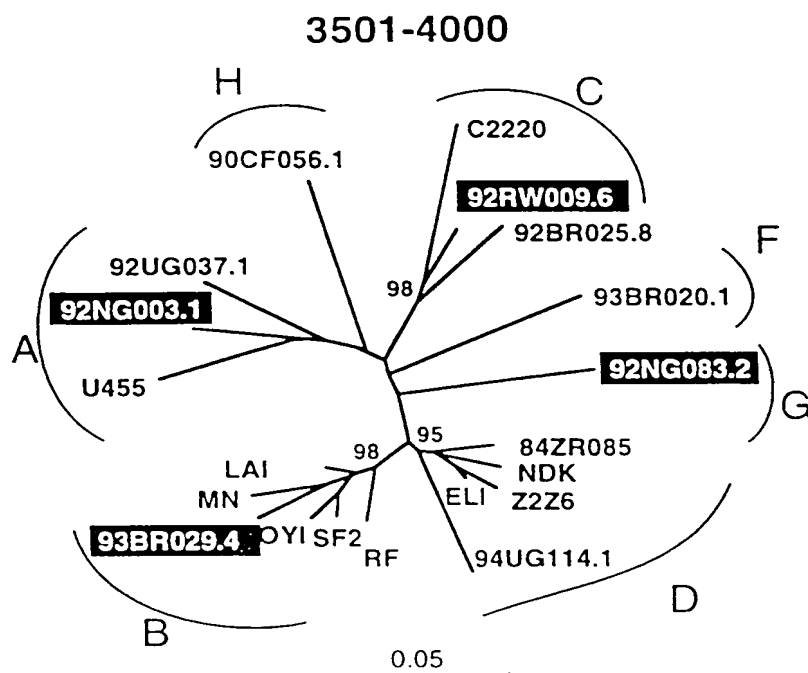


Fig. 3E

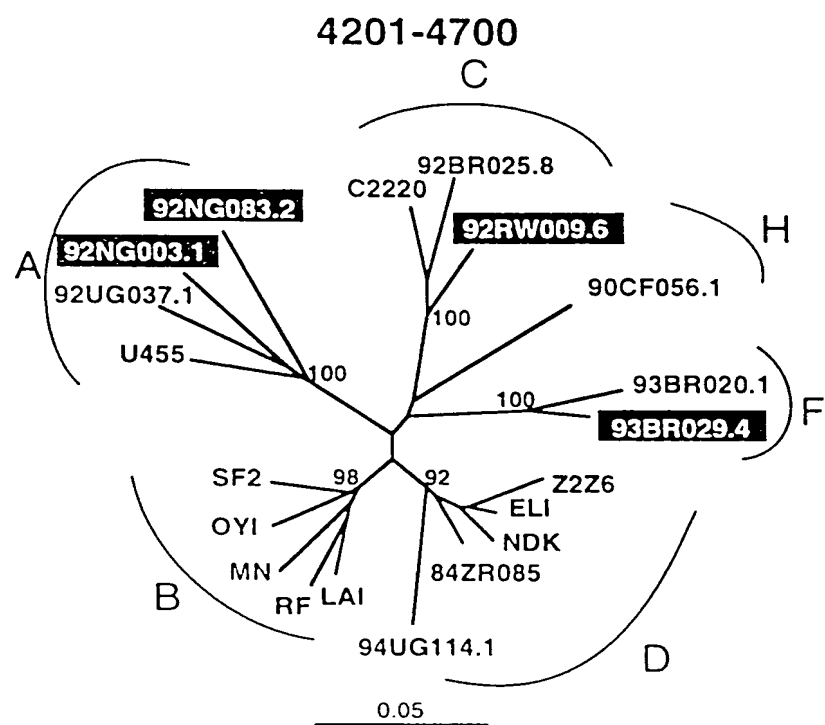


Fig. 3F

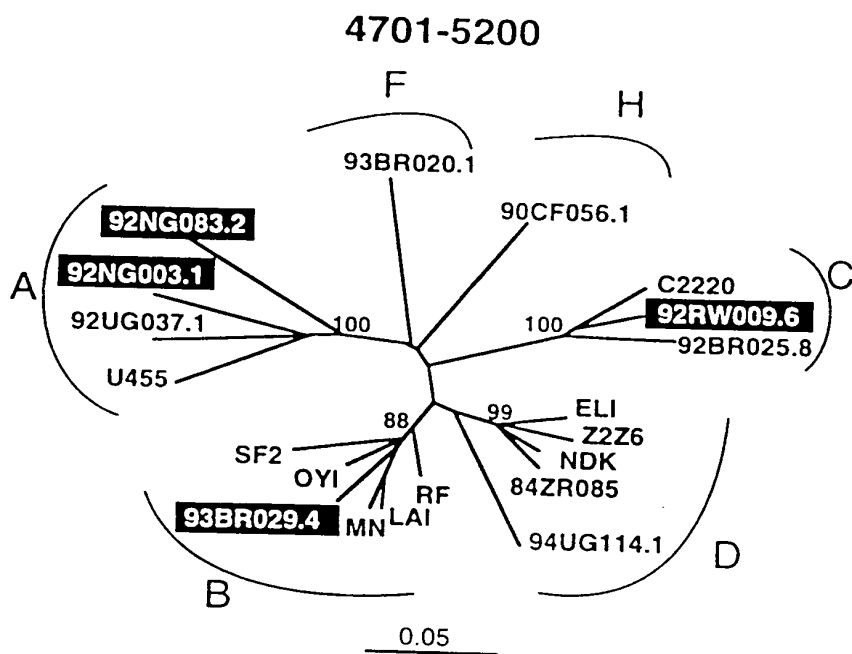


Fig. 3G

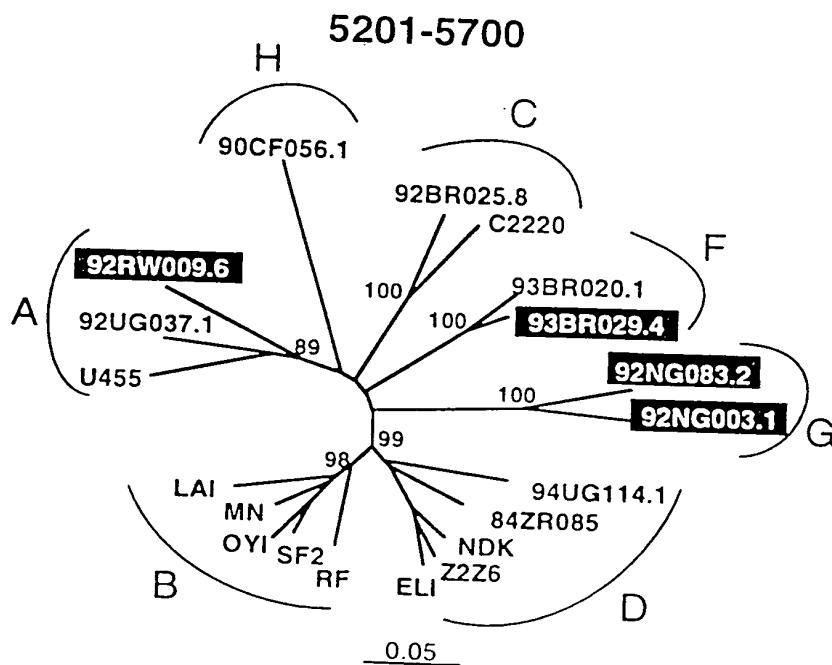


Fig. 3H

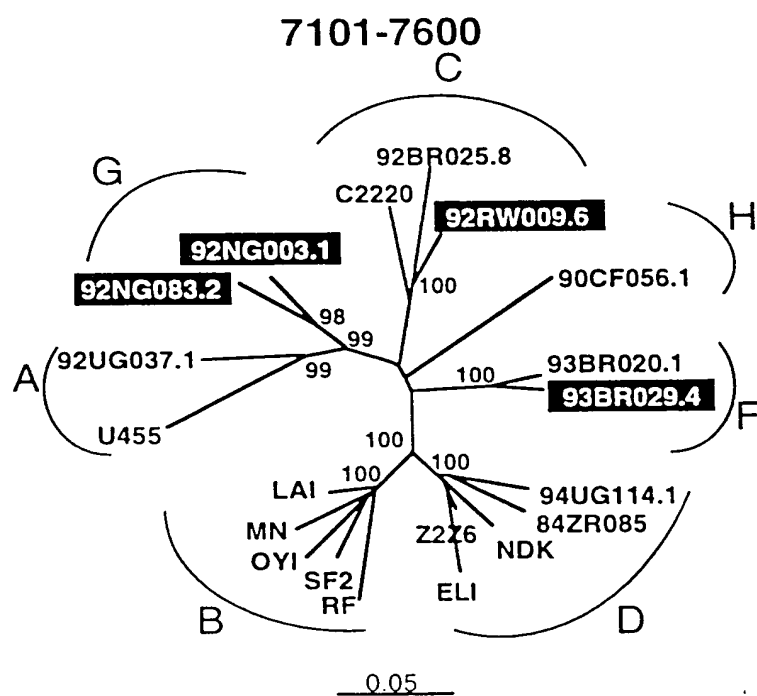


Fig. 3I

92RW009.6

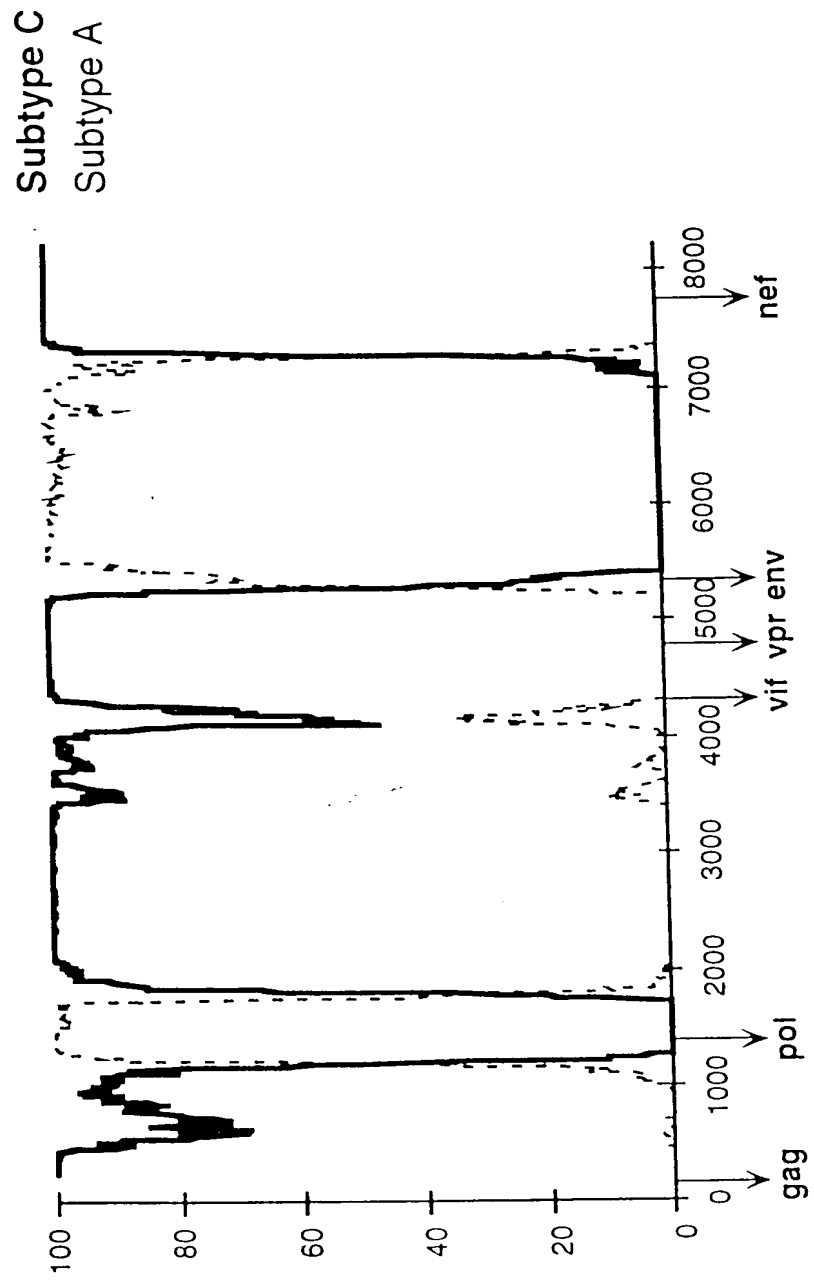


Fig. 4A

93BR029.4

Subtype F  
Subtype B

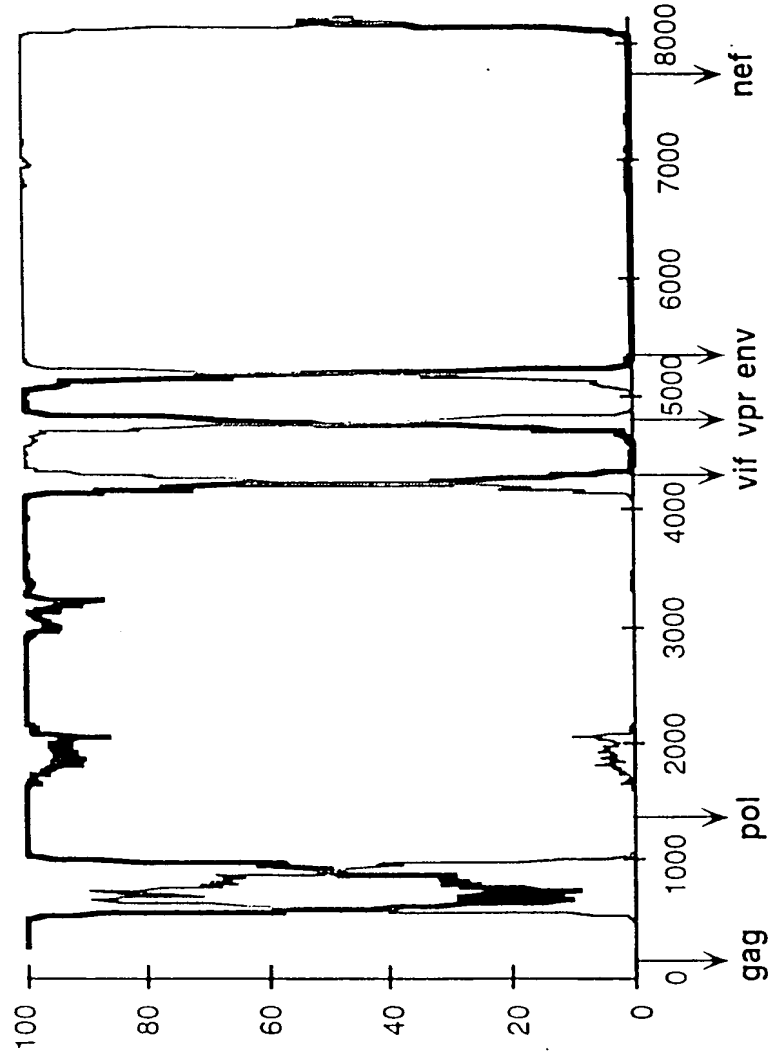


Fig. 4B

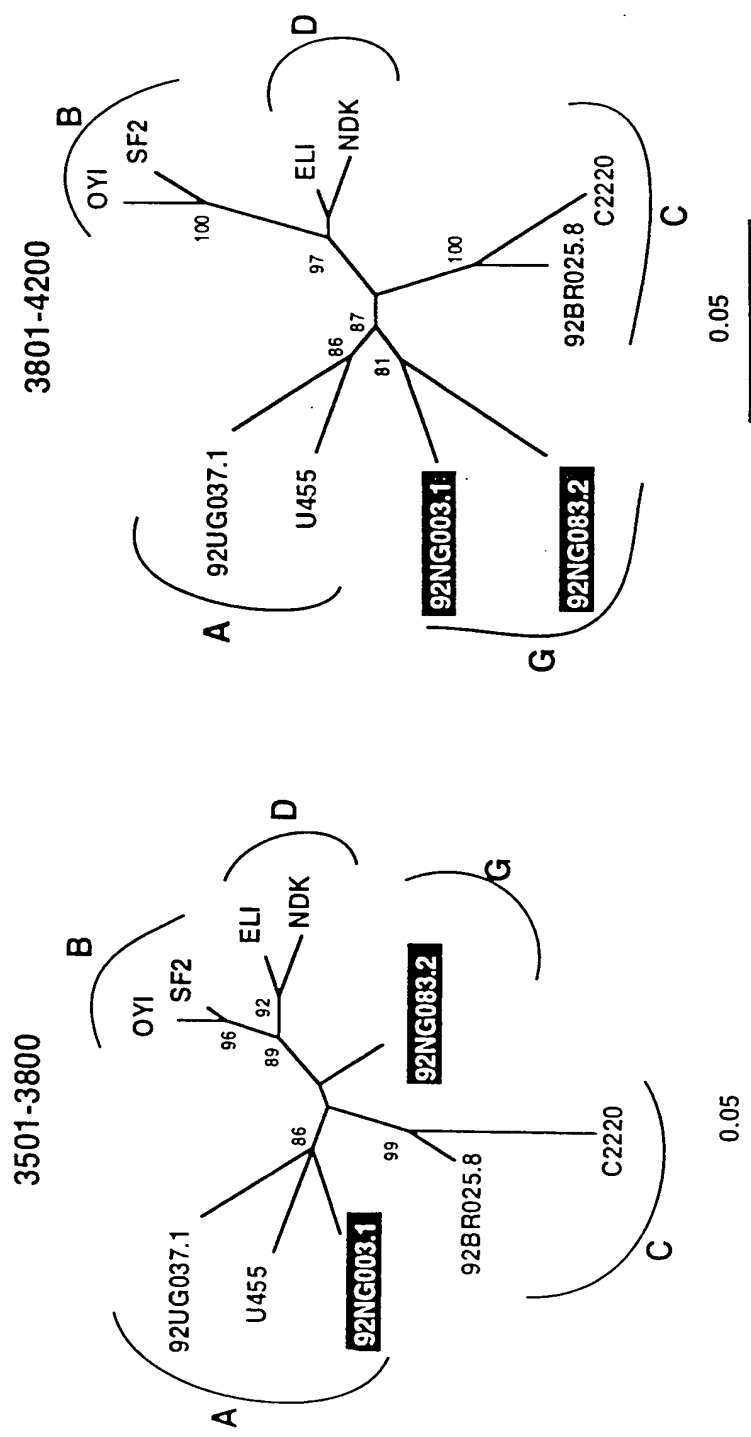


Fig. 5A

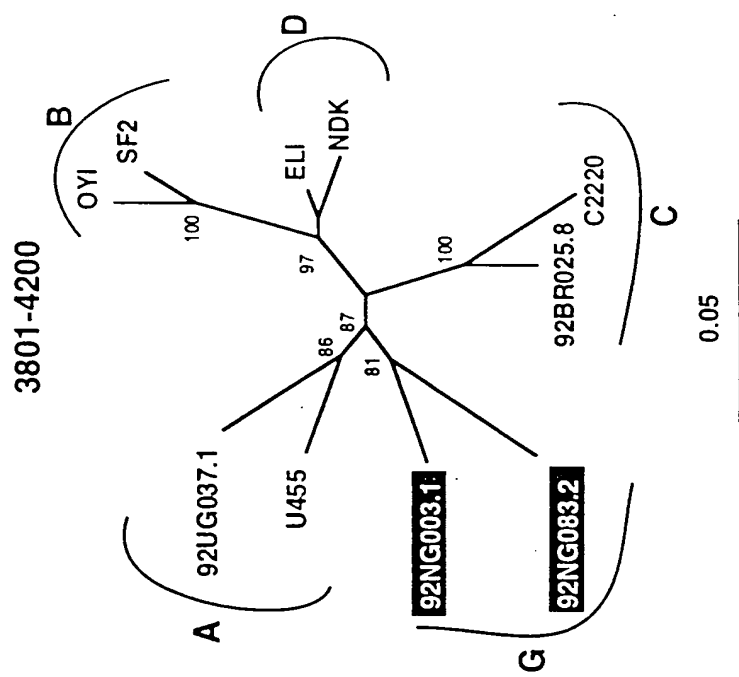


Fig. 5B

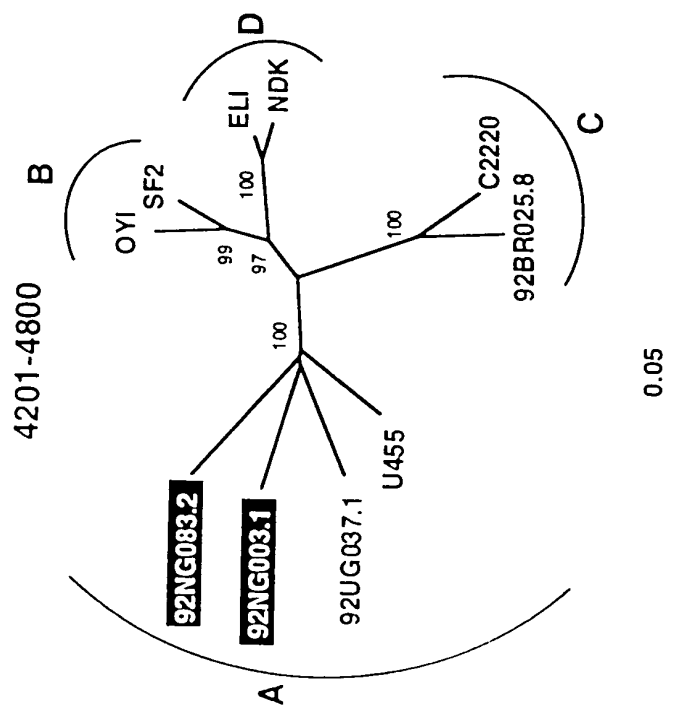


Fig. 5C

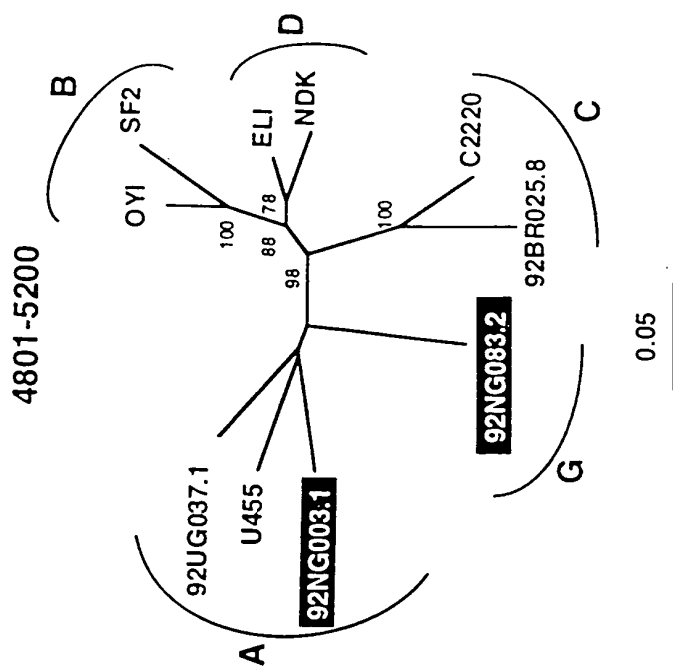
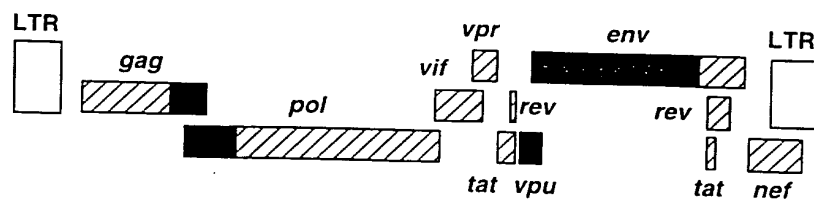


Fig. 5D

92RW009.6



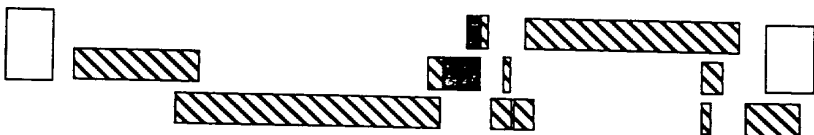
A  
C

93BR029.4



B  
F

92NG083.2



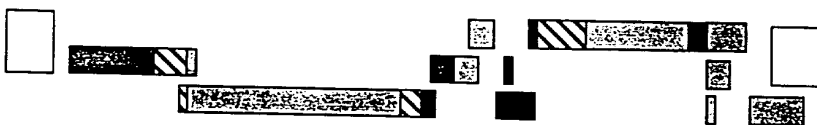
A  
G

92NG003.1



A  
G

94CY032.3



A  
G  
I

Fig. 6



tat (second exon)		frequency
CONSENSUS_A	P?PQTQG?.?TGPKEKKKKVESKTETDRFD*	0/14
CONSENSUS_B	P?SQPRGD.PTGPKEKKKKVERETETDP?D*	4/52
CONSENSUS_C	PLPQTRGD.PTGSEESKKKKVESKTETDPPFD*	0/11
CONSENSUS_D	PSSQPRGD.PTGPKE*	11/15
ELI	-----Q-----E-T--*	
Z2Z6	-----*	
NDK	-----S-----K*	
92UG021.16	-----*	
92UG024.2	-----*	
JY1	-----EKQ-----A-----C*	
UG269A	-----*	
UG274A2	-----N-----K*	
SE365A2	-----H-----*	
93ZR001.3	-L-----Q-----Q--A-R--C*	
UG266A2	-----Q-----V-----*	
MAL	-----H-----*	
K124A2	-----Q-----*	
84ZR085.1	-----Q-----*	
94UG114.1	-----N-----*	
CONSENSUS_E	PLPIIRGN.PTDPKESKKKEVASKAETDPCD*	0/9
CONSENSUS_F	PISQARGN.PTGPKEKKKEVESKAKTDPCA*	0/4
CONSENSUS_G	PLPTTRGN.PTGPKEKKKEV?SKTETDPPFD*	0/8
CONSENSUS_H	PLSRTHGD.PTGPKEQKKEVASKTETDP*	0/1

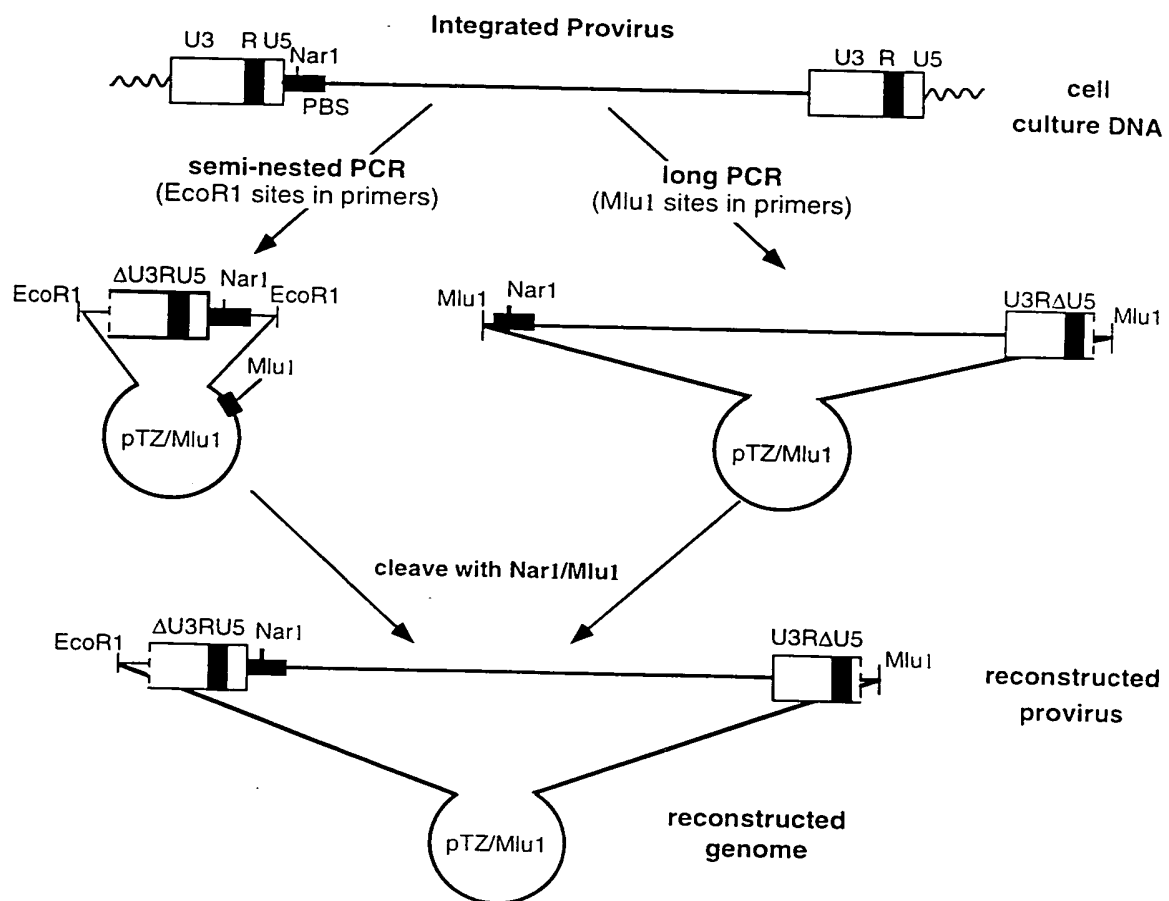
Fig. 7A

frequency

0/14	0/15
0/52	0/9
15/15	0/4
	1/8
	0/1

Vpu		Frequency
CONSENSUS_A	M?L.....EI?AIVGLVVALI?AIVVW.TIVGI	0/13
CONSENSUS_B	MQSL.....QI?AIVALVVAIIAIVVW.TIV?I	0/26
CONSENSUS_C	M?DLLAKVDYRL?VGALIVALIIAIVVW.TIAYI	10/10
92BR025.8	-LE-IGRI---G-----V-I--.-----	
C2220	-V-----IVIV-F-----.	
SM145	-LN---G---IAI--FS-----.-V--	
UG268	-LN---G---IGI---LI-----.I-V--	
DJ259	-I--P-----A-----.-V--	
DJ373	-I-----A-A-F-I-F-----.	
SE364	-V-----G-----I--.I----	
94IN476.104	-VN--ER-----G-----L-I--.-L	
96ZM651.8	-L---R-N--VG-----L-----.	
96ZM751.3	-LN-E-R---IG-----A-----A--.I-V--	
CONSENSUS_D	MQPL.....?ILAIAALVVALIIAIVVW.TIVFI	0/9
CONSENSUS_F	MSYL.....LAI?I?ALIVALIIAIVVW.TIAYI	0/4
CONSENSUS_G	MQ?L.....EI?AI?GLVVAFAIAIVVW.SIV?I	0/3
CONSENSUS_H	MYIL.....G.LGIGALVVTFLIAIVVW.TIVYI	0/1

Fig. 7C



**Fig. 8**

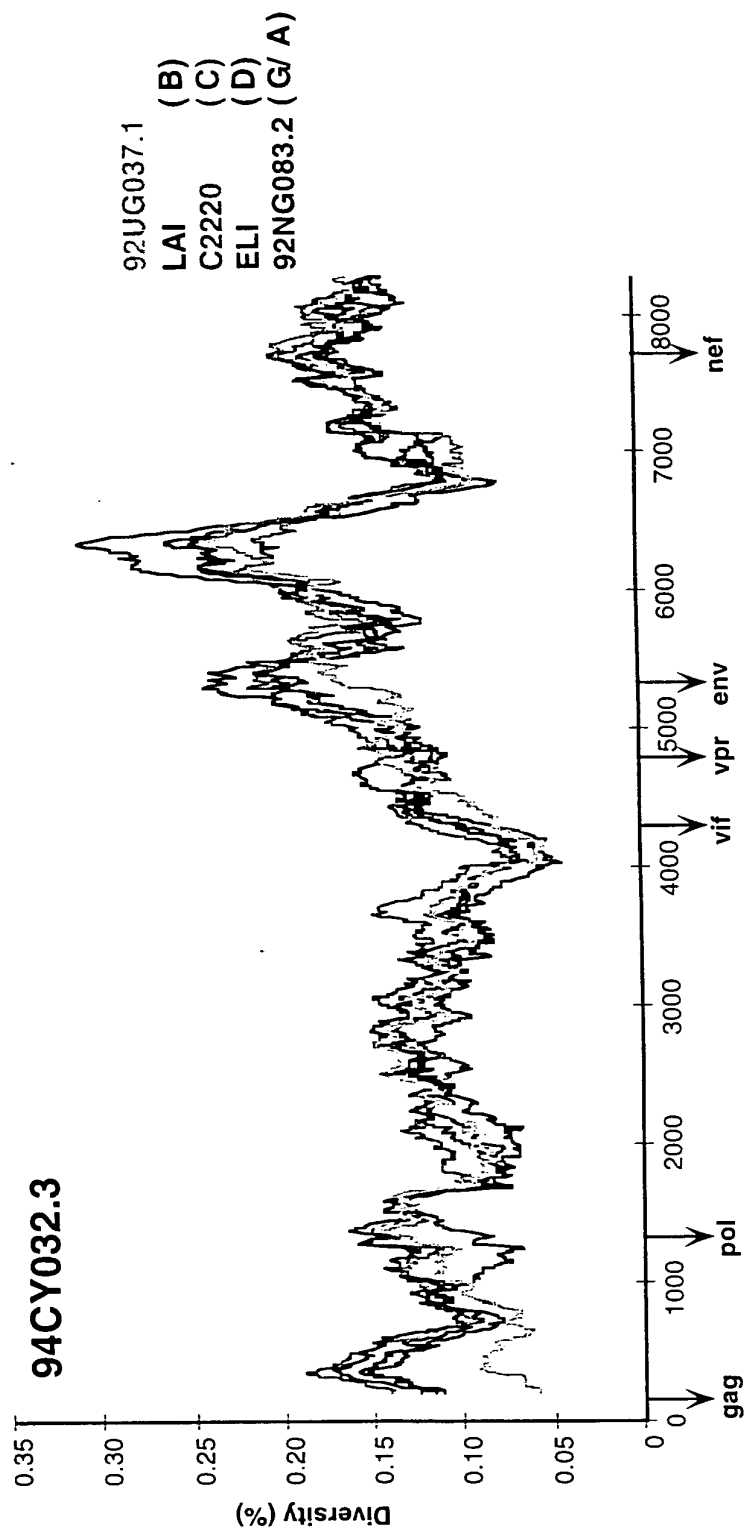


Fig. 9

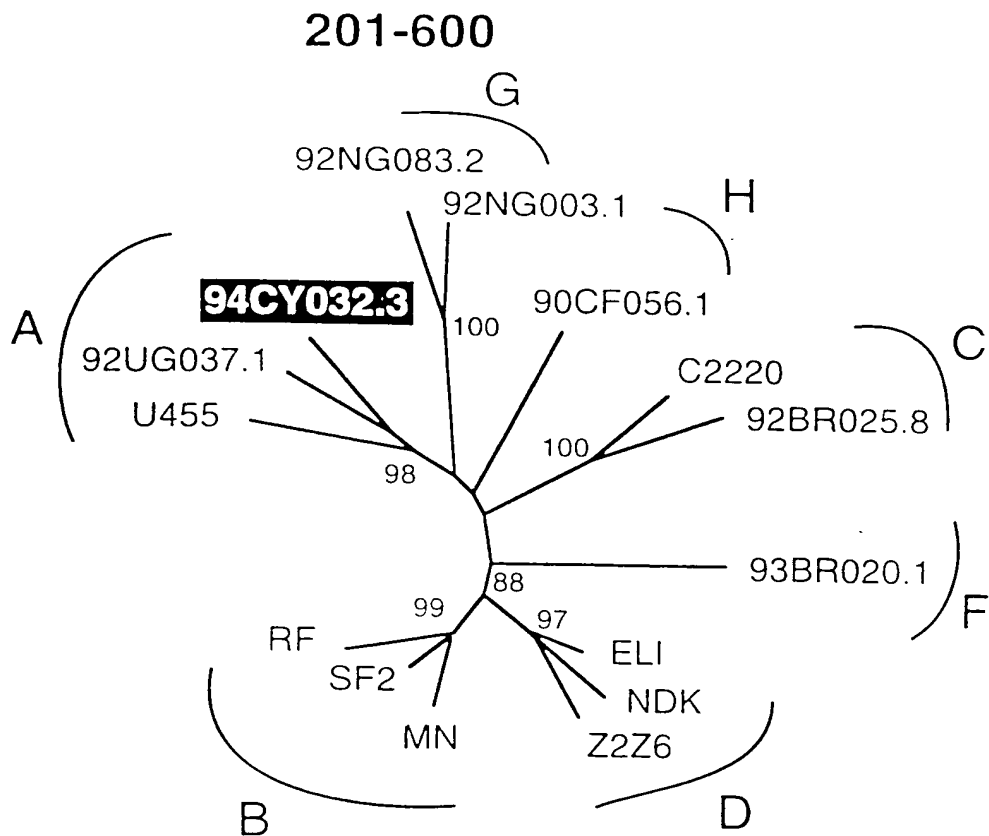


Fig. 10A

1101-1500

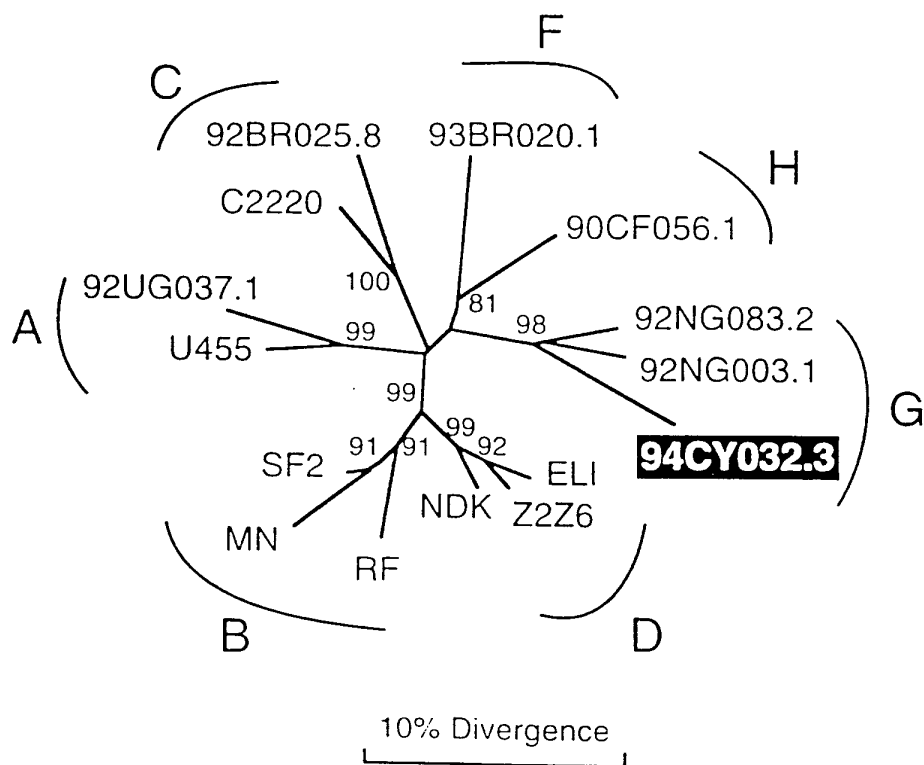


Fig. 10B

1751-2150

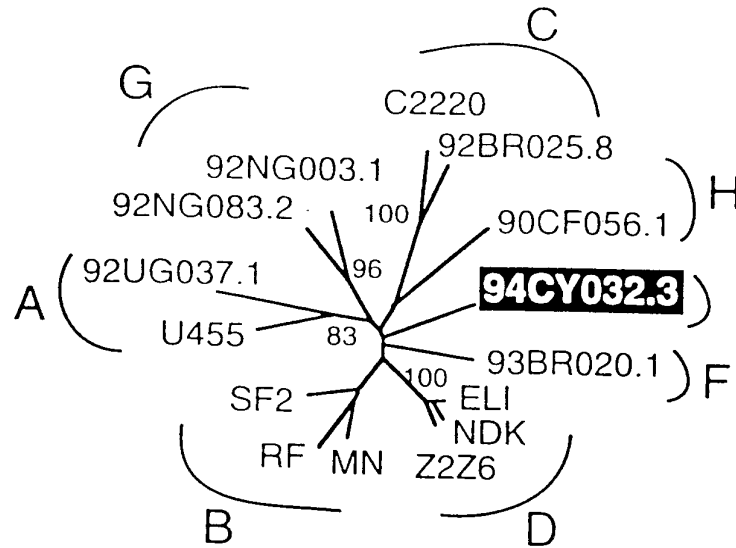


Fig. 10C

3841-4240

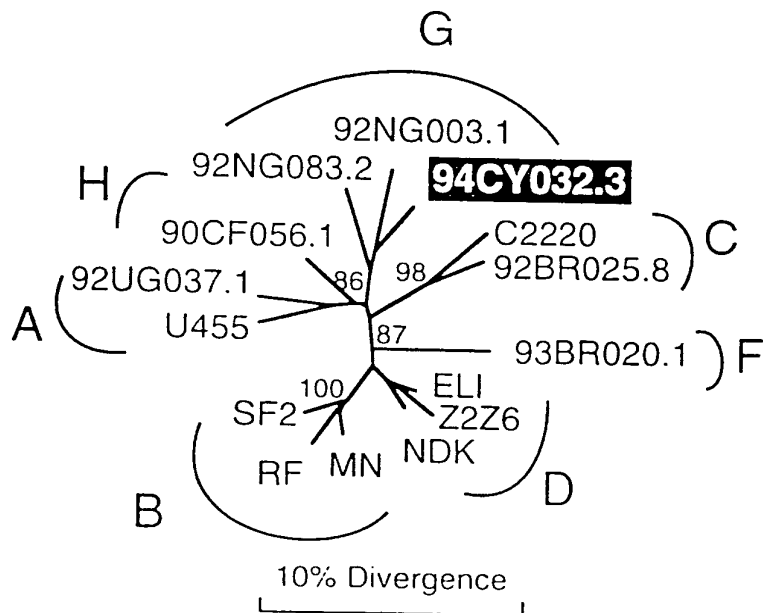


Fig. 10D



4241-4640

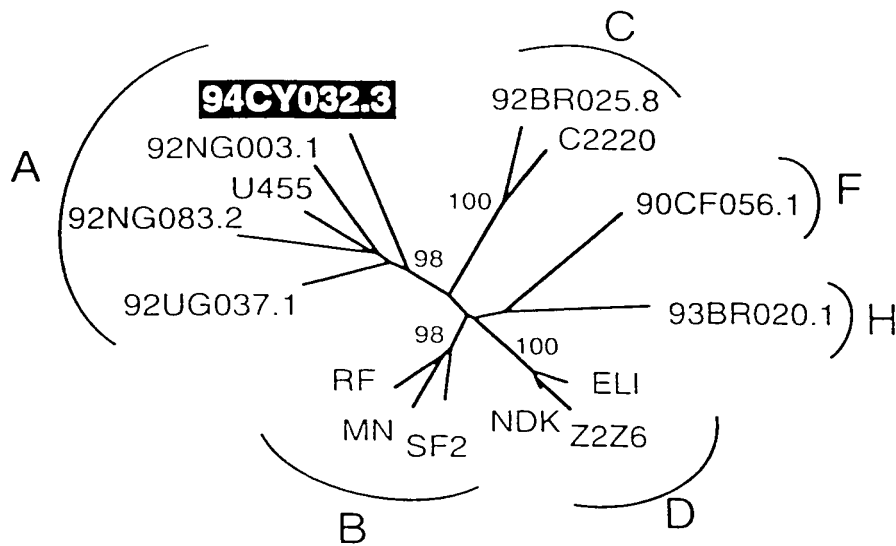
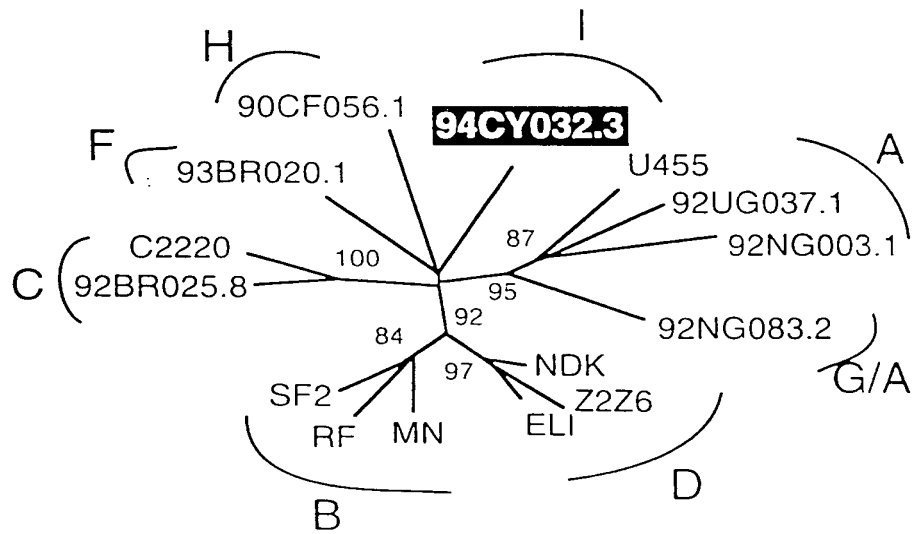


Fig. 10E

4641-5040



10% Divergence

Fig. 10F

A circular diagram showing the distribution of 1000 respondents by age group. The circle is divided into segments representing different age ranges: 18-24, 25-34, 35-44, 45-54, 55-64, 65-74, 75-84, and 85+. The segments are labeled with their respective percentages of the total respondents.



A circular diagram showing the distribution of 1000 respondents by age group. The circle is divided into segments representing different age ranges: 18-24, 25-34, 35-44, 45-54, 55-64, 65-74, 75-84, and 85+. The segments are labeled with their respective percentages of the total respondents.



A circular diagram showing the distribution of 1000 respondents by age group. The circle is divided into segments representing different age ranges: 18-24, 25-34, 35-44, 45-54, 55-64, 65-74, 75-84, and 85+. The segments are labeled with their respective percentages of the total respondents.

A circular diagram showing the distribution of 1000 respondents by age group. The circle is divided into segments representing different age ranges: 18-24, 25-34, 35-44, 45-54, 55-64, 65-74, 75-84, and 85+. The segments are labeled with their respective percentages of the total respondents.

5901-6300

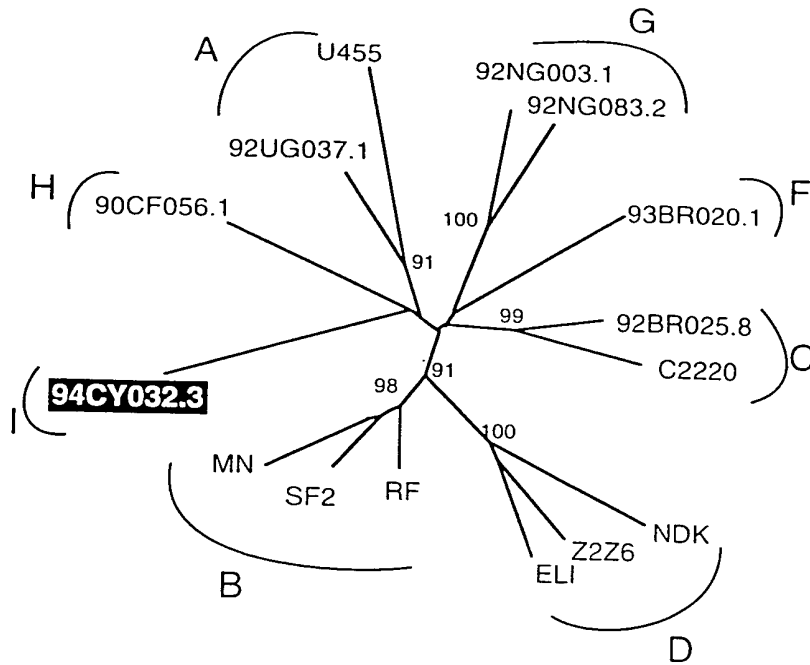


Fig. 10I

6821-7220

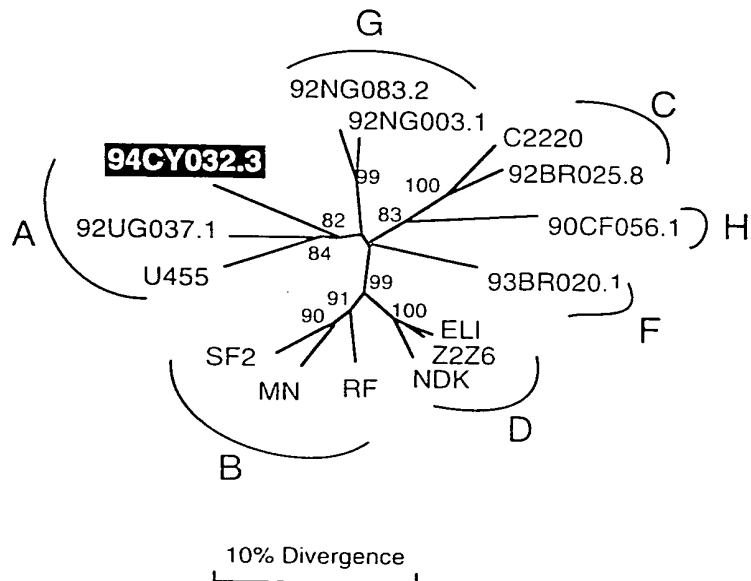
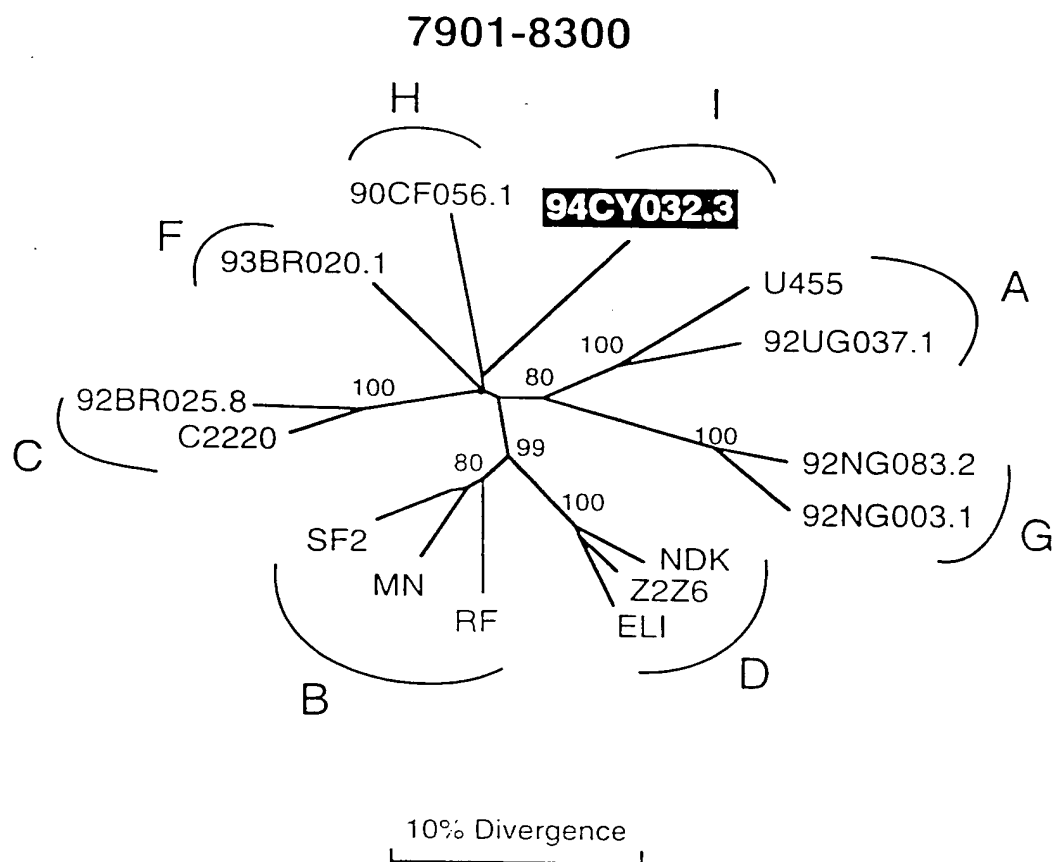


Fig. 10J



**Fig. 10K**

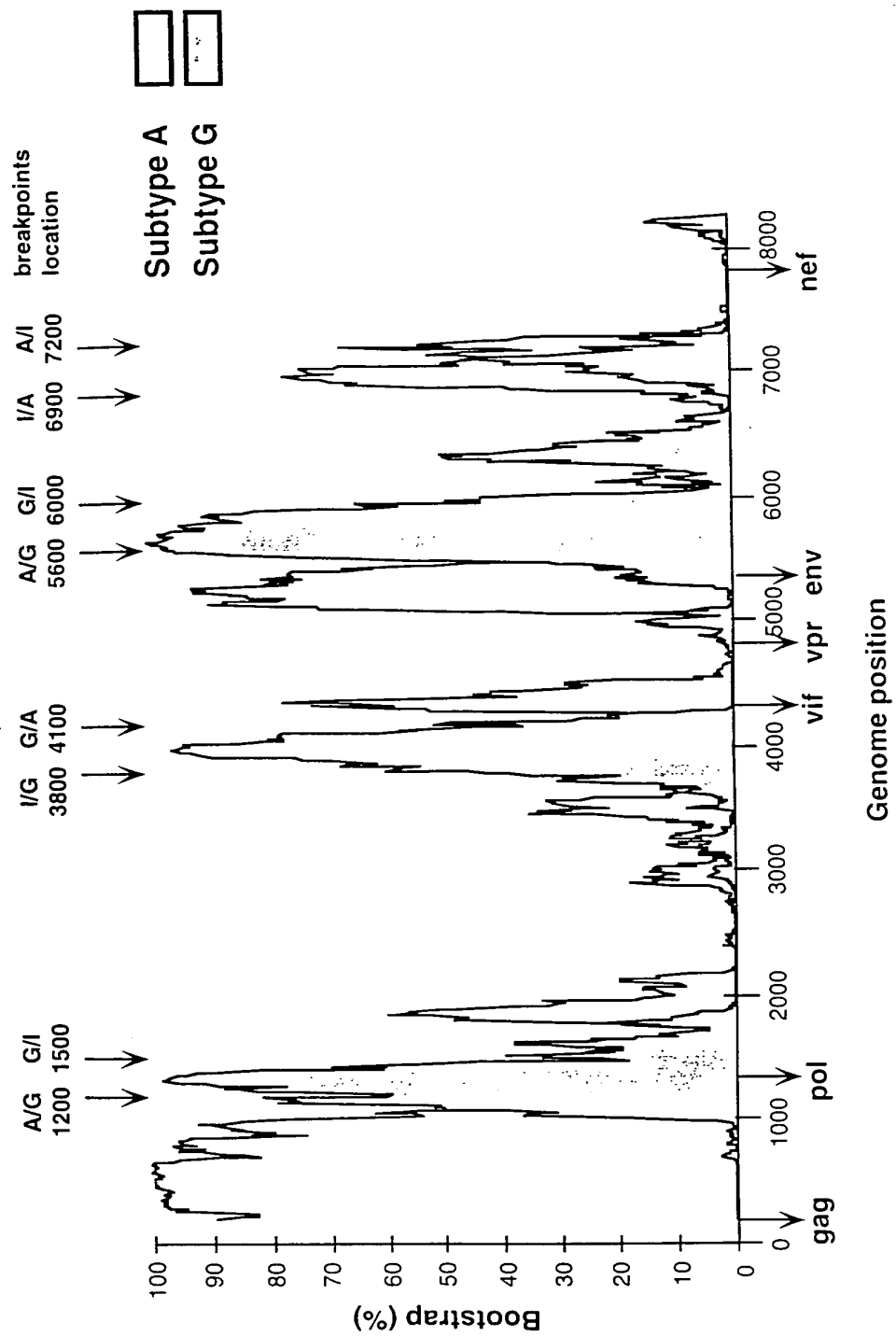


Fig. 11

4255-4650

4651-5000

5001-5300

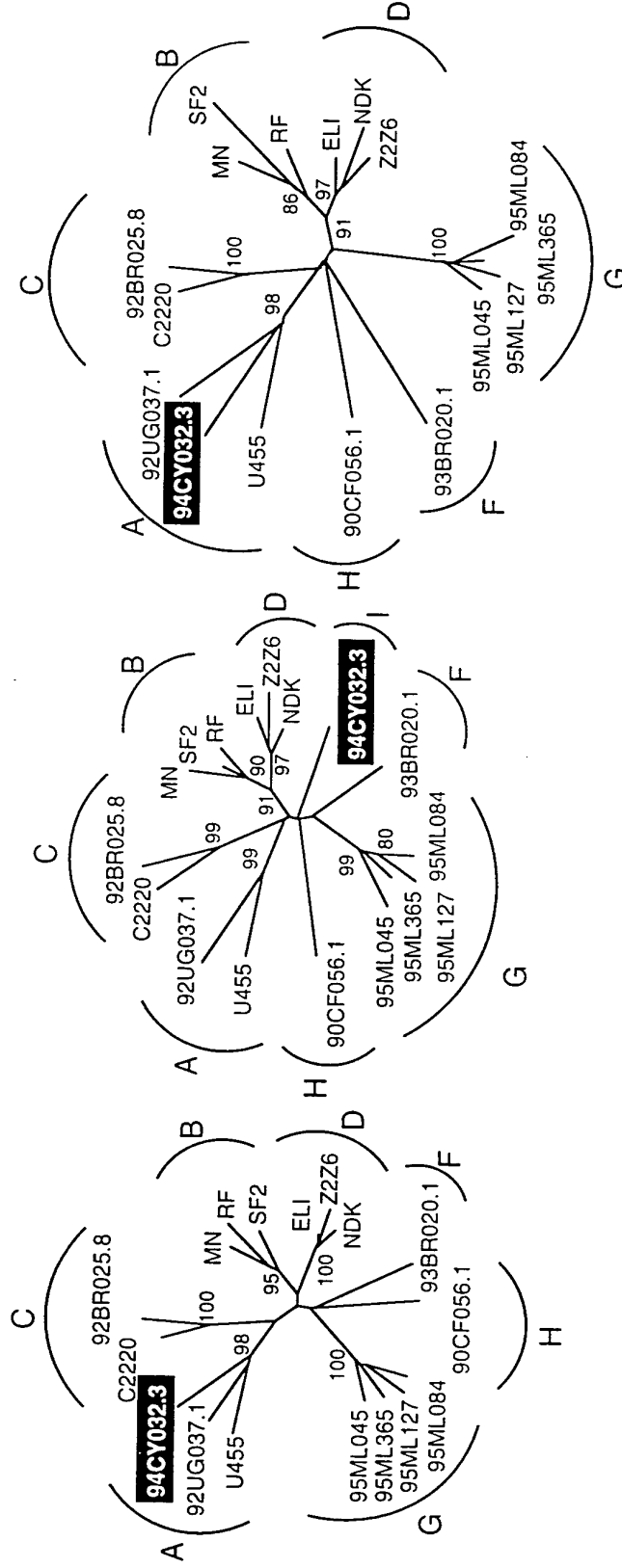


Fig. 12

93BR020.1	.....CTGAAAGCGAAAGTAA.ACCAGAGAAGAACTCTCGA	35
92NG083.2	ATGAAAGCGAAAGTTAATAGGGACTC-----A-----T-----TT-----	57
90CF056.1	.....T--T--T-----A-----T-----	36
92RW009.6	.....A-----G-----G-----T-----	36
92NG003.1	TTGAAAGCGAAAGTTAACAGGGACTC-----T-----TT-----	57
93BR029.4	.....GA-----G--CT--T--	36
94CY032.3	.TTGAAAGTGAAAGTTAATAGGACTC-----T-----TT-----	56
96ZM651.8	.....TG-----G-----G--T-----	35
96ZM751.3	.....C-----G-----G--T-----	36
94CY017.41	TTGAAAAGCGAAAGTAACAGGGACTC-----T-----G--TT-----	57
94IN476.104	.....T-----G-----G--T-----	36
93BR020.1	CGCAGGACTCGGCTTGCTGAA.GTGCACACGGCAAGAGGCGAGA.GCGGCGACTGGTGAG	93
92NG083.2	-----A-----	115
90CF056.1	-----A-----	94
92RW009.6	---G-----A-----T-----G-----	95
92NG003.1	-----G-----A-----	115
93BR029.4	-----C--G-----G-----GG-----	95
94CY032.3	-----G-----A-----	114
96ZM651.8	-----T-----G-----	93
96ZM751.3	-----T-----G-----	94
94CY017.41	-----G-----GG-----	116
94IN476.104	-----T-A-----GG-----	94
93BR020.1	TACGCC..AAAATT....TGACTAGCAGAGG.CTAGAAGGAGAGAGATGGGTGCGAGAG	145
92NG083.2	-----T--TT-----G--G-----G-----	168
90CF056.1	-----T--TGTTT-----G-----	149
92RW009.6	-----T--TA.TT-----G-----	151
92NG003.1	-----T--TT.T-----G-----	169
93BR029.4	-----AA--TAAAATTTG-----G-----	154
94CY032.3	-----T--TT-----G-----	168
96ZM651.8	-----TTATT-----G-----	149
96ZM751.3	-----T--TA.TT-----G-----	149
94CY017.41	-----TA-T-T-T-----G-----	171
94IN476.104	-----T--TTATT-----G-----	150
93BR020.1	CGTCAGTATTAAGCGGGGGGAAAATTAGATGCTTGGGAAAAAATTCGGTTAAGGCCGGGGG	205
92NG083.2	-----T-----A-----	228
90CF056.1	-----C-----G-----C-----A-----	209
92RW009.6	---A-----A-C-----C-----AA--A--A-----	211
92NG003.1	-----A-----A-----G-----A-----	229
93BR029.4	-----A-----G-----AAA-----A-----A--A-----	214
94CY032.3	-----T-----A-----G--GG-----A-----	228
96ZM651.8	---A-----A-----AAA-----A--C-----A-----	209
96ZM751.3	---A-----A--C-----AA-----G--A-----A-----	209
94CY017.41	---A-----A-----G-----A-----	231
94IN476.104	---A-----A-----AGA-----A-----	210
93BR020.1	G.AAAGAAAAAATATAGACTAAAACATCTAGTATGGGCAAGCAGGG.AGCTAGAACGATT	263
92NG083.2	---G-----G-----A-----A-----A--G-GGA-----	286
90CF056.1	-----G-----G-----A-----	267
92RW009.6	-G-----C-----TGA-G-----C-----G--A-----	270
92NG003.1	-----A-G-----T-----A--G--GA-----	287
93BR029.4	---C-T-----T-----A-----G-----	273
94CY032.3	-----G-----A-----T-G--A-----	286
96ZM651.8	-----CGC-----TGA-----C-----G--A-----	267
96ZM751.3	---A--GC-C-----TGA-G-----CT--A-----G--A-----	267
94CY017.41	-----G-----T-G-----G--GAA-----	289
94IN476.104	-----C-T-----TGA-----CT-----G--A-----	268
93BR020.1	TGCACTTGATCCAGGCCCTTCTAGAAACATCAGAAGGCTGTCGAAAAATAATAGGACAGTT	323
92NG083.2	-----A-C-GT-A-----T-----G-----T--GTGC-----GAA-----	346
90CF056.1	-----A-C--C-----T-----C-----T-C-G-----A--A-----	327
92RW009.6	-----A-C--T-A-----T-----G--C-----AA-C-----GA--C-----	330
92NG003.1	-----A-C--T-A-----CT-----A-----T--AGC-----GA--C-----	347
93BR029.4	C---G--A--T-----T-----G-----A--C-----C-G-A--C-----	333
94CY032.3	C-----A-C--T-----T-----G-----A--A-C--T-----G-A-----	346
96ZM651.8	---G--A-C--T-----T-----AA-C-----GAA--C-----	327
96ZM751.3	-----A-C--T-----T-----G-----AA-C-----CA--C-----	327
94CY017.41	CT--A--A-C--T-----T-----C-----G--A--A--C-----A-G-----	349
94IN476.104	---G--A-C--T-----T-----G--G-----C--A--AA-C-----AA--C-----	328

Fig. 13A

93BR020.1	ACAACCATCCCTTCAGACAGGATCAGAAGAGCTCAAATCATTATATAATACAATAGCAGT	383
92NG083.2	G-----G-T--CT-----A---G---T-G-----G---AC	406
90CF056.1	--G--G-TA--A-----A---A--T-----T---CT-G-----	387
92RW009.6	G-----G-T-----A---T--A--T-GG-----G---AC	390
92NG003.1	G-----T--C-----A---G--A-T-----T-----G---AC	407
93BR029.4	-----G-----A---G---A--T-G-----G---AC	393
94CY032.3	---T--A-T--CA-A-----A--T-G-----T--A--AC	406
96ZM651.8	-----G-T-----A-G--G--A--T-G-----C--C--G---AC	387
96ZM751.3	-----G-T--C-----A---G--A--T-GG-----G---AC	387
94CY017.41	-----G-T--C--A-----A---A--T-----G---T---	409
94IN476.104	---T--G-T--A-----A---G--A--T-GG-----TC--C--G---AC	388
93BR020.1	CCTCTATTATGTACATCAAAAGGTAGAGGTAAAAGACACCAAGGAGGCTTTAGAGAAGCT	443
92NG083.2	-----C-G-----A-----A--A--CC---G-AG-	466
90CF056.1	-----GC-----G---AA---T--G-----T--A-	447
92RW009.6	-----G-----A---T-----C---C--A-	450
92NG003.1	-----G-----G-A-----A--A--C---G-AG-	467
93BR029.4	-----G-----A---T-----A-----A--A-	453
94CY032.3	-----GG-GC-----GAA---T--C-----A-----T--AA-	466
96ZM651.8	T-----G-----G--GG-----CG-----A--C---C-G-A-	447
96ZM751.3	T-----G-----G-----A--A---CG-----A--CC---C--A-	447
94CY017.41	-----C-GG-----G-----T-----A--C---T--AA-	469
94IN476.104	T-----G-----GC-GG-A-----CG-----A--C---C--A-	448
93BR020.1	AGAGGAAGAACAAAACAAAGGTCGGCAAAAGACACAGCAA.....GCGACT	489
92NG083.2	G--AA--AT-----G--CA--A---G-A-T-----G.....GCA---A-AG	515
90CF056.1	-----AT-----A--A---A-----GCA---AG-	496
92RW009.6	-----A--A---A-----G.....GCAGAA--AG-	502
92NG003.1	G--AA--AT-----G--CA--A---G-A---A-G.....GCA---A-TG	516
93BR029.4	-----G-----A--AA-A---G-----GCA---AG-	501
94CY032.3	-----AT-----GT--GA-CAA-----G.....GCA---AG-	515
96ZM651.8	-----AT--A-----A-T-----AAAACACAGCAA---G-	505
96ZM751.3	-----A--AA---A-T--AA-----ACAGAA-----	499
94CY017.41	-----A--G--A-----T.....GCA---AG-	512
94IN476.104	-----A--A---A-T-----G.....GCAAAA-A-G-	500
93BR020.1	GCTGAAAAGG.....GGTCAGTCAAAATTACCCTATAGTACAGAATCTTCAGGGA	540
92NG083.2	AA---GG-AACAGTAACCCA---C-----T-----G-----GCA--A--G	575
90CF056.1	-A-A-GG--AAAGACAACAA-----T-----GC---A--G	556
92RW009.6	-ACA--GG-A.....AA-----G--A--GCA--A--G	553
92NG003.1	-G-A--GG-AACAGCAGCCAA--T--C-----T-----G-----GCA--A--G	576
93BR029.4	AACAC-GG-AACAACAGCCA---C-----G-----C-----G	561
94CY032.3	--C-C-GG--TAGCAGCAAT---C-----G--A--GCA--A--G	575
96ZM651.8	-AC-G-----T-----G-----C--A--G	553
96ZM751.3	-GC-G-----T-----G-----C--A--G	547
94CY017.41	-ACAC-GGGAACAGCAG.....T--C---G--A--GCA--A--G	566
94IN476.104	-AC-G-----T-----G--A---C--A--G	548
93BR020.1	CAAATGGTACACCACTCTTTATCACCTAGAACTTTAAATGCATGGGTAAAGGTATAGAA	600
92NG083.2	-----A---T--G-CA-----G---G---G-----A--AG----	635
90CF056.1	--G-----G-CA-----G--C-----A--AG----	616
92RW009.6	-----G-CA-----G---G-----A--AG----	613
92NG003.1	--G-----C-CA-----G-----A--A----	636
93BR029.4	-----G-CA-----A--AG----	621
94CY032.3	-----T--AGCA-T-----G-----A--A----	635
96ZM651.8	-----AAAC-----G-----A--A----	613
96ZM751.3	-----G--A-----G-----A--A-----G	607
94CY017.41	-----G--A-----G--G--G---C---C--A--AG----	626
94IN476.104	-----C-CC-----G---G-----A--A-----G	608
93BR020.1	GAGAAGGCTTTTAGTCCAGAAGTAATACCCATGTTTTCAGCATTATCAGAAGGGGCCACT	660
92NG083.2	--A-----C--C-----G--A-----C	695
90CF056.1	--A-----C-----A-----C	676
92RW009.6	-----C-A--G-----A-----A-----C	673
92NG003.1	--A--AAC--C-----A-----A-----C	696
93BR029.4	-----C-----A-----C	681
94CY032.3	--A-----C--C-----C-----G--A-----C	695
96ZM651.8	--A--A-----C--G-----A-----A-----C	673
96ZM751.3	-----G--C-AC-----G-----A-----C	667
94CY017.41	--A-----C--C-----T-----A-----A-----C	686
94IN476.104	-----C-----G-----CA-----A-----C	668

Fig. 13B



93BR020.1	CCACAAGATTTAAACACCATGTTAAATACAGTGGGGGACATCAAGCAGCCATGCAAATG	720
92NG083.2	-----T-----C-----G-----T-----	755
90CF056.1	-----C-----TG-T-----C-----G-----	736
92RW009.6	-----C-----	733
92NG003.1	-----G-T-----C-C-C-----G-----T-----	756
93BR029.4	-----TG-----C-C-----T-----	741
94CY032.3	-----G-----TG-----C-----T-----C-G-----A-----	755
96ZM651.8	-----	733
96ZM751.3	-----C-----	727
94CY017.41	-----C-----T-T-----C-----C-----T-----	746
94IN476.104	--CTCT-----	728
93BR020.1	TTAAAAGACACCATCAATGAGGAGGCTGCAGAATGGGACAGATTACATCCAACACAGGCA	780
92NG083.2	C---G-T-T-----T-A-----G-----GA-----CAG-----	815
90CF056.1	-----T-A-----A-----GG-----GTG-T---	796
92RW009.6	C-----T-A-----G-----T-GG-----GTG-----	793
92NG003.1	C-----TT-T-T-----A-A-----G-----T-GC-----CA-----	816
93BR029.4	-----A-----A-----G-----GTG-T---	801
94CY032.3	-----T-----A-----C-----GAC-----GT-T---	815
96ZM651.8	-----T-T-----C-----T-----GTG-T---	793
96ZM751.3	-----T-----A-----T-G-----GT-T---	787
94CY017.41	-----T-----A-----GG-----GT-T---	806
94IN476.104	-----T-----C-----G-----T-----GT-T---	788
93BR020.1	GGACCCATCCCCCAGGTCAGATAAGGGAACCTAGGGGAAGTGATATAGCTGGAAGTACT	840
92NG083.2	--G-T-T-A-----C-A-----A-G-----T-----A-----	875
90CF056.1	--G-T-T-A-----C-A-G-A-----A-----C-----A-----	856
92RW009.6	--G-TG-TG-G-----C-----A-----A-----C-----A-----	853
92NG003.1	-----T-T-A-----C-----A-----A-----	876
93BR029.4	-----T-----A-----C-----G-----	861
94CY032.3	--G-T-T-A-----C-----G-A-----A-----A-----	875
96ZM651.8	--G-T-TG-A-----C-A-G-A-----A-----A-----	853
96ZM751.3	--G-T-TG-A-----C-A-----A-----A-----C-----A-----	847
94CY017.41	--G-T-T-A-----C-----G-A-----A-----C-----A-----	866
94IN476.104	--G-T-AT-A-----C-----G-A-----A-----A-----	848
93BR020.1	AGTACCCTTCAGGAACAAATACAATGGATGACAGGCAACCCACCTGTCCCAGTGGGAGAA	900
92NG083.2	-----G-----AG-----CA-----A-----	935
90CF056.1	-----G-----GC-----T-G-A-----C-----	916
92RW009.6	-----GC-----AAT-----A-T-----	913
92NG003.1	-----G-----AC-----CA-----A-----	936
93BR029.4	-----A-----	921
94CY032.3	-----A-----GG-----A-----	935
96ZM651.8	-----C-A-----G-GC-----A-T-T-C-----A-T-----C-----	913
96ZM751.3	G-----GC-----AAT-----A-T-----C-----	907
94CY017.41	-----GGT-----CA-G-T-----CA-----	926
94IN476.104	-----GC-----T-----A-T-----C-----	908
93BR020.1	ATGTATAAAAGATGGATCATCTAGGATTAAATAAAATAGTAAGAATGTATAGCCCTGTC	960
92NG083.2	--C-----A-----G-----G-----	995
90CF056.1	--C-----A-----G-----G-----T-----	976
92RW009.6	-T-----A-T-G-G-----	973
92NG003.1	-T-----A-T-G-G-----G-----	996
93BR029.4	-T-----AC-----	981
94CY032.3	--C-----A--T-G-G-----C-----CA-T-----	995
96ZM651.8	-C-----A-T-G-G-----	973
96ZM751.3	--C-----A-T-G-G-----C-----	967
94CY017.41	-T-----A-----G-----	986
94IN476.104	--C-----A-T-G-G-----	968
93BR020.1	GGCATTTTGGACATAAGACAAGGGCCAAAAGAACCCTTTAGAGACTATGTAGACAGGTTC	1020
92NG083.2	A-----T-----T-----	1055
90CF056.1	A---C-----A-----T-----	1036
92RW009.6	A---A-----A-----G-----T-----C-----	1033
92NG003.1	A-T-----A-----C-----T-----G-T-----	1056
93BR029.4	A---C-G-----A-----G-----TC-A-T-----	1041
94CY032.3	A---C-----A-----C-----T-----T-----	1055
96ZM651.8	A-----A-----G-----C-----	1033
96ZM751.3	A---C-----A-----A-----G-----G-----TC-----	1027
94CY017.41	A-----A-----T-----G-T-----	1046
94IN476.104	A-----G-----C-----	1028

Fig. 13C

93BR020.1	TTTAAACCCCTAAGAGCTGAGCAAGCTACACAGGAAGTAAAGGGTTGGATGACAGACACC	1080
92NG083.2	-----TT-G-----A-----	1115
90CF056.1	-----TT-----C-----T-G-AA-----A-----	1096
92RW009.6	-----T-----C-A-----T-A-T-AAA-----T-----	1093
92NG003.1	-----TT-G-----C-----G-----AAAC-----	1116
93BR029.4	-A-----T-----A-----A-T-----T-----AAA-----A-----	1101
94CY032.3	-----TGT-C-----A-A-----C-G-G-AAA-----A-----	1115
96ZM651.8	-C-----TT-----A-G-----A-----AAA-----	1093
96ZM751.3	-----TT-----A-----A-T-----AA-----	1086
94CY017.41	-----T-----C-----G-----AAAC-----G-----	1106
94IN476.104	-----TT-----A-----A-----A-----	1088
93BR020.1	TTGTTGGTCCAAAATGCGAACCCAGATTGTAAGACCATTTTTAAAGCATTGGGACCAGGG	1140
92NG083.2	-----T-----A-----C-----G-----A-----A-----	1175
90CF056.1	-----A-----A-T-----C-----T-A-----G-----A-----	1156
92RW009.6	-----A-----A-----G-----A-----G-----	1153
92NG003.1	-----CC-----G-----A-----G-----A-----	1176
93BR029.4	-----C-A-----CA-----	1161
94CY032.3	C--C-----T-----C-----T-----C-----A-----A-----	1175
96ZM651.8	-----A-----C-----A-----	1153
96ZM751.3	-----T-----GG-----A-----	1146
94CY017.41	-----C-----GAT-----C-G-----A-----	1166
94IN476.104	-----A-----G-----A-----	1148
93BR020.1	GCTACACTAGAGGAAATGATGACAGCATGTCAGGGAGTGGGAGGACCTAGCCATAAGGCA	1200
92NG083.2	-----A-----C-----A-----	1235
90CF056.1	---T-A---A-----T-----A-----	1216
92RW009.6	---T-T---A-----C-----CG-----A-----	1213
92NG003.1	-----A-----T-----A-----C-----C-----A-----	1236
93BR029.4	-----A-----G-----CG-----A-----	1221
94CY032.3	-----T-A-----C-----A-----	1235
96ZM651.8	-----T-A-----A-----C-----A-----	1213
96ZM751.3	-----T-A-----G-----G-----C-----A-----	1206
94CY017.41	---CT-T---A-----C-----A-----	1226
94IN476.104	---T-T---A-----G-----A-----C-----A-----	1208
93BR020.1	AGAGTTTTGGCTGAGGCAATGAGCCAAGCAACAAAT.....ACAGCT...ATAATGATG	1251
92NG083.2	-----A-----G-----T-----GG-GCAGCAG-----AGCC-----	1295
90CF056.1	-----T-----ACA-ATA-AGCC-----	1273
92RW009.6	--G-----A-----T-CA-----CAAC--AAC-----	1264
92NG003.1	-----A-----GG-----GG-----ACAT-----AGCC-----	1293
93BR029.4	-----A-A-A-----T-----TCAGGTA-C-----	1275
94CY032.3	-----A-----G-----T-----GCAG-----AGCC-----	1292
96ZM651.8	-----G-----A-----AT-G-----GTA-A-----C-----	1264
96ZM751.3	-----A-----T-AC-----ACA-A-----	1257
94CY017.41	--G-----A-----T-T-CA-G-----ACA-ATA-AAAC-----	1283
94IN476.104	-----G-----T-CAT-G-----A-----	1256
93BR020.1	CAGAAAAGTAACTTTAAGGGCCAAAGAAGAATTGTTAAATGCTTTAATTGTGGCAAAGAA	1311
92NG083.2	-----C-T-----CG-----A-----G-T-C-C-----G-----	1355
90CF056.1	-----G-C-----A-T-----C-C-----G-----	1333
92RW009.6	---G-G-C-T---G-----A-----G-T-C-C-----	1324
92NG003.1	-----AC-T-----CG-----GG-A-----G-T-C-C-----G-----	1353
93BR029.4	---G-G-C-T---G-AA-----AG-C-A-----G-T-C-----	1335
94CY032.3	-----C-A-----C-A-----G-T-C-----G-----	1352
96ZM651.8	-----C-T-----A-AA-T-A-----G-----T-----C-----T-G-----	1324
96ZM751.3	-----C-T-----A-----CT-A-----T-C-C-----GG-----	1317
94CY017.41	---G-G-C-T---G-----T-----A-----A-----G-T-C-C-----G-----	1340
94IN476.104	---G-G-C-T---A-----CT-A-----C-C-----G-----	1316
93BR020.1	GGACACATAGCCAAAAATTGCAGGGCCCCCTAGAAAAAGGGCTGTTGGAAGTGTGGAAGA	1371
92NG083.2	-----TC-----G-----G-----A-----AG-----	1415
90CF056.1	-----G-----G-----A-----	1393
92RW009.6	-----C-----G-----A-----AG-----	1384
92NG003.1	-----TC-----G-----G-----A-----A-----AG-----	1413
93BR029.4	-G-----A-----G-----C-----A-----AG-----	1395
94CY032.3	-----TC-----G-----G-----C-----AG-----	1412
96ZM651.8	-G-----G-----G-----A-----AG-----	1384
96ZM751.3	-G-T-----GG-----T-G-G-----A-----AG-----	1377
94CY017.41	-----C-----G-----G-----C-----A-----AG-----	1400
94IN476.104	-G-----G-----GA-----A-----GCA-----	1376

Fig. 13D

--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--

93BR020.1	CAAAAATGATAGGGGGAATTGGAGGTTTTATCAAAGTAAACAGTATGATAGCATACTCA	1770
92NG083.2	-----G-----CAA-----T-	1811
90CF056.1	-----G-----GCAAG--GC--	1789
92RW009.6	-----G-----CAA-----T-	1774
92NG003.1	-----A-----CAA-----T-	1809
93BR029.4	-----G-----CAA-----C-	1794
94CY032.3	-----C-----G--A-----CAG---CT-	1808
96ZM651.8	-----A-----C-----G-----G--A-----CAA---CT-	1771
96ZM751.3	-----A-----G-----G-----CAA---T-	1782
94CY017.41	-----G--A-----CAG---GCT-	1799
94IN476.104	-----A-----G-----CAA---T-	1763
93BR020.1	TAGAAATTTGTGGACACAGAGCTATAGGTACAGTGTTAGTAGGACCTACGCCTGTCAACA	1830
92NG083.2	-----G-----A-A-AG-----G-----A-----A--A-T----	1871
90CF056.1	-----C-----A-A-AG-----A-----A-----T-	1849
92RW009.6	-----A-A-AG-----A-----AT-----	1834
92NG003.1	-----GAA--GA-A-AG-----G-----AC-----A--A-----	1869
93BR029.4	-----GT-A-----C-----A-----A-----	1854
94CY032.3	-----A-A-AG--C-----C-----A-----	1868
96ZM651.8	-G-----A-A-AG-----A-----A-----	1831
96ZM751.3	-----A-A-AG-----A-----A-----	1842
94CY017.41	-----A-A-G--C-----A-----C-----	1859
94IN476.104	-----A-A-AG-----A-----A-----	1823
93BR020.1	TAATTGGAAGAAATATGTTGACCCAGATTGGTTGTACTTTACATTTTCCAATTAGTCCTA	1890
92NG083.2	-----G-----T-----A-C-----A-----	1931
90CF056.1	-----G-----A-----T--A-----C--C-----A-----	1909
92RW009.6	-----A-----A-C-----	1894
92NG003.1	-----G-----T--A-----A-----	1929
93BR029.4	-----C-----T-----C--C-----A-----C-----	1914
94CY032.3	-----C--C-----T--C-----A-----	1928
96ZM651.8	-----T--C-----A--C--AC--A-----	1891
96ZM751.3	-----G-----C-----C--C--AC--A-----	1902
94CY017.41	-----C-----GTT--C-----A-----	1919
94IN476.104	-----G-----T--C-----A--C--C--A-----C--C-	1883
93BR020.1	TTGAGACTGTACCAGTAAAAATTGAAGCCAGGAATGGATGGCCCAAAGGTTAAACAATGGC	1950
92NG083.2	-----A-----A-----G-----	1991
90CF056.1	-----A-----A-----	1969
92RW009.6	-----GC-----A-----	1954
92NG003.1	-----A--A-----A-----	1989
93BR029.4	-----A-----G-----	1974
94CY032.3	-----A-----A-----	1988
96ZM651.8	-----A-----A-----	1951
96ZM751.3	-----A-----A-----G--C-----	1962
94CY017.41	-----A-----A-----T-----	1979
94IN476.104	-----A-----A-----G-----	1943
93BR020.1	CATTGACAGAAGAAAAAATAAAAGCATTAAACAGAAATATGTATGGAAATGGAAAAGGAAG	2010
92NG083.2	-----G-----T---AA--C-----	2051
90CF056.1	-----G-----T---CA--G-----A---	2029
92RW009.6	-----G-----T---CA-----A--G-	2014
92NG003.1	-----G-----T---CA--T-----	2049
93BR029.4	-----CA-----A---	2034
94CY032.3	-----C-----G-----CA--C-----	2048
96ZM651.8	-----G-----T-----C--T--GAA-----G-----	2011
96ZM751.3	-----C-----T--GAA-----	2022
94CY017.41	-----C-----AA-----	2039
94IN476.104	-----G-----T---AA-----G-----	2003
93BR020.1	GAAAAATTTCAAAAAATTGGGCCTGAAAAATCCATACAATACTCCAGTATTTGCCATAAAGA	2070
92NG083.2	-----T--C-----A--C-----	2111
90CF056.1	-----C--G--A-----G-----GC-----A-----A---	2089
92RW009.6	-----C-----T--C-----A---	2074
92NG003.1	-----A-----C-----A-----	2109
93BR029.4	-----C-----	2094
94CY032.3	-C--G-----A-----T-----	2108
96ZM651.8	-----A-----T--C-----A---	2071
96ZM751.3	-----A-----C-----G-----T--C-----A---	2082
94CY017.41	-----C-----G-----T-----	2099
94IN476.104	-----A-----T--C-----A---	2063

Fig. 13F

93BR020.1	AAAAAGACAGTACTAAATGGAGGAAATTAGTAGATTTTCAGAGAACTTAATAAAAGAACTC	2130
92NG083.2	-----A-----G-----	2171
90CF056.1	-G-G-T-----A-----G-----C-----	2149
92RW009.6	-G-G-T-----G-----A-----G-----C-C-----	2134
92NG003.1	-----A-G-G-----G-C-----	2169
93BR029.4	-----T-----A-----G-----	2154
94CY032.3	-----C-----A-----C-----	2168
96ZM651.8	-G-G-----G-C-A-----G-C-----	2131
96ZM751.3	-G-G-----G-A-----G-C-----	2142
94CY017.41	-----C-----A-----T-C-----G-----	2159
94IN476.104	GG--G-----G-----A-----G-G-C-----	2123
93BR020.1	AAGATTTTGGGAGGTTCAATTAGGAATACCGCATCCAGCAGGGTTAAAAAGAAAAAGT	2190
92NG083.2	---C-C-----C-----T-C-C-G-----GA-	2231
90CF056.1	---C-C-----A-----G-----A-C-----A-	2209
92RW009.6	---C-----A-C-----G-----A-C-----G-----A-	2194
92NG003.1	---C-C-----C-----C-----T-C-G-----GA-	2229
93BR029.4	---C-C-----A-----G-----G-----A-C-----A-	2214
94CY032.3	-G-C-C-----A-----G-----C-----G-----A-	2228
96ZM651.8	---C-----A-----A-C-----A-	2191
96ZM751.3	-G-C-----A-----A-C-----G-----	2202
94CY017.41	---C-C-----A-----G-----A-----A-----AG	2219
94IN476.104	---C-----A-----A-----A-C-----T-----A-	2183
93BR020.1	CAGTAACAGTACTGGATGTGGGGGATGCATATTTTTCAGTTCCTTAGATAAGGATTTC	2250
92NG083.2	---G-----A-----A-----C-----A-C-T-	2291
90CF056.1	---T-----C-----T-----A-A-	2269
92RW009.6	---G-----C-C-----T-----G-AGC---	2254
92NG003.1	-----A-----A-----C-----G-AA-C-T-	2289
93BR029.4	-----T-----A-----A-C---	2274
94CY032.3	-----T-----CCA-G---	2288
96ZM651.8	---G-----T-----G-AAGC---	2251
96ZM751.3	---G-----G-----T-----G-A-GC---	2262
94CY017.41	-----T-----C-----C-----C-G-A-C---	2279
94IN476.104	---G-----T-----G-A-GC---G	2243
93BR020.1	GGAAGTACACTGCATCCACCATACCTAGTACCAACAATGAGACACCAGGAGTTAGGTACC	2310
92NG083.2	-A-----T-----TT-T-----TA-T-----GA---A-T-	2351
90CF056.1	-A-----T-----T-----TA-----GA---A-T-	2329
92RW009.6	---A-T-----T-----TA-----A-----A-----T-	2314
92NG003.1	-A-----T-A-----T-T-----TA-T-----GA---A-T-	2349
93BR029.4	-----T-----TT-----A-----A-----GC---A-T-	2334
94CY032.3	-----T-----T-----A-----A-T-	2348
96ZM651.8	---A-T-----T-----A-----A-----GA---A-T-	2311
96ZM751.3	---A-T-----T-----TA-----A-----T-GA---A-T-	2322
94CY017.41	-A-A-T-----T-----T-----T-----T-	2339
94IN476.104	---A-T-----T-----TA-----A-----GA---A-T-	2303
93BR020.1	AGTACAATGTGCTTCCACAAGGATGGAAAGGATCACCAGCAATATTCCAATATAGCATGA	2370
92NG083.2	-A-----G-----T-GAG-----	2411
90CF056.1	---T-----G-----GAG-----	2389
92RW009.6	-A-T-----G-----A-----T---	2374
92NG003.1	-----G-----T-GAG-----	2409
93BR029.4	-----G-G-----AG-----	2394
94CY032.3	-----G-C-----G-----	2408
96ZM651.8	-A-T-----G-----GAG-----	2371
96ZM751.3	-A-T-----G-----T-----GAG-----	2382
94CY017.41	-----A-----G-----GAG-----	2399
94IN476.104	-A-T-----G-----GAG-----	2363
93BR020.1	CAAAAATCTTAGATCCCTTTAGAGCAAAAATCCAGACATAGTTATCTACCAATACATGG	2430
92NG083.2	-----T-----G-T-C-----A-----A-G-G-----	2471
90CF056.1	---CG-----G-----A-C-----T-A-G-----T-----	2449
92RW009.6	-----G-----G-C-----C-A-----A-----G-----T-----T-----	2434
92NG003.1	-----A-----A-G-----A-----G-----T-G-----	2469
93BR029.4	-----G-T-----AA-C-----T-----	2454
94CY032.3	-----G-----TTC-----C-----A-----C-A-----T-----	2468
96ZM651.8	-----G-----C-G-----C-----C-----T-----T-----	2431
96ZM751.3	T-----G-----G-----GA-C-----C-----A-----T-----T-----	2442
94CY017.41	---G-----G-----T-G-----A-----AT-A-C-----	2459
94IN476.104	-----G-----G-----CG-----A-A-----C-----T-----T-----	2423

Fig. 13G

93BR020.1	ATGATTTGTATGTAGGGTCTGACTTAGAAATAGGACAGCATAGAACAAAAATAGAAGAGT	2490
92NG083.2	-----A-----A-----G-----G-----G-----	2531
90CF056.1	-----A-----A-----G-----A-----G-----G-----	2509
92RW009.6	-----C-----C-----A-----G-----A-----G-----G-----	2494
92NG003.1	-----A-----A-----C-----G-----G-----G-----A-----	2529
93BR029.4	-----A-----A-----G-----T-----G-----G-----A-----	2514
94CY032.3	-----G-----A-----G-----C-----	2528
96ZM651.8	-----CC-----A-----G-----A-----G-----	2491
96ZM751.3	-----C-----A-----T-----G-----A-----C-----G-----	2502
94CY017.41	-----C-----A-----T-----A-----C-----GT-----G-----A-----	2519
94IN476.104	-----C-----G-----T-----G-----G-----G-----	2483
93BR020.1	TAAGAGAACATCTACTGAAATGGGGATTAACACACCAGACAAAAAACATCAAAAAAGAAC	2550
92NG083.2	-----G-----C-----T-----G-----	2591
90CF056.1	-----CT-----T-----GT-----T-----C-----G-----	2569
92RW009.6	-----T-----A-----G-----T-----C-----G-----G-----	2554
92NG003.1	-----A-----T-----G-----T-----C-----T-----G-----	2589
93BR029.4	-----G-----C-----G-----T-----GT-----GG-----T-----C-----G-----	2574
94CY032.3	-----G-----T-----G-----C-----C-----G-----	2588
96ZM651.8	-----T-----A-----G-----T-----C-----G-----G-----	2551
96ZM751.3	-----C-----T-----G-----T-----G-----G-----G-----G-----	2562
94CY017.41	-----G-----CT-----CT-----T-----TTA-----G-----G-----	2579
94IN476.104	-----C-----T-----A-----G-----C-----C-----T-----G-----G-----	2543
93BR020.1	CCCCATTCCCTTTGGATGGGGTATGAACCTCCATCCTGATAAATGGACAGTGCAGCCTATAC	2610
92NG083.2	-----A-----G-----C-----G-----A-----A-----	2651
90CF056.1	-----T-----T-----A-----C-----A-----A-----G-----A-----	2629
92RW009.6	-----T-----T-----T-----C-----T-----C-----A-----A-----	2614
92NG003.1	-----T-----T-----C-----A-----G-----C-----G-----A-----A-----	2649
93BR029.4	-----T-----T-----T-----A-----G-----A-----G-----	2634
94CY032.3	-----T-----C-----	2648
96ZM651.8	-----T-----C-----A-----	2611
96ZM751.3	-----T-----C-----A-----A-----A-----	2622
94CY017.41	-----T-----T-----A-----G-----T-----C-----C-----A-----	2639
94IN476.104	-----T-----C-----A-----A-----	2603
93BR020.1	AATTGCCAGACAAGGACAGCTGGACTGTCAATGATATACAGAAGTTAGTAGGAAAATAA	2670
92NG083.2	-----GC-----A-----AGAT-----A-----G-----	2711
90CF056.1	-----C-----A-----A-----G-----G-----	2689
92RW009.6	-----GC-----A-----T-----G-----T-----	2674
92NG003.1	-----GC-----A-----A-----A-----A-----A-----G-----	2709
93BR029.4	-----TGC-----A-----A-----C-----G-----T-----G-----	2694
94CY032.3	-----CC-----G-----A-----T-----C-----C-----G-----	2708
96ZM651.8	-----GC-----G-----A-----A-----T-----T-----G-----T-----	2671
96ZM751.3	-----GC-----A-----G-----G-----G-----T-----	2682
94CY017.41	-----GC-----A-----A-----A-----G-----T-----	2699
94IN476.104	-----GC-----A-----T-----G-----T-----	2663
93BR020.1	ATTGGGCAAGTCAGATTTATCCAGGGATTAAAGTAAAACAATTATGTAAACTCCTTAGGG	2730
92NG083.2	-----G-----CC-----G-----	2771
90CF056.1	-----AAT-----G-----C-----	2749
92RW009.6	-----C-----C-----G-----GG-----G-----	2734
92NG003.1	-----G-----C-----	2769
93BR029.4	-----G-----GG-----	2754
94CY032.3	-----G-----T-----	2768
96ZM651.8	-----C-----CG-----GG-----C-----T-----	2731
96ZM751.3	-----C-----CG-----GG-----C-----G-----	2741
94CY017.41	-----G-----G-----C-----G-----A-----	2759
94IN476.104	-----C-----C-----G-----GG-----C-----T-----	2723
93BR020.1	GAGCCAAGGCACTAACAGACATAGTGCCACTGACTACAGAAGCAGAGTTAGATTGGCAG	2790
92NG083.2	-----G-----A-----A-----C-----A-----GG-----AA-----G-----GC-----	2831
90CF056.1	-----G-----A-----T-----A-----A-----A-----A-----G-----	2809
92RW009.6	-----A-----A-----T-----A-----A-----GA-----A-----	2794
92NG003.1	-----G-----A-----A-----GA-----A-----	2829
93BR029.4	-----A-----A-----AG-----A-----A-----AG-----G-----C-----C-----	2814
94CY032.3	-----T-----A-----C-----A-----A-----G-----A-----	2828
96ZM651.8	-----A-----A-----A-----GA-----A-----	2791
96ZM751.3	-----A-----A-----T-----GA-----G-----A-----	2801
94CY017.41	-----A-----AA-----A-----A-----A-----	2819
94IN476.104	-----G-----A-----A-----A-----GA-----A-----A-----	2783

Fig. 13H

93BR020.1	AGAATAGGGAGATTCTAAAAGAACAGTACATGGGGCATATTATGACCCGTCAAAGACT	2850
92NG083.2	---C---A---T---A-TC---C---A---A---	2891
90CF056.1	-A-C---G-G---A---A-T---T---A---	2869
92RW009.6	-A-C---A---T---A-T---A---A---	2854
92NG003.1	---C---A---T---A-TC---C---A---A---	2889
93BR029.4	-A-C---A---A-TG---C---C---A---	2874
94CY032.3	---C---A---A---A---A---A---	2888
96ZM651.8	---C-A---A---T---T---A---A---	2851
96ZM751.3	---GC---A---A---A-T---A---A---	2861
94CY017.41	---C---A---T---ACC-T---T---C---A---	2879
94IN476.104	---C---A---G---A-T---A---A---	2843
93BR020.1	TAATAGCAGAAATACAGAAACAAGGGCAAGGGCAATGGACATATCAAATTTATCAAGAGC	2910
92NG083.2	-----G-----G-----C-AC-----	2951
90CF056.1	-----G-G-----C-----G---	2929
92RW009.6	-----T-----G---T-AC-----C---A-	2914
92NG003.1	-----T-----TGC-AC-----	2949
93BR029.4	-----G-----C-----A---	2934
94CY032.3	-----G-----T-----A---	2948
96ZM651.8	-G-----T-----T-AC-----C-G-A-	2911
96ZM751.3	-----T-----T-AC-----G---C---A-	2921
94CY017.41	-----AC-----G---A-	2939
94IN476.104	-----T-----G---T-AC-----C---A-	2903
93BR020.1	CATTTAAAAATCTAAAAACAGGAAAGTATGCAAAATGAGGTCTGCCACACTAATGATG	2970
92NG083.2	---AC-----A-----G-G-----	3011
90CF056.1	-----G-G-----A-----AA-----A	2989
92RW009.6	---C-----G-----G---A-----C-	2974
92NG003.1	---AC-----G-----G-G-----	3009
93BR029.4	---A-----T-G-----GG-----GG-----	2994
94CY032.3	---CA-----G-----G-----G-CC-A-----	3008
96ZM651.8	---C-----G-----G-----A-A-----	2971
96ZM751.3	---C-----G-----A-----	2981
94CY017.41	-C-----G-----G-----G-A-----G-----CA-----A	2999
94IN476.104	---C-----G-----G-----A---T-----	2963
93BR020.1	TAAAACAGTTAACAGAAGCAGTGCAAAAGATATCTCTAGAAAGCATAGTAATATGGGGCA	3030
92NG083.2	---A-----T-----A---G-CAC---GG-----C---A-	3071
90CF056.1	---A-----A-----AC-----A-	3049
92RW009.6	---G-----G-CA-G-----A-	3034
92NG003.1	---A-----A---G-CAC---G-----A-	3069
93BR029.4	---AC-----G-----A---A-CAC-----A-	3054
94CY032.3	-T-G---A-----G-CA-G---T-----A-	3068
96ZM651.8	---G-----A---G-C-G---G-----A-	3031
96ZM751.3	---G-G-----A---G-CA-G-----A-	3041
94CY017.41	---A-----A---A-CA-G-----G-----A-	3059
94IN476.104	---G-----A---G-CA-----A-	3022
93BR020.1	AGACTCCTAAGTTTAGACTACCCATATTAAGAGACATGGGATACATGGTGGACAGAGT	3090
92NG083.2	---T---A---A---T---CG---A---AGT---	3131
90CF056.1	-A-T---A---T---CA---A---G-C-----	3109
92RW009.6	---A---A---T---CCAG---A---A---C-	3094
92NG003.1	-AGT---A---A---T---AGG---A---AGT---	3129
93BR029.4	---T---A---A---CA---A---G---AG---T---	3114
94CY032.3	---T---A---T---CA---G---A---C---A-	3128
96ZM651.8	---T---A---CCA---A---A---C-	3091
96ZM751.3	---T---A---G---TCA---A---G---C-	3101
94CY017.41	---A---A-T---CA---G---A---G---G-G---	3119
94IN476.104	---C---A---CCA---A---G---G---C-	3082
93BR020.1	ACTGGCAAGCCACCTGGATTCTGAGTGGGAGTTTGTCAATACCCCCCTCTAGTAAAC	3150
92NG083.2	-----G-G-----T-----	3191
90CF056.1	-T---A-----A-----T-C---T-A-----T	3169
92RW009.6	-T---T-----T-----T-C-----T	3154
92NG003.1	-T---G-----T-----T-----GT	3189
93BR029.4	-T---T-----T---CT---G---T	3174
94CY032.3	-T---G---C---A---A---T---T-----T	3188
96ZM651.8	-T-----T---T-TCT-----T	3151
96ZM751.3	-T-----T---T---C-----T	3161
94CY017.41	-T---G-T-----T-----T-----	3179
94IN476.104	-T---G-----T-----T---C-----T	3142

Fig. 13I

93BR020.1	TATGGTATCAGTTAGAAACAGAGCCCATAGTAGGAGCAGAAACCTTCTATGTAGATGGGG	3210
92NG083.2	-----A-----A-----CC-----T-A-----	3251
90CF056.1	-----C-----C-----G-A-----A-----T-----G-T-----A-----A-----	3229
92RW009.6	-----C-----C-----G-A-----A-----T-----G-T-----A-----A-----	3214
92NG003.1	-----GA-----A-----CC-----T-A-----	3249
93BR029.4	-----C-----G-A-----A-----T-----	3234
94CY032.3	-----C-----C-----C-----C-----T-----	3248
96ZM651.8	-----C-----C-G-----G-A-----A-----A-----	3211
96ZM751.3	-----C-----C-G-----G-A-----A-----C-----T-A-----A-----	3221
94CY017.41	-G-----C-----A-----A-----C-----T-----	3239
94IN476.104	-----C-----C-----A-----A-----T-----A-----	3202
93BR020.1	CATCTAATAGAGAGACCAAAAAAGGAAAAGCAGGATATGTTACTGACAGAGGAAGACAAA	3270
92NG083.2	--G-----G-----A-----TT-----G-----C-----A-----A-----	3311
90CF056.1	--G-----G-----A-----T-----TT-----C-----T-----AG-----	3289
92RW009.6	--G-----C-G-----A-----T-----T-----G-----G-----G-----G-----	3274
92NG003.1	--G-----A-----A-----A-----TT-----G-----A-----	3309
93BR029.4	--G-----G-----A-----T-----TT-----G-----	3294
94CY032.3	--G-----A-----A-----C-G-----T-----C-----	3308
96ZM651.8	--G-C-----G-----A-----T-----TT-----G-----A-----G-----	3271
96ZM751.3	--G-C-----G-----A-----T-----T-----G-----G-----G-----	3281
94CY017.41	--G-----C-----T-----CT-----G-----G-----C-----	3299
94IN476.104	--G-----G-----A-----T-----GT-----G-----G-----G-----G-----	3262
93BR020.1	AAGCGGTCTCCCTAACTGAGACTACAAATCAGAAGGCTGAGTTACAAGCAATTCAGTTAG	3330
92NG083.2	--ATTA-TA-----A-----A-----C-----A-----T-----AC-----	3371
90CF056.1	--TT-----G-----A-----A-----A-----A-----T-----TC-----	3349
92RW009.6	--ATT-----T-----T-----A-----A-----A-----A-----C-----	3334
92NG003.1	--ATTA-----A-----A-----CAG-----A-----A-----AA-----A-----C-----	3369
93BR029.4	--TT-----C-----G-----C-----A-----AA-----TC-----	3354
94CY032.3	--TT-----T-----A-----A-----A-----A-----T-----C-----	3368
96ZM651.8	--ATT-----TA-----T-----A-----A-----A-----T-----CC-----	3331
96ZM751.3	--ATT-----TA-----T-----A-----A-----A-----A-----	3341
94CY017.41	--ATT-----G-----G-----A-----A-----A-----A-----T-----CT-----T-----G-----	3359
94IN476.104	--ATT-----T-----TT-----A-----A-----A-----A-----G-----C-----	3322
93BR020.1	CTTTACAGGATTACAGATCAGAAGTAAACATAGTAACAGACTCACAGTATGCATTAGGAA	3390
92NG083.2	---G-----C-----A-----C-----A-----T-----C-----	3431
90CF056.1	---G-----A-----G-----T-----G-----G-----T-----C-----	3409
92RW009.6	---G-----G-----T-----A-----	3394
92NG003.1	---G-----	3429
93BR029.4	---G-----G-----T-----A-----	3414
94CY032.3	---G-----	3428
96ZM651.8	---G-----A-----T-----G-----	3391
96ZM751.3	---G-----	3401
94CY017.41	---G-----T-----G-----G-----T-----	3419
94IN476.104	---G-----A-----A-----	3382
93BR020.1	TCATTCAAGCACAAACCAGATAAGAGTGAATCAGAGTTAGTCAATCAAATAATAGAGCAAT	3450
92NG083.2	-----G-----G-----A-----A-----G-----C-----	3491
90CF056.1	-----C-----C-----G-----T-----G-----	3469
92RW009.6	-----GC-----C-----G-----GC-----A-----G-----	3454
92NG003.1	-----G-----A-----A-----A-----GC-----	3489
93BR029.4	-----T-----AA-----G-----	3474
94CY032.3	-----GA-----T-----T-----G-----	3488
96ZM651.8	-----T-----C-----A-----	3451
96ZM751.3	-----C-----A-----A-----G-----	3461
94CY017.41	-----A-----G-----A-----AA-----	3479
94IN476.104	-----A-----C-----A-----	3442
93BR020.1	TAATAAAAAAGGAAAAGGTCTACCTGTCATGGGTACCAGCACACAAAGGGATTGGAGGAA	3510
92NG083.2	-----G-----A-----	3551
90CF056.1	-----GA-----T-----A-----	3529
92RW009.6	-----T-----AA-----A-----G-----	3514
92NG003.1	-----A-----G-----A-----	3549
93BR029.4	-----CGG-----C-----	3534
94CY032.3	-----G-----G-----T-----A-----T-----	3548
96ZM651.8	-G-----G-----T-----A-----	3511
96ZM751.3	-G-----G-----T-----A-----	3521
94CY017.41	-G-----G-----A-----	3539
94IN476.104	-----C-----A-----GA-----T-----T-----A-----G-----	3502

Fig. 13J



93BR020.1	ATGAACAAGTAGATAAATTAGTCAGTGCTGGAATCAGGAAAGTACTGTTTCTAGATGGGA	3570
92NG083.2	-----GC-----AG-----T-A-----T-G-----C-	3611
90CF056.1	-----T-----T-----G-----A-----G-----A-----	3589
92RW009.6	-----A-----AG-----G-----G-----A-----	3574
92NG003.1	-----AG-----A-----T-----C-----	3609
93BR029.4	-----C-----T-----A-----T-----A-----	3594
94CY032.3	-----CAA-----A-G-G-A-----T-----A-----	3608
96ZM651.8	-----G-----A-CAAG-----G-----A-----	3571
96ZM751.3	-----G-A-AG-----G-----A-----	3581
94CY017.41	-----C-----T-----G-A-----T-----	3599
94IN476.104	-----G-----A-AG-----T-----	3562
93BR020.1	TAGATAAGGCACAAGAGGAACATGAAAAATATCACACAATTGGAGAGCAATGGCTAGTG	3630
92NG083.2	-----A-C-----A-----G-----G-----	3671
90CF056.1	-----A-T-----A-----GG-----T-----G-----	3649
92RW009.6	-----T-----A-----G-----G-----	3634
92NG003.1	---C-A-T-----C-----G-----G-----	3669
93BR029.4	-----C-----A-----G-----T-----	3654
94CY032.3	-----T-----A-----G-----T-C-----	3668
96ZM651.8	---C---T---A-G-----	3631
96ZM751.3	-----T-----A-G-----G-----	3641
94CY017.41	-----T-----G-----G-----CA--	3659
94IN476.104	-----T-----A-T-----G-----G-----A--	3622
93BR020.1	ATTTTAATATACCAGCTGTAGTAGCAAAAGAAATAGTAGCTAGCTGTGATAAATGTCAGC	3690
92NG083.2	-----C-G---C-----G-C-----A-----	3731
90CF056.1	-----C-G---C-A-----	3709
92RW009.6	-----C-G---C-A-----G-----C-----G-----	3694
92NG003.1	-----C-G---C-A-----G-C-----	3729
93BR029.4	-C-----C-----C-----C-----	3714
94CY032.3	-----C-G---T-A-G-----G-----A-----	3728
96ZM651.8	-A-----C-----C-A-----T-----	3691
96ZM751.3	-G-----C-G---C-CA-----C-----	3701
94CY017.41	-C-----C-----C-----	3719
94IN476.104	-G-----C-G---C-CA-----C-----	3682
93BR020.1	TAAAAGGGGAAGCCATGCATGGACAAGTAGATTGTAGCCCAGGGATATGGCAATTAGATT	3750
92NG083.2	-----C-----T-----A-----	3791
90CF056.1	-----C-----A-----	3769
92RW009.6	-----G-----C-----T-----C-----	3754
92NG003.1	-----C-----T-----A-----	3789
93BR029.4	-----A-----C-----T-----A-----GC-----	3774
94CY032.3	-----G-----C-----T-----G-----	3788
96ZM651.8	A-----CA-----C-----T-----C-----	3751
96ZM751.3	-----A-----C-----T-----A-----	3761
94CY017.41	-----C-----T-----A-----C-----	3779
94IN476.104	-----CC-----	3742
93BR020.1	GCACACATTTAGAAGGAAAAATTATCCTGGTAGCAGTCCATGTAGCTAGTGGGTACCTAG	3810
92NG083.2	-T-----A-A-----T-----C-----C-TA--	3851
90CF056.1	-----G-----C-G---T-----C-----C-TA--	3829
92RW009.6	-T-----C-G-----A-----C-C-----T-TA--	3814
92NG003.1	-----C-----G-C---TA-A-----C-----C-TA--	3849
93BR029.4	-T-----C-----G-C---TA-A-----G-----CG---A-TA--	3834
94CY032.3	-T-----T-----G-----A-----T-----G-----A-A--	3848
96ZM651.8	-T-----C-----C-----C-----C-A--	3811
96ZM751.3	-T-C-----G-C---T-----C-----T-A--	3821
94CY017.41	-----C-T-----G-----G-----G-C-----C-TA--	3839
94IN476.104	-T-----C-----C-----C-----C-A--	3802
93BR020.1	AAGCAGAAGTTATCCCAGCAGAAACAGGACAAGAGACAGCCTACTTCCTACTAAAGTTAG	3870
92NG083.2	-----G-G-A-----A-----TA-T-A--	3911
90CF056.1	-----C-----A-G-A-----A-----GT-G-AC--	3889
92RW009.6	-----G-----T-----A-----A-----TA-----A--	3874
92NG003.1	-----G-----A-----G-----A--	3909
93BR029.4	-----T-----G-----G-----A-----T-CT-A--	3894
94CY032.3	-----G-A-----A-----A--	3908
96ZM651.8	-----G-----A-----A-----ATA-T-A--	3871
96ZM751.3	-----G-C-C-----G-----A-----ACTT-A-A--	3881
94CY017.41	-----C-----A-----G-----T-----A-----TA-T-AC--	3899
94IN476.104	-----G-----A-----A-----ATA-----A--	3862

Fig. 13K

93BR020.1	CAGGAAGATGGCCAGTAAAAACAATACATACAGACAATGGCACCAATTTACCAGTGCCA	3930
92NG083.2	-----G-----GTG-----TC-----T-----TG	3971
90CF056.1	--A-C-----GT-----G-----G-----TG	3949
92RW009.6	-----C-----GT-----GT-----AAT-	3934
92NG003.1	-----GT-----C-----G-----TG	3969
93BR029.4	-----C-----C-----G-----A-T-	3954
94CY032.3	-----G-----TG-----G-----C-----C-----TG	3968
96ZM651.8	-----C-----GT-----T-G-----T-----TG	3931
96ZM751.3	-----C-----GT-G-----GT-----TG	3941
94CY017.41	-----GT-----GC-----T-----A-	3959
94IN476.104	-----C-----GT-----T-GT-----TG	3922
93BR020.1	CGGTTAAGGCAGCTTGTGGTGGGCAGGTATCCAGCAGGAATTTGGAATTCCTTACAACC	3990
92NG083.2	-A--A-----A-----AA-----ACA-----C-----T-	4031
90CF056.1	-----C-----A-----A-----G-----C-----T-	4009
92RW009.6	-A-----A-----C-----A-----C-----T-	3994
92NG003.1	-AA-G--A-----C-----AA-----A-----C-----T-	4029
93BR029.4	-A--C-----C-----G--G--A-----C-----C-----T-	4014
94CY032.3	-----C-----A-----A-C-----C-----T-	4028
96ZM651.8	-A-----C-----A-A--A-----C-----T-	3991
96ZM751.3	-A--C-----C-----C-----C-----T-	4001
94CY017.41	-A-----C-----A--A-----G-----C-----T-	4019
94IN476.104	-A-----C-----A-----C-----T-	3982
93BR020.1	CCCCAACTCAAGGAGTAGTAGAATCTATGAATAAAGAGCTAAAGAAAATCATAGGACAGA	4050
92NG083.2	-----C-----G-----G--AT-----C-----G	4091
90CF056.1	-----G-----AT-----G-----G--G	4069
92RW009.6	-----G-----A-----C-----AT-----G--G	4054
92NG003.1	-----C-----G-----AT-----T-----G--G	4089
93BR029.4	-----A-----AT-----T-----G	4074
94CY032.3	-----C-----G-----AT-----G--G	4088
96ZM651.8	-A-----G-----C-----AT-----G--G	4051
96ZM751.3	-----C-----AT-----T-----G--G	4061
94CY017.41	-----G-----AT-----G--G	4079
94IN476.104	-----C--G-----C-----AT-----T-----G--G	4042
93BR020.1	TAAGAGATCAAGCTGAACATCTTAAGACAGCAGTCCAAATGGCAGTATTCATTACAATT	4110
92NG083.2	-TG-----A--G-----	4151
90CF056.1	-----C-----A-----C-----A-----	4129
92RW009.6	-----G--C--G-----A-----	4114
92NG003.1	-C--G-----C--C-----A--G-----	4149
93BR029.4	-----G-----G-----A--C-----C-----	4134
94CY032.3	-C--G-----C-----A--G-----	4148
96ZM651.8	-----G-----G-----A-----A-----	4111
96ZM751.3	-----G--C-----A-----	4121
94CY017.41	-----C-----A-----	4139
94IN476.104	-----A-----G--C-----A-----	4102
93BR020.1	TTAAAAGAAAAGGGGGGATTGGGGGATACAGTGCAGGGGAAAGAACAATAGACATAATAG	4170
92NG083.2	-----G-----T-----	4211
90CF056.1	-----G-----T-----	4189
92RW009.6	-----G-----T-----	4174
92NG003.1	-----G-----T-----	4209
93BR029.4	-----G-----T-G-----	4194
94CY032.3	-----G-----T-----	4208
96ZM651.8	-----A-----G-----T-----	4171
96ZM751.3	-----G-----T-----	4181
94CY017.41	-----T-----	4199
94IN476.104	-----G-----	4162
93BR020.1	CAACAGACATACAACTAGAGAATTACAAAAACAAATTATAAAAATTCAAATTTCCGGG	4230
92NG083.2	--T--T-----A--C-----T-----	4271
90CF056.1	-----A-----TC--C-----A--T---	4249
92RW009.6	-----AG-----C-----T---	4234
92NG003.1	--T--T-----A--C-----G-----T---	4269
93BR029.4	-----G--A-----C-----T---	4254
94CY032.3	--T--T-----A--C-----C-----T---	4268
96ZM651.8	-----C-A--C-----C-----A--T---	4231
96ZM751.3	-----T-----	4241
94CY017.41	-----T-----A--C-----G-----C-----T---	4259
94IN476.104	-----A-----C-----C-----T---	4222

Fig. 13L

93BR020.1	TTTATTACAGGGACAGCAGAGACCCAGTTTGGAAAGGACCAGCAAAGCTACTCTGGAAAG	4290
92NG083.2	-----A-----	4331
90CF056.1	-----A-----A-C-----	4309
92RW009.6	-----T-----A-----C-A-----	4294
92NG003.1	-C-----CA-----A-----	4329
93BR029.4	-----A-----T-----C-----T-----	4314
94CY032.3	-----A-----A-----G-----A-----	4328
96ZM651.8	-----A-----CA-----C-A-----	4291
96ZM751.3	-----A-----TA-----C-A-----	4301
94CY017.41	-----T-----A-----A-C-T-----	4319
94IN476.104	-----A-----CA-----C-A-G-----	4282
93BR020.1	GTGAAGGGGCAGTAGTCATACAAGACAATAGTGAAATAAAGGTAGTTCCAAGAAAGAAAAG	4350
92NG083.2	-----A-----G-----AC-----A-----	4391
90CF056.1	-----A-----A-----A-----G-G-----	4369
92RW009.6	-----A-----G-----T-----A-----A-----	4354
92NG003.1	-----A-----G-----G-----A-----	4389
93BR029.4	-----A-----T-----C-----A-----G-----	4374
94CY032.3	-----A-----G-----C-----T-C-A-----A-----	4388
96ZM651.8	-----A-----T-----C-----A-G-A-----G-G-----	4351
96ZM751.3	-----A-----T-----C-----A-A-----G-G-----	4361
94CY017.41	-----A-----C-----A-----G-----	4379
94IN476.104	-----A-----T-----C-----G-----G-G-----	4342
93BR020.1	CAAAGATCATTAGGGATTATGGAAACACATGGCAGGTGATGATTGTGTGGCAGGTAGAC	4410
92NG083.2	-----C-----A-----G-----	4451
90CF056.1	-----A-----A-----	4429
92RW009.6	-----A-----	4414
92NG003.1	T-----A-----A-----G-----	4449
93BR029.4	T-----G-----	4434
94CY032.3	-----T-----C-----C-----A-----	4448
96ZM651.8	-----A-----C-----C-C-----	4411
96ZM751.3	-----A-----C-----AC-----A-----	4421
94CY017.41	-----C-----	4439
94IN476.104	-----A-T-----C-----	4402
93BR020.1	AGGATGAGGATTAACACATGGAAAAGTTTAGTAAATACCATATGCATATTTCAAAGAAA	4470
92NG083.2	-----GA-----C-----C-T-----T-G-C-----	4511
90CF056.1	-----GA-----C-----G-----G-----	4489
92RW009.6	-----A-----GA-----T-----C-----GC-----T-GC-----G-G-----	4474
92NG003.1	-----GA-----C-----T-----T-----AA-----T-----	4509
93BR029.4	-----A-----GA-----C-----C-----G-----C-T-----T-G-----	4494
94CY032.3	-----A-----GA-----T-----GC-----T-----CG-----	4508
96ZM651.8	-----A-----GA-----T-----GC-----T-----G-----A-G-----	4471
96ZM751.3	-----A-----GA-----C-----T-----C-T-----T-----G-----	4481
94CY017.41	-----C-GA-----T-----C-----T-----G-----GA-G-----	4499
94IN476.104	-----C-GA-----T-----C-----T-----G-----GA-G-----	4462
93BR020.1	GCCAAAGGATGGTTTTATAGACATCACTTTGAAAGCAGGCATCCAAAAATAAGTTCAGAA	4530
92NG083.2	-----T-----C-----A-----G-----G-----	4571
90CF056.1	-----T-G-----T-----CT-----GG-----	4549
92RW009.6	-----T-G-----T-A-----A-----	4534
92NG003.1	-----T-G-AT-----A-----T-----G-----	4569
93BR029.4	-----A-----A-----G-G-----	4554
94CY032.3	-----T-----A-C-----A-----T-----C-----G-----	4568
96ZM651.8	-----T-T-----C-----T-A-----A-----GGG-----	4531
96ZM751.3	A-TGGTA-----C-----T-A-----A-----	4541
94CY017.41	-----T-----T-G-C-----A-----A-----AA-----G-----	4559
94IN476.104	-----T-GT-----C-----T-A-----A-----G-----G-----	4522
93BR020.1	GTACACATCCCACTAGAGACAGCTGAATTAGTAATAACAACATACTGGGGGCTGCTTCCA	4590
92NG083.2	-----AGAGAT-----AC-C-----G-----G-----T-----T-----A-G-----	4631
90CF056.1	-----T-----GAGA-----AGG-----C-----C-----T-----AA-A-----	4609
92RW009.6	-----T-----G-GA-----AG-----A-----T-----TT-----AAA-----	4594
92NG003.1	-----G-GAG-----AG-----G-----G-----T-----T-----A-A-----	4629
93BR029.4	-----T-----GA-----A-----T-----A-A-----	4614
94CY032.3	-----T-----G-GAG-----AG-----G-----G-----T-----T-----AG-----	4628
96ZM651.8	-----T-----T-----G-GAT-----A-----A-----T-----TT-----AAA-----	4591
96ZM751.3	-----T-----G-GAT-----CA-----A-----T-----A-----	4601
94CY017.41	-----G-----G-GAG-----AG-A-----A-G-----G-----T-----T-----ACAT-----	4619
94IN476.104	-----T-----GAGAT-----AG-----A-----T-----TT-A-AAA-----	4582

Fig. 13M

93BR020.1	GGAGAAAGAGAATGGCATCTGGGTCAGGGAGTCTCCATAGAATGGAGGCAGGGGAGGTAT	4650
92NG083.2	-----A--C-----AT---C--T--G--T-----AAA--A---	4691
90CF056.1	-----T-A--C-----A-T-AAA-----	4669
92RW009.6	--G-----T-----T-----ATT-A-A--A---	4654
92NG003.1	-----C--CT-----G-----A--A-A--A---	4689
93BR029.4	-----T-----	4674
94CY032.3	--G--CA--C-----CT-----T-----TCA--A--A---	4688
96ZM651.8	-----T-----T-----T-----ATT-A-A--A---	4651
96ZM751.3	--G-----T-----T-----ATT-A-A--A--C	4661
94CY017.41	-----A--C-----CT-----T-----AAAC-----	4679
94IN476.104	-----T-----T-----T--C-----ATT--A--A---	4642
93BR020.1	AGAACACAAATAGACCCTGGCCTGGCAGACCAACTGATCCATATATATTATTGATTGT	4710
92NG083.2	--T-----AA-ACA-----T-----T--C-G-----C---	4751
90CF056.1	--C-----G--G-----A--T-----GC-----	4729
92RW009.6	-AG-----G-----G-----A-----GC-----	4714
92NG003.1	--C-----T--A--A-----T--CC-GC-----A-C---	4749
93BR029.4	--G-----	4734
94CY032.3	--C-----G-G--T--A-----A--T-----GC--C-----	4748
96ZM651.8	--C-----G-----G--A--T-----GC-C-----	4711
96ZM751.3	--C-----G-----G--A--T-----GC-----A-----	4721
94CY017.41	CAT-----AT-----T--A-----C-G-----C---	4739
94IN476.104	--C-----G--A-----G--A-----GC-----	4702
93BR020.1	TTTTCAGAATCTGCCATAAGGAAAGCCATATTAGGACATAAAATTAGCCCTAGGTGTAAC	4770
92NG083.2	-----A-----G-G-T-G-----G-A	4811
90CF056.1	-----G-GT-G--A-----	4789
92RW009.6	---G---C-----T-G-----G--	4774
92NG003.1	-----G--G-----C---G-AGT-G--A-----G-A	4809
93BR029.4	-----G-----G-T	4794
94CY032.3	-----G-G--T-----G-A	4808
96ZM651.8	---G---C-----A-----C-T-G--TT-----G--	4771
96ZM751.3	---G---C-----A-----C-C-----T-G--TT-----G-T	4781
94CY017.41	-----A-----G-A-T-G--T-----G-A	4799
94IN476.104	---G---C-----A-----C-T-G--TTT-----G-T	4762
93BR020.1	TATCAAGCAGGACATAACAAGGTAGGATCTCTACAATACTTGGCCTAACAGCATTAATA	4830
92NG083.2	--C-C-----T-----TC-----TCG-A-----G--	4871
90CF056.1	---C-----AC-----A-----T-----G-G	4849
92RW009.6	-----T-----G-----G--	4834
92NG003.1	-----A-----TC-----A-----T--A-----C-A-----G--	4869
93BR029.4	-----G-----	4854
94CY032.3	-----T-----CT-----C-----G-----	4868
96ZM651.8	-----T-----G-----G-----G--	4831
96ZM751.3	-----T-----C-----G-----G-----	4841
94CY017.41	-----G-----G-----T-----T-G-A-----G--G--	4859
94IN476.104	-----T-----G-----G-----	4822
93BR020.1	GCTCCAAAAAGACAAAGCCGCCTTTGCCTAGTGTCCAGAACTAGTAGAAGACAGATGG	4890
92NG083.2	A-A--C--G--A--G--A-----A-----TGG---T--C---T---	4931
90CF056.1	--A-----T-----A-----TAGA--G-----G--T---	4909
92RW009.6	AAA-----T-----A--C-----TAGT--T-----G--T-A---	4894
92NG003.1	A-A--C-C-----A--A-----TA---GT--AC---T---	4929
93BR029.4	AAA-----G-----A-----C-----GAC--G--T---	4914
94CY032.3	T-C-----A-----TA-----G--G--T---	4928
96ZM651.8	AAA-----G-----A--C-----TAG---T-----G--T---	4891
96ZM751.3	AAA-----T-----A-----A-----TAG--T-----G--T---	4901
94CY017.41	---T--C--G-----A-----TAG--T-----G--T---	4919
94IN476.104	AAA-----G-----A--C-----TA---T-----G--T---	4882
93BR020.1	AACAAGCCCCAGAAGACCAGGGGCCACAGAGAGGCCATACAATGAATGGACACTAGATC	4950
92NG083.2	-----A-----A--C-----T--A-	4991
90CF056.1	-----G-----C-----G-	4969
92RW009.6	-----G--G--A-----G-	4954
92NG003.1	---G-----G-----T--C-----A-	4989
93BR029.4	-----A--A-----G-----A-	4974
94CY032.3	-----G-----A--A-T-----G-	4988
96ZM651.8	---TT-----A-----G--G--A-----G--G-----GA	4951
96ZM751.3	-----A-----A-----G--G--A-----T-----G-----G-	4961
94CY017.41	-----A-----G-----G-----TGT--A-	4979
94IN476.104	---T-----A-----G--A-----G-	4942

→ VPR start

VIF end ←

Fig. 13N

93BR020.1	TTT TAGAGGAGCTTAAGAATGAAGCTGTTAGACATTTTCCTAGGCCATGGCTCCATAGCT	5010
92NG083.2	-G-----A-----A-----C-----G-----	5051
90CF056.1	-----A-----A-----G-----G-----AGT-----CAA-	5029
92RW009.6	-----CA-C--C-G--C--C-----A-----GA--	5014
92NG003.1	-G-----A-A-----AC-----T--G-A-	5036
93BR029.4	-----A-----G-----TT-----	5034
94CY032.3	---G-----A-----G-----A-C-----G--C	5048
96ZM651.8	--C-----A-C--C-G--C--C-----A-----	5011
96ZM751.3	-----C--C-G-----C--C-----AA-----A--	5021
94CY017.41	-G-----C--C-G-----C-----AC-----A--G--C	5039
94IN476.104	--C-----A-C--C-G-----C-----A-T-A--T-----	5002
93BR020.1	TAGGACAACATATCTATAACACCTATGGGGATACTTGGGAAGGAGTTGAAGCAATCATAA	5070
92NG083.2	-----GT-----T-----C--A-----	5111
90CF056.1	-----G-----A-----T-----TT-A-----	5089
92RW009.6	-----T-----G-A-----AGG-----A--T-A-----	5074
92NG003.1	-----T-----T-----T--A-----	5096
93BR029.4	-----G-A-T-----C-----G-----C-A-----	5094
94CY032.3	-----G-----T-----A-----C-----G-----T-A-----	5108
96ZM651.8	-----G-A-T-----ACT-----C--G--T-A-----	5071
96ZM751.3	-----CC-A--C-----ACG--G-----TC-A-----	5081
94CY017.41	-----T-C-----T-----C-----TT-----	5099
94IN476.104	-----T-----G-A-A-----G-----AC-----C-----TT-A-----	5062
93BR020.1	GGATATTGCAACAACACTACTGTTTATCCATTTTCAGAATTGGGTGCCGTCATAGCAGAATAG	5130
92NG083.2	-A--C-A-----C-----AA-----	5171
90CF056.1	-A-CGC-----T-----AA-----	5149
92RW009.6	-A--TC-----G-----	5134
92NG003.1	-A-----T-----T-----T-AA-----	5156
93BR029.4	-A--TC-----G-----T-----A--T-AA-----	5154
94CY032.3	-A--T-----T-----AA-----T-----	5168
96ZM651.8	-A--C-----T-----AG--C-----	5131
96ZM751.3	-A--C-----T-----A--AA-----	5141
94CY017.41	-ATATC-----G-----AA-----G-----	5159
94IN476.104	-A-C-C-----T-----T-----AG-----	5122
93BR020.1	GCAT...TACTCGACAGAGAAGAG.TAAGAAATGGAAGCTAGTAGATCCTAACTTAGATCC	5186
92NG083.2	-----C-----GG-----C-CG-----C-----GC-----G--	5227
90CF056.1	-A-----C-----C-C-----AC-----G--	5205
92RW009.6	-----TTG-A-----C-----G-C-----AC-----G--	5190
92NG003.1	-----T--C-GG-----GC--G-----G--G-----G--C-----G--	5212
93BR029.4	-----A-----G-----C--G-----G--C-----GAC-----G--	5210
94CY032.3	-----TAC-C--A-AG-----GC-G-GG-----G--C-----G--C-----G--	5228
96ZM651.8	-----GGT-----CG-----G--C-----G--A-----G--	5187
96ZM751.3	-----TG-----C-----G--C-----GAC-----G--	5197
94CY017.41	-----T-----AGA-----GG-----G--C-----C-----AC-----G--	5215
94IN476.104	-----TTA-A--G-----C-----G--C-----C-----G--	5178
93BR020.1	CTGGAACCATCCAGGAAGCCAGCCTACAACCTCTTGTACCAGATGTTATTGTAAATGGTG	5246
92NG083.2	-----T-----G--G--T-----C-----A--A-----GT-----	5287
90CF056.1	-----T-----T-----CA--G-----A--AT-----AA-----	5265
92RW009.6	-----T-----A--G--C-----AT-AC-----CAC-----	5250
92NG003.1	-----C-----T-----G-----A--A-----C-----ATA-----	5272
93BR029.4	-----G-----T-G--CAG--GG-----AT--T--C-----AA-----	5270
94CY032.3	-----G-----T-----GA-----A--AG-----TC-----AA-----	5288
96ZM651.8	-----T-----T-----A--G-----AT-AG-----C--C--C-----	5247
96ZM751.3	-----T-----T--A--A-----AT-AG-----CAC-----	5257
94CY017.41	-----G-----T-----A--G-----A-----C--C-----	5275
94IN476.104	-----T-----T-----A--G-----AT-C--C-----CAC-----	5238
93BR020.1	TTGCTTTCATTGTTACTGGTGCTTTACAACGAAGGGCTTAGGCATCTCCTATGGCAGGAA	5306
92NG083.2	C--GG-----C-AGTT-----TT--AC--A-----	5347
90CF056.1	C--A-----CC-AAT-----TT--A--A-----A--T-----	5325
92RW009.6	-A--A-----CTAGTT-----CCAGG-A--A-----T-----	5310
92NG003.1	C--GG-----CC-A-T-----CTG-AC-----	5332
93BR029.4	-----C-AGTT--T--C-----A-----	5330
94CY032.3	-----GG-----CC-AGTT-----CTG-AA--A-----	5348
96ZM651.8	-A--A-----CTAGTT-----CAG--A--A-----T--A-----	5307
96ZM751.3	-A--A-----CTAGTT-----CAG--A--A-----T-----	5317
94CY017.41	-A-----CC-G-T-----T--AC--A-----C-----	5335
94IN476.104	-A--AC-----CTAGTT-----CAG--A--A-----T-----	5298

Fig. 130

93BR020.1	GAAGCGGAGACAGCGACCAAGAACTCCTCAAAGCAGTCAGATACATCAAGATTTGTACC	5366
92NG083.2	-----CC---G-G-----GG---A--GAT-----A-CCC-----	5407
90CF056.1	-----C-----AC-----GC---TTTG--AGAT-----A--C-A--T-	5385
92RW009.6	-----G--ACG-----C-----G-AGAT-----A-CC-A--T-	5370
92NG003.1	-----GC---G-G-----G--TCAC--GAT-----A-CC-----	5392
93BR029.4	-----AC-----C-----	5390
94CY032.3	-----A--T--G-G--T--T--G---CA--GGC-----A-C--A--	5408
96ZM651.8	-----GC--C-----CT--CG--GAC-----CC-A--T-	5367
96ZM751.3	-----A--G--CG-----C-----G--GAT-----A-CC-A--T-	5377
94CY017.41	-----AC--CC--G--AGC--T--C-----A-A--GAC-----A-CC-A--	5395
94IN476.104	-----GC--CG-----C-----G--GAT-----A-C--A--T-	5358
	TAT/REV 1 <sup>st</sup> exon end ← → VPU start	
93BR020.1	AAAGCAGTAAGTATTGTTA...AGCATATGTAATGTCAAATTTG.....T	5408
92NG083.2	-----G-AAC-ATT-AT-----CAGGCC--A.....G	5452
90CF056.1	-----A.....C--A.....AT-TA--A.....G	5420
92RW009.6	-----G-AA--AAC--T-----A-TTC--A.....G	5415
92NG003.1	-----G--G-AA--GTT--T-----G--CA-TCC--A.....G	5437
93BR029.4	-----AGT-AT-----T-----	5435
94CY032.3	-----AA.....T-----T-TTC-G.....G	5447
96ZM651.8	-----T-G---ACTAGCAAGAGTAAAT-	5414
96ZM751.3	-----CAAAG...T-AT-G-----T-----AGAAGCAAGAGTAGAT-	5434
94CY017.41	-----G-AG--ATT-AT-----T-CC--A.....G	5440
94IN476.104	-----GTG---ATTAGAAAGAGTAGAT-	5405
93BR020.1	TAGCAATAGGCATAGCAGCATTAAATAGTAGCTAATAATAACAATAGTTGTGTGGACTA	5468
92NG083.2	A-AT.....ATCTG-C-----T-C---GC-G-C-C-A-----G-	5502
90CF056.1	G...T---A---G--GC-G-----A-T-T-C---G-CG--A-----C-	5477
92RW009.6	A-ATCTAT-CA---T---C-G-----G-G---C---GTG-----T	5475
92NG003.1	A-AT-GCT-CA-----G-C-G-----GCC---GC-G-C-----	5493
93BR029.4	---T---TT-----C-----G-----	5495
94CY032.3	A-ATCTGG-CA---T--G-C-GG-----G---T--GT-----A-----T	5507
96ZM651.8	ATAG-G---AG--G-----G-----C-C--G-----C-	5474
96ZM751.3	ATAG-----AG--G-----C-----C--G-----C-----TC-	5494
94CY017.41	--AT-T-G-CA---T--G-C-G-----TT---CT-G-----A-----	5500
94IN476.104	ATAG-T---AG--G-----T---CT-G-----A-----C-	5465
93BR020.1	TAGCATATATAGAATATAAGAAACTGGTAAGGCAAAGAAAAATAAATAGGTTATATAAAA	5528
92NG083.2	---T--T-----GA---A-AAG--AA--G-A-----G-A-A---CT-G-T-	5562
90CF056.1	---T-----A---T-----AG-----G-C---C--AT-G--	5537
92RW009.6	---GG-----T--C--A---G-----G-----AT--G-	5535
92NG003.1	.....CC--GA---A-AAAG-AA--GGAG-----G-C-----CT-G-T-	5541
93BR029.4	-----G-G---A-----	5555
94CY032.3	---T--T-----T--AG-----G-G---G-C--C--G--C--T-	5567
96ZM651.8	-----G--G--T--A-----G-CT---AT-----	5534
96ZM751.3	---T-----GA--T--TC--A-----G-CC---AT-----	5554
94CY017.41	---T--TC-----A-TAAG-A-----G-----G-CT---ATC---	5560
94IN476.104	-----C-----G--T--T--A-----C-----AT-G---	5525
	→ ENV start	
93BR020.1	GAATAAGCGAAAGAGCAGAAGACAGTGGCAATGAGAGTGAGGGGATGCAGAGGAATTGG	5588
92NG083.2	-----A-----A-----A-----A-----	5622
90CF056.1	-----G-A-----C-----T-A-CA-----AT	5597
92RW009.6	A-----A-----T-----T---CATT--T---AT	5595
92NG003.1	-----A-----T-----A-----CA-----	5601
93BR029.4	-----A-----	5615
94CY032.3	-----A-----T-----AT	5627
96ZM651.8	---T-G-----A---A-T-----	5594
96ZM751.3	---T-A---G-----A-----AAT-----	5614
94CY017.41	---T-G-----T-----CA-----C-AT	5620
94IN476.104	---T-G-----T-----A-T-----T	5585
	VPU end ←	
93BR020.1	CAGCACTTGGGGAAGTGGGGCCTTTTATTCCTGGGGACATTAATAATCTGTAATGCTGCA	5648
92NG083.2	--A---AT---A---GAC--GA--T---TTGG-----T---G---CT--	5682
90CF056.1	-CAAG--AT--GA---ACC--A--T---T-TG--GC-G-----G---	5657
92RW009.6	--AA---T--GG---AAC-A-GA--T---TG---C--T---G---	5655
92NG003.1	--A---T--CA--T-GAC--GA--T---TTGG-G-----T---G---CT--	5661
93BR029.4	-----A-----T--G-----A---	5675
94CY032.3	-CA-----T-G-A---AAC--GA--T---TTGG-G-----G---CT--	5687
96ZM651.8	--A-GA-G-T--CA---A-C---GG-T-TT--TG---G--T---TGTGG	5654
96ZM751.3	--A--A-G-T--TA---A-C---GG-T-TT--TGC--T-G-G-----AATG	5674
94CY017.41	-----T--GAG-----A-C--GA-TT--TG-----G-----A---	5680
94IN476.104	--A---G-T--TA---AA-C---GG-T-TT--TGC---G--T-A---TA-T-	5645

Fig. 13P

93BR020.1	GAAAACTTATGGGTTACAGTCTATTATGGGGTACCTGTGTGGAAAGAAGCAACCACTACT	5708
92NG083.2	--T-----G-----C-----G-----T---GAT--CC-C	5742
90CF056.1	C-----G-----A-----G-----AA--C---	5717
92RW009.6	A-C-----G-----T---C-----C---GAG--C--C	5715
92NG003.1	A-T-----G-----C-----A-----G---C---GAT--CC--	5721
93BR029.4	A-C...-G-----C-----G-----C---GAG--C--C	5732
94CY032.3	A-C-----G-----C-----T-----G---C---GAG--C--C	5747
96ZM651.8	-GG--A--G-----C-----C-----AA-----	5714
96ZM751.3	-GG--A--G-----C-----C-----AA-----	5734
94CY017.41	--T...-G-----C-----A--C-----A-----T---GAT--C-TC	5737
94IN476.104	-GG-----G-----C-----AA-----	5705
93BR020.1	CTATTCTGTGCATCAGATGCTAAATCATATGAAAAAGAGGCACATAATGTCTGGGCTACA	5768
92NG083.2	-----C--T-----AGTTCT--AAA-----	5802
90CF056.1	-----GG-----G-C---AAAG-----	5777
92RW009.6	T---T-----G-----TCC--AAAG-----	5775
92NG003.1	-----T-----T-----G---AGT-CT--AAG-----C---	5781
93BR029.4	T-----G-----A-----	5792
94CY032.3	-----T-----A-----G-----G---A-T-----A---	5807
96ZM651.8	-----G-----G---A-TG-----	5774
96ZM751.3	T---T-----G-----G-C---A-TG-----T-----	5794
94CY017.41	-----T-----G-----T-C---A-TG-----A-----C---	5797
94IN476.104	T-----G-T-----G-G---TG-----A-----	5765
93BR020.1	CATGCTTGTGTACCCACAGATCCCAATCCACAAGAAGTAGTTCTTGAAAAATGTAACAGAA	5828
92NG083.2	-----C-----C--T-----A---C-A-A-----	5862
90CF056.1	-----A-----C-----C-----GA-G--CA--G-----G	5837
92RW009.6	-----C-----T---C---G-C-----A--CA-T-----G-----	5835
92NG003.1	-----C-----C-----C-----GA--AC-----	5841
93BR029.4	-----C-----	5852
94CY032.3	-----C-----C-----C-----C---AT-----G	5867
96ZM651.8	-----C-----C-----C-----A---T---G-----	5834
96ZM751.3	-----C-----C-----C-----A-G---T-----	5854
94CY017.41	-----C-----C-----C-----A--AAC-----	5857
94IN476.104	-----C-----C-----C-----GA-G-A-T-A-T-----	5825
93BR020.1	AGGTTTAAATATGTGGGAAAATAACATGGTAGAACAAATGCATACAGATATAATCAGTTTA	5888
92NG083.2	-AT-----C-----A-G-----G-----GGAG-----	5922
90CF056.1	-C-----G-----G-G-----C-----	5897
92RW009.6	GA-----C-----A-----G-----C-----	5895
92NG003.1	-CT---C-----A-----G-----GAG-----	5901
93BR029.4	-AT--G-----A-----	5912
94CY032.3	-AC---C-----A---G-----G-----GAG-----	5927
96ZM651.8	-AT---C-----A---G-----G--T--G-----GAG-----	5894
96ZM751.3	-A---C-----G--T--G-----GAG-----	5914
94CY017.41	-AT-----A-----G--G-----AGA-----C---	5917
94IN476.104	-AT-----C-----A---G-----G--T--G-----GAG---G-----	5885
93BR020.1	TGGGATCAAAGCCTAAAGCCATGTGTGAAGTTAACCCCACTCTGTGTTACTTTAGATTGT	5948
92NG083.2	-----GG-----A---C-----T--T-----A-C-----A-C---	5982
90CF056.1	-----T-G--A-----A--A-----C---A-C---	5957
92RW009.6	-----C-----A-----T---C-----G---	5955
92NG003.1	-----G-----A---C-----T-----C---A-C---	5961
93BR029.4	-----G-----CG---	5972
94CY032.3	---A--G--G-----A-----CA--C---T-T-----TACA---	5987
96ZM651.8	-----A-----G-----C-----A---	5954
96ZM751.3	-----C-----A-----G-----C-----A-C---	5974
94CY017.41	-----A--A-----G-----C--C-T---A-----	5977
94IN476.104	-----A-----G-----C-----A-C---	5945
93BR020.1	AGAAACATTGCCACCAATGGCACCAATGACACTATT.....GCCATCAATGAC	5996
92NG083.2	-CT--TG-AAA--GTGC-AATCAT-C---G.....GC---A---	6021
90CF056.1	-CT--TG-CAGA-A---AC-T-T--CAG.....-C-AG-	5993
92RW009.6	-AC---CA---ATGTCAA-A--C--T.....-CATT	5991
92NG003.1	-CT--TG-CAATTGT--CA-T-ATGTGAC--GC-C-GGGAACAGTGCT-GG-C---C-CT	6021
93BR029.4	--T--TGCCA-T---CA-T--TC-AA.....-G-CAC-	6008
94CY032.3	-TT--TGCAA-T--T-C-AAT-GT-CCA.....-T	6017
96ZM651.8	-C-G-GG--AATGTT-CCA-A-ATGT-A-T-A--GCGTGGTTAATAATA---CA---TT	6014
96ZM751.3	-CTGCT-A-ATA---CAATG-T---ATA--C-AC.....AAT--T-AT-TAAC	6025
94CY017.41	--C--TGCCAAT---GCAC-CAT-GCA-T-G.....-GT-GCAC-	6019
94IN476.104	--T--GG--A---AATG-T-C.....	5969

Fig. 13Q

93BR020.1	ACTCTGAAGGAAGATCCAGAGGCAA...TACAAAACCTGTTCTTTCAATACAACCACAGAA	6053
92NG083.2	---G-AG-AA-CA-AGA---AAT-.....A-----C-----G-T-----	6075
90CF056.1	-G-A-G---C--GAGGG--ACT-.....AC---T-C-----GT---T---T---	6047
92RW009.6	--GGATG-CATGA-AGG---AAT-.....A-----C-----TG-----	6045
92NG003.1	--GTGT--CAT---AGA-CAAAC-ACT--A-----C-----T-----	6081
93BR029.4	CTGAA-G-A--GCCAGGG-CAAT-.....-----TG-----	6062
94CY032.3	GGCACTGT-ATTA-AGA--GAAT-.....A-----C-----G---T-----	6071
96ZM651.8	-A-AAT-GCATGA--GG---CATG.....A---T-C-----C-T-----	6068
96ZM751.3	-ACTAT--TA-T--AA-T--CATG.....AG---T-C-----T-----	6079
94CY017.41	CAGAGCCCCATTA--GA---AAT-.....A-----C---A-----T-----AT-	6073
94IN476.104	...TAC--TA-TAC-GAT--TAT-.....A---T-C-----T---G-----	6020
93BR020.1	ATAAGAGATAAGCAGCTGAAAGTACATGCACCTTTTTATAAACTTGATATAGTACAAATC	6113
92NG083.2	-GGG---GC---A-AA-G---A-T-C-G-----C-----G-G---C---T	6135
90CF056.1	C-----A-----C-----G-----G-----C---T	6107
92RW009.6	T---G-----A-A-A-G---GT-T-----GG-----T	6105
92NG003.1	-----A-AAA-C--A-T---G---C---G-----G-G---C---	6141
93BR029.4	G-----A-----GG-----C-----	6122
94CY032.3	-----G-----A-AA-----A-T---G---C---G-A-----G-C---T	6131
96ZM651.8	C---A-----A-AAA---T-GT-----TC-C-T	6128
96ZM751.3	T-----AG-AG-C---G---C-----C---T	6139
94CY017.41	C-----ACA-AA---TT-T---G---G-----G-----C-T	6133
94IN476.104	-----C---A-A-GC---AGT-----G---C-----C-C-A	6080
93BR020.1	AA.....CAAGGATGAC.....AATAGAACATA	6136
92NG083.2	-G.....T--T-GGA-T.....-G-CT-GT--	6158
90CF056.1	G.....T--CA--A.....G--CTCAG--	6127
92RW009.6	-----T-GCA--AGTAATAACAGT.....AGTC--ATCAG--	6140
92NG003.1	G-----TGGTA--A-TAAT.....GTCTCA-AT-AC--	6170
93BR029.4	-G.....T---A-TAGTAGCAATGATAAT.....AGT-GC---GA--	6163
94CY032.3	-----TGCTAG.AGTGCCAATTAATGGTAGTAATAGGAATAATAGT-CAGA-GAG--	6184
96ZM651.8	-----TG--AC---GACTCTGAGACTGGCAACT.....CT-G--A-TAT--	6172
96ZM751.3	-----TG--A-----TCC--TGA--	6159
94CY017.41	G-TGAAAGTG-AA--A-GAATA.CATCAGG.....TAGT---CTCTG--	6177
94IN476.104	-----TG--A--A-GAACAGCTCTAGT.....AACT---TGAG--	6118
93BR020.1	CAGACTAATAAATTTGTGATGCCTCAACCATTACACAGGCTTGTCCAAAGGTATCTTGGGA	6196
92NG083.2	T--G-----C-----A--T-----A-----AA--TT--	6218
90CF056.1	T--G-----A--A-----GT-----C-----G--C-TT--	6187
92RW009.6	T--GT-----A--A-----G-----C-TT--	6200
92NG003.1	T--G-----A--T-----A--A-----G---TT--	6230
93BR029.4	--G-----A--A-----C-----	6223
94CY032.3	T-TGT-----A-C-----A-----C-----G---TT--	6244
96ZM651.8	T---T-----A--A-----G-C-A---A--C-----C---TT--	6232
96ZM751.3	T---T-----A--A-----GG---A---A--A-----TA---TT--	6219
94CY017.41	T-----A--A-----C-----A--G-----A-C-TT--	6237
94IN476.104	--T-T-----A--A-----A---A--C-----C---TT--	6178
93BR020.1	TCCAATTCCCATACATTATTGTGCTCCAGCTGGTTATGCGATTCTAAAGTGTAATGAGAA	6256
92NG083.2	C-----T-----T-----GG--T--	6278
90CF056.1	A--T-----C-T-----CA-T--	6247
92RW009.6	G-----A-----C-----TC-----A--T--	6260
92NG003.1	C---C-----G-T-----T-----GG-GT--	6290
93BR029.4	-----G-----T--	6283
94CY032.3	G-----C-----T--A--T-----	6304
96ZM651.8	C-----T-----A-T--	6292
96ZM751.3	C---C--T-----CA-T--	6279
94CY017.41	G-----T-----C-----T-----G--TCC	6297
94IN476.104	C-----T-----T-----A--TG-	6238
93BR020.1	AAATTTTCACAGGGACAGGGTCATGCAAGAATGTCACTACAGTACAATGTACACATGGAAT	6316
92NG083.2	GG-G-A--AT--A---AC---T--A-----	6338
90CF056.1	--CA--AT--A---A-T---T-CA-----	6307
92RW009.6	---G---AT--A---C-----C-----C-----	6320
92NG003.1	G-----T--A---ACA---T--A-----T-----	6350
93BR029.4	---A---AT---G--C-----G-----C-----	6343
94CY032.3	-----T--ATT---C-----CA-----CT-G---G---C--T-----	6364
96ZM651.8	G-CA---AT---AC---C-T-----C-----	6352
96ZM751.3	G-CA---AT--A---AC---T-----C-----	6339
94CY017.41	G-CA---AT--A-----T---CT-----	6357
94IN476.104	G-CA---AT-----AC-----G-G-----	6298

Fig. 13R



93BR020.1	TAAACCAGTGGTATCCACTCAATTGTTGTTAAATGGCAGCCTAGCAGAAG...GAGAGAT	6373
92NG083.2	---G-----A-----C-AC--C-G-----TT-----A--T--	6395
90CF056.1	--G-----A-----C--C-A-----A-----A-C---	6364
92RW009.6	C--G-----A-----A-----GC--C-----T-----A-----	6377
92NG003.1	-----A-----AC-AC-----T--T-----A-----	6407
93BR029.4	-----A-----A-----A-----A--A--T--	6400
94CY032.3	---G-----A-----C-----A--T-----ACG---A---G-	6421
96ZM651.8	---G-----A-----C-AC-----T-----A--G---	6409
96ZM751.3	---G-----A-----A-----AC-----T--T-----A-----	6396
94CY017.41	---G-----A-C--A-----C--C--G-----T-----GAG-GA-A--	6417
94IN476.104	---G-----A-----C-AC-----T--AC-----A--A-----	6355
93BR020.1	AGTAATCAGATCTCAAAATATCTCAGATAATGCAAAAACCATAATAGTGCACCTTAATGA	6433
92NG083.2	-AG--T-----G-----T--A---C---A-C---GT-----G-----A-	6455
90CF056.1	CA---T---A-A-----C---A-C---A-----A--G-----GAC	6424
92RW009.6	-A---T-----G-----TA--A-C---C-----A--A---C--	6437
92NG003.1	-----T-----G---CC--A---C---C---GT-----A--G-----A-	6467
93BR029.4	-A-----A-----A---C---A-C---AT-----A--G---GCAA-	6460
94CY032.3	-----T-----A-----A---C---A-C---AT-----A--G---GCAA-	6481
96ZM651.8	-A---T-----G---C-GA--A-C---TC---A-----A--T-----AG	6469
96ZM751.3	-A---T-----A-----GA---C---C---TA-----A--T-----	6456
94CY017.41	-A-G--T-----G-----TA--A-C---C---A-----T--GT---C-A-	6477
94IN476.104	-A---CT-----G-----AA---C-----T-----A--T-----	6415
93BR020.1	ATCTGTACAGATTAATTGTACAAGACCCCAACAACAATACAAGAAAAAGAATATCTTTAGG	6493
92NG083.2	TAG-A--G-A-----TC-----T-----T---C-AA-C--	6515
90CF056.1	-C-A--A-C---CA---C--G--T---T---G---C---T---CA-----	6484
92RW009.6	GA-----A-----T-C---T-----TG--CA-A---	6497
92NG003.1	-A---A--GGA-----C-----T---AGAA-C--	6527
93BR029.4	-----G-C-----T---C-AA---	6520
94CY032.3	GG-----A-A-----C---TGG-----TG--CA-A---	6541
96ZM651.8	---A--G-A---GTG---GT-----T-----C---T---AGAA---	6529
96ZM751.3	-----G-A---GTG-----T-----G---TG-GAGGA---	6516
94CY017.41	GC-----TA---C---TC-----T---CGC---T--	6537
94IN476.104	---CA--A-A---GTA-----T--C-----T---AGGA---	6475
93BR020.1	ACCAGGACGAGTATTTTATACAACAGGAGAAATAATAGGAGACATCAGAAAGGCACATTG	6553
92NG083.2	-----A--CG--C---G-----T--T-----A---C-A-----	6575
90CF056.1	G-----C---C---G-----T--C--C-----T--A---C-A-----	6544
92RW009.6	-----A--C---G-----T--CG-----G--T--A---C-A---T---	6557
92NG003.1	---T---A--CG--C---G-----T-----C-A-----	6570
93BR029.4	-----C-----	6580
94CY032.3	G-----T-AC--GG--G-----T-----T--A---C-A-----	6601
96ZM651.8	-----A-AC--C---G-----C-----A---C-A-----	6589
96ZM751.3	-----A-AC--C---G-----A-T--A---C-A---T---	6576
94CY017.41	-----A--CC--C-----AT-A--...G-----A---C-A-----	6594
94IN476.104	G-----A--C--C---G-----AAC-GC-----A---C-A-----	6535
93BR020.1	TAACGTTAGTGAACACAATGGAGGAACACGTTAGCAAAGGTAAAGGCAAAGTTAGGGTC	6613
92NG083.2	---T-----A---T-A-----G-G-T---AAG--T--C-CA---C--C--A--AA	6635
90CF056.1	---TA-----A---G-C---AT--G--T---CACC---GTTA--C-A---AAT	6604
92RW009.6	--CT--C-A-----A---AT-GA--T---CA-----GCA-A--A--A-TCA	6617
92NG003.1	.....G-----CA-G-G-T---CAG-----C---C-AC---AACA	6614
93BR029.4	-----A-----ATG-G-----A-----G-----AA-C-	6640
94CY032.3	---A-----ATG-T---ATG---C---AA-GT-A---GT-A-G-A---GAAAAG	6661
96ZM651.8	---A---A-G--TA-C---CT--G--T---CG-G---G-AAC--A--A-AGA	6649
96ZM751.3	---A-C---A-GGCA---AT---TC--CA--G---GGT-A--A--A-AAA	6636
94CY017.41	---TA-C-ACAA---TT---ATG---T---CA-----GCT-A-C-A---A-AGA	6654
94IN476.104	---A-----A-T-TA-C---CT--A--T---CA-G---GGAAA--A---CAAA	6595
93BR020.1	TTATTTCCTAAT...GCAACAATAAAATTTAACTCATCCTCAGGAGGGGACCTAGAAAT	6670
92NG083.2	AATC-ATAA-----AAG-AC---CC-----TG-----	6692
90CF056.1	AC-C--GAAC-----AG-----GC-----GC--AA-----A-G---G-	6661
92RW009.6	C--C--TGAG--CATTA-----TT---GAAC-----G---TT-----	6677
92NG003.1	GGTC--TAAC-----GT---CC-----G-----	6668
93BR029.4	-C-----	6697
94CY032.3	ACTC-----AA-----GCTC--C--GT-----	6718
96ZM651.8	AC-C-----AA--AC---C-----AC-----	6706
96ZM751.3	A--C-----AA-----GC---GCAC-----	6693
94CY017.41	GA-A-----G...AA---C---TC---CTAAC-----C-----	6711
94IN476.104	GC-C-----AA-----GT--C---CA-----	6652

Fig. 13S

93BR020.1	TACAAGGCATAATTTTAATTGTATGGGAGAATTTTCTACTGTAATACAGATGAAGTGT	6730
92NG083.2	-----CA-----G-----C-----GA-----G-----T-----C-----TCA-G-----	6752
90CF056.1	--G-CA-----G-----GA-----T-----C-----TCA-GG-----	6721
92RW009.6	-----CA-----G-----GGA-----T-----TCA-GCT-----	6737
92NG003.1	-----CA-----G-----GA-----T-----TCA-G-T-----	6728
93BR029.4	-----T-----G-----GA-----C-----TCA-G-----	6757
94CY032.3	-----CA-----GC-----AA-----T-----C-----ACACC-----	6778
96ZM651.8	-----CA-----GC-----GA-----T-----C-----TCG-GC-----	6766
96ZM751.3	-----CA-----GC-----GA-----T-----C-----TCAA-----	6753
94CY017.41	-----CA-T-----G-----GCA-----T-----C-----ACA-GC-----	6771
94IN476.104	-GT--CA-----GC-----GGA-----C-T-T-----TCAAG-----	6712
93BR020.1	TAATGACACAAAATTC...AAT...GACACAGGATTCAATGGC.....	6767
92NG083.2	----A-T-AT-TTAGTAAT-T...A-T-AT-AG.....	6783
90CF056.1	---AGT-GTTGGGAAATGC---.ACT-ATTACACATCAAATGACACAAAGGGAAACGA	6778
92RW009.6	---AG---CTGGAGTAAA-GA...A-TGGCACC-GGC-GTCAAATGGCACAGAATTA..	6792
92NG003.1	-----AT---GG-GGGAATG---.AC-----	6755
93BR029.4	-----GT-GA-AATGGC.....	6779
94CY032.3	---AGT---C-CA-GCAA---.GT---AACA-T-CAA-TACAGATTCTACAAATTC	6835
96ZM651.8	--G-ATA-ATT-TACAGAA---.A-T---ATGGT-CAC.....	6804
96ZM751.3	---GT---GTTTAATGGT-CA...A---TTCTAATG--A-AAGTAATTCG.....	6802
94CY017.41	---GT---GTGG-GGAAC---.GT---GAA-GGGCC-TACACACCTAATAACAC	6828
94IN476.104	---C-GT---T-CAATGGT-CAGACATGC-TAC-A-----TACAAATTCAGTTCAGA	6772
93BR020.1	.....ACTATCACTCTCCCATGTGCGAATAAAACAAATTGTAAACATGTGGCAGGAAGT	6820
92NG083.2	.....-A-----AA-----G-GG-----A-----	6836
90CF056.1	A.....-AC-T-A-G-----CA-----AG---	6832
92RW009.6	.....-A--A-A-----CA-----G-----A-----T-----AGGAC	6845
92NG003.1	.....-A-----AAG-----G-GA-----AG---	6806
93BR029.4	.....-G-----T-----	6832
94CY032.3	A.....-C-----A--A--CA--C-----T-----GG-----	6889
96ZM651.8	.....-C-----A-----CA-----G-----A-----T-----	6856
96ZM751.3	.....-C-T-G-T-A--CA-----AC-----GG---	6855
94CY017.41	CAATGGA-G--A-TC-----CA-----A-----AG---	6888
94IN476.104	C.....-TC-----TG--T-----CA-----GG--T--A-----T-----A-G--	6826
93BR020.1	GGGACGAGCAATGTATGCCAATCCCATTTGCAGGAACATTACCTGTAACCTCAAATATTAC	6880
92NG083.2	-----A-----CT-----C-----GTA-----A-----C-----	6896
90CF056.1	A-----CC-----CCA-----TG-----GTA-----	6892
92RW009.6	A-----A-----CC-----CCA-----GTA--A-G-----GTA-----C-----	6905
92NG003.1	-----A-----CC-----C-----G-T-----A-----GA-----C-----	6866
93BR029.4	---G-----GC-----G-----	6892
94CY032.3	---G-A-----C-----TCC-----G-G-----A--C-G-----G-----	6949
96ZM651.8	A-----C-----CC-----A-----AG-A-----A--G-----C-----	6916
96ZM751.3	A-----A-----TCC--A--AA-----A--A-----A-----C-----	6915
94CY017.41	A-----A-----CC-----TA--A-AG-----CA-----C-----	6948
94IN476.104	A-----CC-----A-----A--A-----G-A-----C-----	6886
93BR020.1	AGGTCTGCTATTGACAAGAGATGGTGGT.....CTG.....AATAGTACTAATGA	6925
92NG083.2	---AT-AA---A-----G-----AATAACAATG-C-----AG-G-----	6947
90CF056.1	---A-AA-----TT--C-AG-----AACG...CGTC-GCAGAA--T-----	6940
92RW009.6	---A-A-----A-----A-----AATA...AT--C--A-C-----	6953
92NG003.1	---G-AT---A-----G-----GTTA...AT--C-GGA-----	6914
93BR029.4	-----A-----A-AA...T--CAG--GG-G--	6940
94CY032.3	---AA-AA-----C--A--A--C-----	6991
96ZM651.8	---G-A-----GTTT-G-----A--AAGCACAAATGATAGCACA--A--AC-CA--	6976
96ZM751.3	---A-A-----A--C-T-----A-G-----ACAAATGAC-CAGAG--ACCA--	6966
94CY017.41	---AA-AA-----AAC--G-G-----	6993
94IN476.104	---A-A-----AGT-C-T-----A-C-----GACA...CA-----GC-CA--	6934
93BR020.1	GACCTTCAGACCTGGGGGAGGAAATATGAAAGACAATTGGAGAAGTGAATTATATAAATA	6985
92NG083.2	-----A-----G-----GG-----G-----	7007
90CF056.1	T-----A-----G-----GG-----G-----	7000
92RW009.6	A-----A-----G-----GG--T-----C-----	7013
92NG003.1	-----A-----G-----GG-----G-----	6974
93BR029.4	-----C-----	7000
94CY032.3	---T-----A-----G-C-----GG-----C-----	7051
96ZM651.8	---TA-----CA-----G-----GG-----G-----G-----G-----	7036
96ZM751.3	---A-----A-----G-C-----G-----	7026
94CY017.41	---A-----A-----G-----GG-----	7053
94IN476.104	---TA-----A-----G-----GG-----	6994

Fig. 13T

93BR020.1	TAAAGTAGTAGAAATTGAACCACTAGGAGTAGCACCCACCAAGGCAAAAAGACAAGTGGT	7045
92NG083.2	----AC---A---CA--T-----G---GG--AG-----	7067
90CF056.1	-----A-----G--A-----A--GG--AG-----	7060
92RW009.6	-----A-----G-----G--GAG-----	7073
92NG003.1	---A---A---A-----A-----GG--AG-----	7034
93BR029.4	-----G--T-----	7060
94CY032.3	-----A-G-----A-----AT-----GG--G-----	7111
96ZM651.8	-----G-----A-G--T-G--A-----TG-----GAG-----	7096
96ZM751.3	-----G-----A-G--T-----T-----CG--GAG-----	7086
94CY017.41	-----A--C-----T--G-----AG-----	7113
94IN476.104	-----G-----A-G--T-----A-----T-TG-A-----GAG-----	7054
93BR020.1	GAAGAGAGAAAGAAGAGCAGTGGGACTAGGAGCTCTGTTCCTTGGGTTCTTGGGAGCAGC	7105
92NG083.2	-G-----A-----T-----G-----G-C-----A-----	7127
90CF056.1	-G-----A-----A-G-----TCT-----	7120
92RW009.6	-G-----A-----T-----G-----G-C--A-----A-----	7133
92NG003.1	-G-----G-A--G-----T-----G-----G-C-----A-----	7094
93BR029.4	-----A-----A-G-----T-----	7120
94CY032.3	-C-----A-T-----A-----G--CA-----	7171
96ZM651.8	-G-----A-----A-----G-----	7156
96ZM751.3	-G-----A-----A--A-----G-----	7146
94CY017.41	-G-----A-----T-----G-----G-C-----	7173
94IN476.104	-G-----A-----A-----G-----T-----	7114
93BR020.1	TGGAAGCACTATGGGCGCGCGTCAATAACGCTGACGGTACAGGCCAGACAATTATTGTC	7165
92NG083.2	A--G-----C-----T-----	7187
90CF056.1	A-----G-----	7180
92RW009.6	A-----	7193
92NG003.1	A-----G-----T-----	7154
93BR029.4	A-----A-----C-----	7180
94CY032.3	A-----A-----G-----	7231
96ZM651.8	A-----A-----C-----G-G-----	7216
96ZM751.3	A-----A--A-----T-----	7206
94CY017.41	A-----C-----	7233
94IN476.104	A-----G-----G-----	7174
93BR020.1	TGGAATAGTGCAACAGCAGAGCAATCTGCTGAGGGCTATTGAAGCGCAACAGCATCTGTT	7225
92NG083.2	---C-----A-----T-----A--G-----G-----	7247
90CF056.1	---T-----G-----A-----T-----A-----AC-G---G-----A-----	7240
92RW009.6	---C-----A-----T-----A--G--T-----A-----	7253
92NG003.1	---C-----A-----T-----A--G-----G--A-----A-----	7214
93BR029.4	---C-----G-----AT--T-----	7240
94CY032.3	C--C-----G-----T-----A--G--T-----A-----	7291
96ZM651.8	---T-----A-----T-----A--G-----	7276
96ZM751.3	---T-----A-----T-----A--G-----CA-----	7266
94CY017.41	---T-----A-----T-----CA-----A-----T-----	7293
94IN476.104	---T-----A-----T-----A-----A--G-----A-----	7234
93BR020.1	GCAGCTCACAGTCTGGGGCATTAAACAGCTCCAGGCAAGAGTCCTGGCTGTGGAAGATA	7285
92NG083.2	---A-----T-----A--A-----	7307
90CF056.1	---G-----C-----	7300
92RW009.6	AA-A-----C-----	7313
92NG003.1	---A-----A-----	7274
93BR029.4	-----A-----	7300
94CY032.3	-AGA---G-----C-----C--	7351
96ZM651.8	---A---G-----G-----A-----A--A-----	7336
96ZM751.3	---A-----G-----T-----A--A-----	7326
94CY017.41	-A-A-----G--G-----	7353
94IN476.104	---A-----G-----A-----T-----A--A--G-----	7294
93BR020.1	CCTAAAGGATCAACAGCTCCTAGGCTTTGGGGCTGCTCTGGAAACTCATCTGCACCAC	7345
92NG083.2	-----A-----	7367
90CF056.1	---G-----G--A-----	7360
92RW009.6	---G-----AA-----	7373
92NG003.1	-----A-----	7334
93BR029.4	-----	7360
94CY032.3	-----AA-----	7411
96ZM651.8	-----A-----	7396
96ZM751.3	-----A-----	7386
94CY017.41	-----G--AA-----G-----	7413
94IN476.104	-----A-----G-----C-----	7354

Fig. 13U

93BR020.1	TAATGTGCCCTGGAAGCTCTAGTTGGAGTAATAAATCTCTTGAGGAGATTGGGGGAACAT	7405
92NG083.2	-----A-----TA-A-T-----AT-----	7427
90CF056.1	-----T-----A-AGAGT--A--C---AC-----	7420
92RW009.6	-----GA--AGC---A--A---AT-----	7433
92NG003.1	-----T-----A-----TA-----AT-----	7394
93BR029.4	-G-----C-----AG--A--C-----	7420
94CY032.3	-----A--T-----TA-A-T--T--A---AC--T--	7471
96ZM651.8	-GC-----T-----ATC-----AAAACA--T-----AT-----	7456
96ZM751.3	-GC-----T-----C--C-----GAACG-----AT-----	7446
94CY017.41	--C-----A-----G-----AG--T-----AC-----	7473
94IN476.104	-GC-----T-----C--C-----AAAA--T--T-----AAT-----	7414
93BR020.1	GACCTGGATGGAGTGGGAAAAAGAGGTTAGCAATTACTCAAAAGAAATATACAGGTTAAT	7465
92NG083.2	---T---C-A--A---GG-AA--CA-----A--C--C-C-----CC-G--	7487
90CF056.1	---T-----A-----T---C-AA-----A--G-G-----GC-----	7480
92RW009.6	-----CA-C-A---T---AA--G-----A--C--AT-----T--TC---	7493
92NG003.1	-----AC-A-----GG--A--C-----A--C--C-----CC---	7454
93BR029.4	-----A-----A-----C-----T-----	7480
94CY032.3	-----T--C-A---T---AA--A-----A--C--AT-----TG-----C-	7531
96ZM651.8	-----C-----T-G---AA---T-----A---CAC-----GC-----	7516
96ZM751.3	-----C-----T-G---AA---AT-----A--G--AC-----T-----GC-	7506
94CY017.41	-----T--C-A---T---AA-----A---CAT-----T-----C-----	7533
94IN476.104	-----C-----T-----A---T-----A---CAC-----C-----GC-	7474
93BR020.1	TGAAGACTCGCAGAACCAGCAGGAAAAAGAATGAACAAGAATTATTAGCATTGGACAAATG	7525
92NG083.2	-----A-----C-----G-----G-----	7547
90CF056.1	-----T-----A-C-----G-C-----	7540
92RW009.6	-----A-----C-----G-----G-----	7553
92NG003.1	-----A-----C-----G-----G-----	7514
93BR029.4	-----G-----G-----G-----	7540
94CY032.3	-----A--A-----G--C---G--C-----G-----	7591
96ZM651.8	---G-----G-----GC-A-----A--T-----GT-----	7576
96ZM751.3	-----T-----A-----T-----AGG--T--C-----GT-----	7566
94CY017.41	-----A-----A-----G-----C-----G-----A-----	7593
94IN476.104	-----A-----A-T-----C-A---G-A---T-----GT-----	7534
93BR020.1	GGCAAGTCTGTGGAATTGGTTTGACATAACACAGTGGCTGTGGTATATAAAAAATATTCAT	7585
92NG083.2	-----T-----T--A-T---A-----G-----	7607
90CF056.1	-----C-----T-----T-----	7600
92RW009.6	-----A-----T--A-T-----	7613
92NG003.1	-----T-----C-----A-A---A-----T-----	7574
93BR029.4	-----A-A-----	7600
94CY032.3	-----C-----AG-----A-A---A-----T-----	7651
96ZM651.8	-AAC-A-----A-A-----T-----	7636
96ZM751.3	AAA--A-----A-T-----A-T-----	7626
94CY017.41	---GA-T-----G-----CA---TT---C-----G-----T-----	7653
94IN476.104	-CA--A-----AG-----A-A-----	7594
93BR020.1	AATGATAGTAGGAGGCTTGATAGGCTTAAGAATAGTTTTTACTGTGCTTTCTATAGTAA	7645
92NG083.2	-----T--A---T-----G-----	7667
90CF056.1	-----T--A---T-----A-----G-----	7660
92RW009.6	-----A-----T-----A-----G-----C-----G-----	7673
92NG003.1	-----T--A---T-----G-----	7634
93BR029.4	-----G-----	7660
94CY032.3	-----A-----G-----	7711
96ZM651.8	-----A-----T-G---A-----G--A--C-----G-----	7696
96ZM751.3	-----A-----T-----A-----G-----C-----	7686
94CY017.41	-----A-----G--A-AA--A--G-----	7713
94IN476.104	---T-----T--G---A-----G-----A-----	7654
93BR020.1	TAGAGTTAGGAAGGGATACTCACCTTTGTTCATTTTACACCCATATCCCAAGCCCGAGG..	7703
92NG083.2	-----C-----G--C-----T--C--ATCA--A-C---	7725
90CF056.1	-----C-----T-----T-G---G-A---AC---	7718
92RW009.6	C-----C-----A--A--G-----T-----A-----	7731
92NG003.1	-----C-----C-----T--C--ACCA--A-----	7692
93BR029.4	-----A-----GCT-----A-----	7718
94CY032.3	-----C-----T-G---T-----CAA-CCAACG	7771
96ZM651.8	-----C-----G-----T-----G-A---A-----	7754
96ZM751.3	-----C--G-----G--G-----T-----C-----	7744
94CY017.41	-----C-----G-----T--C--C-----AGA---	7771
94IN476.104	-----C-----G--G-----T--C--GA-----	7712

Fig. 13V

93BR020.1	.GAACCCGACAGGCCCGAAGGAATCGAAGAAGGAGGTGGAGAGCAAGGCAAAGACAGATC	7762
92NG083.2	.-----T-G-AA-C-----C-----A-G-----	7784
90CF056.1	.-G-----CA-----C-----A-G-----	7777
92RW009.6	.-G-----T-G-----A-----A-G-G-----	7790
92NG003.1	.-----A-----A-----A-G-----	7751
93BR029.4	.-----C-----	7777
94CY032.3	G-G-T-----G-----CA-----A-----C-----A-G-AG-----	7831
96ZM651.8	.-----A-G-A-----A-----A-----G-----	7813
96ZM751.3	.-----A-----T-G-A-----A-----A-G-----	7803
94CY017.41	.-GT-----AG-----C-----G-----	7830
94IN476.104	.-----T-AG-----A-----A-----	7771
<b>TAT 2<sup>nd</sup> exon end</b> ←		
93BR020.1	CGTGAGATTAGTGACCGGATTCTTAGCTCTTGCTGGGACGACCTGCGGAACCTGTGCCT	7822
92NG083.2	-ACTC-----G-----G-----G-----	7844
90CF056.1	.-----A-----C-AG-T-----C-----G-----CA-----	7837
92RW009.6	-A-TC-----G-----A-----A-----G-----	7850
92NG003.1	A---C-C-----G-----A-----	7811
93BR029.4	.-----A-----T-----A-----	7837
94CY032.3	-A-TC-C-----A-----GC-A--AT-----	7891
96ZM651.8	.-----C-----G-----A-----A-----G-----	7873
96ZM751.3	AA-TC-----A-----A-----T-----C-----G-----	7863
94CY017.41	GA-TC-----A--G-----C-A-----A-----G-----	7890
94IN476.104	-A-TC-----A-----A-----T-A-----G-----	7831
93BR020.1	CTTCAGCTACCGCCACTTGAGAGACTTCATATTAATTGCAGCGAGGATTGTGGA...CA	7878
92NG083.2	T-----A-G-----G-----AG-C-G-----A---CG-----ACTT-T	7904
90CF056.1	.-----T-----AC-C-----T-T-----C-----ACTT-T	7897
92RW009.6	T-----A-GA-----AC-----G-----CG-----ACTT-T	7910
92NG003.1	.-----A-GA-----AG-C-G-----CA-CA--ACTC-T	7871
93BR029.4	.-----	7893
94CY032.3	.-----A---AC-C-----T-----C-----ACTT-T	7951
96ZM651.8	.-----A-GA-----GG-GA-----AGCG-----GCTT-T	7933
96ZM751.3	T-----A-G-----G-----GGAC-AC-----	7917
94CY017.41	.-----T---A-G-----T-G-----G-----C-----ACTT-T	7950
94IN476.104	.-----T-G-A--GA-----GG-----AGCG-----ACTT-T	7891
93BR020.1	GGGG.....G.CTGAAGAGGGGTGGGAAGCTCTCAAATATCTGGGGAA	7921
92NG083.2	---ACGCAGCAGCCTCAAGG-A---GACT-----GC-----G-CT-T---	7964
90CF056.1	.-----GA-----A-----C-----CT---	7936
92RW009.6	---ACGCAGCAGTCTCAGGG-A--AC-----A-C-T-G-----A-A---	7970
92NG003.1	-A-ACGCAGCAGTCTCCAGG-A---GACT-----G-GC-----T---	7931
93BR029.4	.-----A-----C-----CT-----	7936
94CY032.3	.-----TA-----C-----G-----T---	7990
96ZM651.8	-A-ACGCAGCAGTCTCAAGG-A--AC-----C-T-G-----A-G---	7993
96ZM751.3	.-----A-----A-----T-G-----G---	7950
94CY017.41	---ACACTGCAGTCTCAAGG-A---GACT-----G-----GA-----T---	8010
94IN476.104	---ACGCAGCAGTCTCAGGG-A--AC-----C-T-G-----A-G---	7951
<b>REV 2<sup>nd</sup> exon end</b> ←		
93BR020.1	TCTCACACAGTATTGGGGTCAGGAACTAAAGAAATAGTGCATTAGCTTGCTTAATGCCAC	7981
92NG083.2	C---CTGTT-----G-----AT-----G-A-A-T	8024
90CF056.1	---TCT---A-C-----A-----GAT-----CA-----	7996
92RW009.6	---TGTG-----T-----A-GG-----ATC-----G-A---	8030
92NG003.1	---CTGTT-----G-----AT---A-G-A-A-T	7991
93BR029.4	.-----G-G-T-----A-----A-----	7996
94CY032.3	CT-CTG-T-----A-----G-----AT---T-A---	8050
96ZM651.8	---TGTG-----T---G---A-G-----TC-A--G-A--T	8053
96ZM751.3	---TGT-----TA-G---A-G-----T-----G-A-T-T	8010
94CY017.41	---TCTGTTA--C-----G-----G-----AT-G-A-T-T	8070
94IN476.104	---TGTG-----T-----A-G-----TC-----G-A--T	8011
93BR020.1	AGCAATAGCAGTAGCTGAGTGGACAGATAGAGTTATAGAAGCTTTGCAAAGAGCTGGTAG	8041
92NG083.2	-----AC-----A-CG-----G-----TAGCA-----TA-----	8084
90CF056.1	.-----G-A-----G-GA-----T-ATAG-----T-G---	8056
92RW009.6	.-----T-----AG-A-----GA-----TTAA-A-----AT-A-C---	8090
92NG003.1	.-----A-C-----G-----TAGCA--G-----T-----	8051
93BR029.4	.-----T-----G-----G-----	8056
94CY032.3	.-----G-A-----GA-----AG-A--G-----T-----	8110
96ZM651.8	.-----AG-A-----GA-----TTAA-A--G-AT-T---	8113
96ZM751.3	.-----AG-A-----A-----TTAACA-----AT-T---	8070
94CY017.41	.-----G-----G-----ATAGG-----TTC---	8130
94IN476.104	.-----A-A-----G-A-----GA-----TT-ACA-----AT-T-C---	8071

Fig. 13W

ENV end ←

93BR020.1 AGCTATTCTCAACATACCTAGAAGAATAAGACAGGGCTTGGAAAGGGCTTTGCTATAAA. 8100  
92NG083.2 -----G-----C-----G-----A-----A-----A----- 8143  
90CF056.1 -----C-----T-----AAGC-----TA 8116  
92RW009.6 -----CTAT-----C-----T-----GCA-----A----- 8149  
92NG003.1 -----G-----A-----A----- 8110  
93BR029.4 -----G-----T-----G----- 8115  
94CY032.3 -----TG-----C-----C-----T-----A-----T----- 8169  
96ZM651.8 -----C-----G-----G-----T-----CA----- 8172  
96ZM751.3 -----C-----G-----G-----T-----GCA-----A-----G----- 8129  
94CY017.41 -----C-----C-----A-----A----- 8189  
94IN476.104 -----C-----G-----T-----T-----GCA----- 8130

→ NEF start

93BR020.1 ATGGGTGGCAAGTGGTCAAAAAGTAGTATAGTTGGATGGCCTGCTATAAGGGAAAGAATG 8160  
92NG083.2 -----G-----C-----CAG-----A 8203  
90CF056.1 -----A-----A-----G-----G-----G-----T-----A----- 8176  
92RW009.6 -----AA-----T-----CC-----A-----G-----A-----C-----A----- 8209  
92NG003.1 -----A-----A-----C-----C-----GG-----G-----A----- 8170  
93BR029.4 -----A-----G-----T-----A----- 8175  
94CY032.3 -----A-----A-----C-----AG----- 8229  
96ZM651.8 -----G-----C-----G-----A-----G-----A----- 8232  
96ZM751.3 -----A-----C-----C-----AAAG-----A-----A----- 8189  
94CY017.41 -----G-----G-----C-----CCA-----T-----G----- 8249  
94IN476.104 -----GA-----AT-----C-----A-----AGG-----A----- 8190

93BR020.1 AGGCGAACCCCTCCAA...CCC.....C..TCCAGCAGCAGAG 8193  
92NG083.2 --A-A--T--GT-G...-A.....-A 8227  
90CF056.1 -----G-TGAA--G...TA.....-A 8200  
92RW009.6 --A--TGAG--G...-A.....-A 8233  
92NG003.1 --A-A--G...-A.....-A 8191  
93BR029.4 --A-A--G...-A.....-A 8199  
94CY032.3 -----G-T-GAG-TGAGC-AGAAAGAATGAGGCGAGCTCAAGCTGAG-----CA 8289  
96ZM651.8 --AA--TGAG--G...-A.....-A 8256  
96ZM751.3 GCAA--TGA--G...-A.....-A 8213  
94CY017.41 --AA--T--CAG-A-AAA.....GAACAGAAGCAGTGTC-----CCA 8303  
94IN476.104 --A--TGAG--G...-A.....-A 8214

93BR020.1 GGGGTGGGAGCAGTGTCTCAAGACTTAGAAAGACGGGGGGCAATTACAAGCAGCAATACT 8253  
92NG083.2 --A-A--A-----A-----T-----CT--G-AT--A-----C-----A----- 8287  
90CF056.1 -----A-----G-----T-----G-----T-----C-----G-----C-----TT-AT-----A 8260  
92RW009.6 --A-A--C-----C-----C-A-TAT-----C-----T-----C-A----- 8293  
92NG003.1 --A-A--CAC-----CT--G-AT--A-----C-----A----- 8251  
93BR029.4 -----A-----G-----C-A-AT-----C-----TT-A-----A 8259  
94CY032.3 --A-A--C-----T-A-TAT--A-----C-----C-----A----- 8349  
96ZM651.8 --A-A--C-----T-A-TAT--A-----C-----T-----C-A----- 8316  
96ZM751.3 --A-A--C-----T-A-TAT--A-----C-----T-----C-A----- 8273  
94CY017.41 --A-A--T-----CT-CT-AT--A-----G-----C-----T-----A----- 8363  
94IN476.104 --A-A--CA-----CT-A-AT--A-----C-----C-----C-A----- 8274

93BR020.1 AGAGCTAATAATCCTGACTTGGCCTGGCTGGAAGCACAAAGAGGAA...GACGAAGTAGGC 8310  
92NG083.2 GC-A-C--C-----T-GT-----GGACTCA--T----- 8347  
90CF056.1 GC-T--C-----G--TGCC-----CGGG--G----- 8320  
92RW009.6 CCCAGC--C--G--T-GT-----C-----GGAAA----- 8353  
92NG003.1 GC-CAA-C-----T-GT-----A-----C-----GAATTCA--G----- 8311  
93BR029.4 G-----G-----G----- 8316  
94CY032.3 GC-----C-----AAAA-----A--GGAA--A--G-----T----- 8409  
96ZM651.8 --TA-C-C--G--CT-GT-----G-----A-----T----- 8373  
96ZM751.3 --TA-C--G--T-GT-----G-----GGAG-GA----- 8333  
94CY017.41 GC-----C-----T-GC-----G-----G-----A--GGAGAGT----- 8423  
94IN476.104 CC-AGC-----G--CTGGT-----C-----G-----GGAA--A----- 8334

93BR020.1 TTTCCAGTCAGACCTCAGGTACCTTTAAGACCAATGACCTATAAGGGAGCTGTAGATCTC 8370  
92NG083.2 -----G-----A-----G-----T-----CT--T-T----- 8407  
90CF056.1 -----G-----T-----T----- 8380  
92RW009.6 -----G-----T-----A-C--A--T----- 8413  
92NG003.1 -----AA-----G-----T-----CT--CT-T----- 8371  
93BR029.4 -----T-----C-T----- 8376  
94CY032.3 -----G-A-----G-----T-----A-----T----- 8469  
96ZM651.8 -----G-----T-----C-----A-----C----- 8433  
96ZM751.3 -----T-----TC-----AT-T----- 8393  
94CY017.41 --C-----G-A-----G-----TC-----GT-T----- 8483  
94IN476.104 -----G-----T-----A-----AT-C----- 8394

Fig. 13X

93BR020.1	AGTCACTTTTTTAAAAGAAAAGGGGGGACTGGAAGGGTTAATTTACTCCAAGAGAAGACAA	8430
92NG083.2	--CTT-----T--C-----	8467
90CF056.1	--C--T-----T-----CA-----G	8440
92RW009.6	--CTT-----T-----A--G--	8473
92NG003.1	--CTT-----T--C-----T--A-----	8431
93BR029.4	-----T-----A-----	8436
94CY032.3	--C-----T--C-----A-----	8529
96ZM651.8	--CTT-----T-----A--G--	8493
96ZM751.3	--CTT-----T-----GT--A-----	8453
94CY017.41	--CTT-----T-----C--A-----	8543
94IN476.104	GCCTT-----T-----T--A--G--T	8454
93BR020.1	GAGATCCTTGATCTGTGGGTCTACCACACACAAGGCTACTTCCCTGATTGGCAGAACTAC	8490
92NG083.2	--C-----A-----TA-T-----A-T-----A-----	8527
90CF056.1	--C-----T-A-----TA-----C-----	8500
92RW009.6	--C-----G--T-----TA-----A-----	8533
92NG003.1	--C-----C--A-----TA-T-----A-----A-----	8491
93BR029.4	-----T-----	8496
94CY032.3	-----T-----T-T-----G-T-----	8589
96ZM651.8	--A-----T-----T-----T-----C-----A-----	8553
96ZM751.3	--A-----C--T-----T-----A-----T	8513
94CY017.41	--C-----A-----T-----	8603
94IN476.104	--A-----T-A-----T-TA-----A-----	8514
93BR020.1	ACACCAGGGCCAGGGATCAGATATCCACTGACCATGGGGTGGTGCTTCAAGCTAGTACCA	8550
92NG083.2	-----CT--CTC-----T-T-----A-----	8587
90CF056.1	-----GAG--T--C-----T-T-----	8560
92RW009.6	-----A-----G-----TT-T--A--T-A-----G--	8593
92NG003.1	--T-----CT--TC-----AT-TC-----A-----	8551
93BR029.4	-----C-----T-A-----	8556
94CY032.3	-----A-----GAG--TC-----TG-T-T--A-----	8649
96ZM651.8	-----G--A-----G-----T-T--A-----G--	8613
96ZM751.3	-----G--A-----T-T--A-----A-----G--	8573
94CY017.41	-----C--T-A--AT-T--A-----	8663
94IN476.104	-----A-----G-----T-T--A-----A-----	8574
93BR020.1	GTTGACCCAGAGGAGGTAGAAAAGGCCAATGAAGGAGAGAACAACCTGCTTACACCCC	8610
92NG083.2	A-G-----CA--A--GG-A-----A-G-----T-A-TC-AT-----	8647
90CF056.1	--AA-T--C-----C-----A-----	8620
92RW009.6	-----AG--A--G--G-A-----G-----A-----T	8653
92NG003.1	A-G--T--CA--A--GG-A-----A-----A-T-AT-----T	8611
93BR029.4	-----	8616
94CY032.3	--A-T--C-----G--G-----C-----C--T--G-----T	8709
96ZM651.8	-----T--G--A-----G-----C-----A-----TC-----T	8673
96ZM751.3	-----AG--A-----G-A--C-----G-----T-----T	8633
94CY017.41	--A--G--TCT--G-A--T-C-C-G-----A--AT-----T	8723
94IN476.104	-----AGT-TA-----G-----CA-----A-----T-----T	8634
93BR020.1	ATGAGCCAACATGGAATGGAGGATGAAGA.CAAAGAAGTACTGAAATGGGAGTTTGACAG	8669
92NG083.2	--CT--G-----G-----G--GT--AGA--A--	8706
90CF056.1	-----TG-----C-G-G-----G--TG--A-A-----	8679
92RW009.6	C-----G-----G--G-----CT-A--G--A-----	8712
92NG003.1	--CT-----CC--A--CG--G-----G--GT--AGA-----	8670
93BR029.4	-----G--A-----C-G--AG-----	8675
94CY032.3	--A--G-----G-G-----T-A--G--A-----	8768
96ZM651.8	-----G--A-----T--TC--G-----T-A--G--A-----	8732
96ZM751.3	--A--G-----A--A-----G-----T-A-GG--A-----	8692
94CY017.41	--AT-----G-A--T--CCCT--A-G-----GT-A-G-----T--	8782
94IN476.104	-----T-----TGG-----T-A--G--C-----	8693
93BR020.1	CCGCTTGGCACTGAGACACATAGCCAGAGAGACATCCGGAGTACTACCAAGAC...TG	8726
92NG083.2	TA--C-A--G-----C-----C--CTG-----A-----TGC--	8766
90CF056.1	T--AC-A--T--C--T-G--C--TA-AG-----A-----TGC--	8736
92RW009.6	T-A-C-A--AC-----G--C-C--CT-----T-TA--TGC--	8772
92NG003.1	TA--C-A--G-----C--ACA-----TA-G--TGC--	8730
93BR029.4	-----C-A--T-TCAT--G--C--CTG-----A-G--TGC--	8735
94CY032.3	T--C--TAC-AG--G--C--CTG-----TT--A--TGC--	8828
96ZM651.8	T-A-C-A--AT-A--G--C--CT-----T--A--TGC--	8792
96ZM751.3	TTC-C-A--GC-----G--C-C--CT-----T--A--TGC--	8752
94CY017.41	AA--C-----G-----G--C--CTG-----A--TGC--	8842
94IN476.104	-A--C-A--GC-----C-C--CT-----T--A--TGC--	8753

Fig. 13Y

NEF end ←

93BR020.1	AGACTGCTGACACAGAGATTGCTGACACAGAAGAATCT.AAA...GGGACTTTCCA.CTG	8781
92NG083.2	-----TTG--G-C...A-----GC---	8800
90CF056.1	-----T--G-----G---	8767
92RW009.6	-----GGA--TTCCGCT-----	8807
92NG003.1	-C--A-AA-T-----T-TTG--G-C-A.G-----GC---	8780
93BR029.4	-----TT--GTTT-----C...A-----G---	8767
94CY032.3	-----TTG--G-C-A.A-----GC-C-	8863
96ZM651.8	-----GGA--TTCCGCT-----	8827
96ZM751.3	-----GGA--TTCCGCT-----	8787
94CY017.41	-----TTG--G-CG....G---	8874
94IN476.104	-----	8775
93BR020.1	GGGACTTTCCAGAG..GGTG.GGCCAGAGGGCGGGACTGGGGAGTGGCTCACCCTCAGAT	8838
92NG083.2	-----GAGA--C-C---T-G..-A--G-----A-----A	8857
90CF056.1	-----G-G-.A-C-T-AT-T-G..-----GA-----CA-----	8823
92RW009.6	-----GG-----G..A---T-T-T-G..-----G-A-----CA-----	8862
92NG003.1	-----G-G-.A-C-C---AT-G..-A-----A-----A	8836
93BR029.4	-----G-.A---T---T-G..-----GAG-----	8824
94CY032.3	-----G-GA--C-C---T-G..-A--GT-----A-----	8920
96ZM651.8	-----G..A---T-T-T-G..-----TCA-----	8880
96ZM751.3	-----G-----G---T-AT-T-G..-----CAG-----A	8842
94CY017.41	-----G..A---T---TGT-G..-----ACT-----A-----	8931
94IN476.104	-----G-----G....-A-T--T-T-G..-----AT-----TCA-----	8829
93BR020.1	GCTGCATATAAGCAGCCGCTTTTCGCCTGTACTGGGTCTCTCTAGTTAGACCAGATTGA	8898
92NG083.2	-----C-----T--G-----	8917
90CF056.1	-----T-----T-----T-G-----C---	8883
92RW009.6	-----T-----T-----G-G-----C---	8922
92NG003.1	-----C-----T-----	8896
93BR029.4	-----T-----CT-----G-----	8884
94CY032.3	-----A-----C-----G-----C-----	8980
96ZM651.8	-----T-----T-----G-----C-----	8939
96ZM751.3	-----T-----G-----C-----	8902
94CY017.41	-----T-----C---A-----T---G-----A---	8990
94IN476.104	-----T-----T-----G-G-----C---	8889
93BR020.1	GCCCCGGGAGCTCTCTGGCTAGCTAGGGAACCCACTGCTTAA.GCCTCAATAAAGCTTGCC	8957
92NG083.2	---T-----T-G--AG-----	8976
90CF056.1	---T-----A-----	8942
92RW009.6	---T-----T-----	8981
92NG003.1	---T-----AG-----	8955
93BR029.4	---T-----T-----	8943
94CY032.3	---T-----	9039
96ZM651.8	---T-----T-----	8998
96ZM751.3	---T-----T-----	8961
94CY017.41	---T-----AG-----	9049
94IN476.104	---C---T-----	8948
93BR020.1	TTGAG...TGC.TTT	8968
92NG083.2	-----C	8987
90CF056.1	-----	8953
92RW009.6	-----C-	8992
92NG003.1	-----C	8966
93BR029.4	-----T-A.	8954
94CY032.3	-----T-C.	9050
96ZM651.8	-----TC-	9009
96ZM751.3	-----C--	8972
94CY017.41	-----AGC-T....	9060
94IN476.104	-----C-	8959

Fig. 13Z



GAG		
93BR20.1	MGARASVLSGGKLDWEKIRLRPGGKKKYRLKHLVWASRELERFALDPGLLETSEGCRI	60
92NG083.2	V-----S-----R--K--I-----G-----NRD--A--VQ-	60
90CF056.1	-----I-R-----K-K---T-MM-----N-D---P---LQ-	60
92RW009.6	-----I-R-----K-K---T-MM-----N-D---P---KQ-	60
92NG003.1	-----I-R-----K-K---T-MM-----N-D---P---KQ-	60
93BR029.4	-----I-E-K-----H-----I-----VN-----Q-	60
94CY032.3	-----R-----R-----N-----A---QQL	60
96ZM651.8	-----I-R---K-----R-MI-----N-----KQ-	60
96ZM751.3	-----I-R---E-R-----H-MM---I-----N-----KQ-	60
94CY017.41	-----I-----K-SIN-----P---Q-	60
94IN476.104	-----I-R---R-----H-MI-----N-----D---KQ-	60
93BR20.1	IGQLQPSLQTGSEELKSLYNTIAVLYYVHQKVEVKDTKEALEKLEEEQNKGROKTOQATA	120
92NG083.2	MK---A- -T--R--F--V-T-C---I-----P-EV-KI-KNSQ-EI---AK	119
90CF056.1	-E-I--AIK-T--F-LV--C-R-ID-----D-I--I--SQ-----A-	120
92RW009.6	MR---A---TD-R---V-T-C---ID-----D-I-----SQ-----E-	120
92NG003.1	MR---A---TD-R---V-T-C---ID-----D-I-----SQ-----E-	120
93BR029.4	LE---A-K-----R---V-T-C---ID-----I-----XSKK-A---A-	120
94CY032.3	ME---ST-K-----R---TT-WC---RID-Q-----D-I--I-S-SK-----A-	120
96ZM651.8	MK---A---T--R---V-T-C-EG--R-----DRI-----IQ--I--K-	119
96ZM751.3	-Q---A---T--R---V-T-C-E-IK-R-----D-I-----SQ--I--K-	118
94CY017.41	-R---A---T--E---R---V-V--W--R-D-----D-I-----H-A-	118
94IN476.104	-K--H-A-K-T--R--F--V-T-C-AGI-R-----D-I-----SQ--I---KE	120
93BR20.1	EKG...VSQNYPIVQNLOQGMVHQSLSPRTLNAWVKVIEEKAFSPEVIMPMFSALSEGAT	176
92NG083.2	NE-NSNP-----A---I-AI-----V-----	179
90CF056.1	D-EKDNK-----A---AI-----V-----	180
92RW009.6	ADK GK...-A---AI-----Q-----T-----	178
92NG003.1	G--NSSQ-----A---V--PI-----N-----T-----	180
93BR029.4	NT-NNSQ-----AI-----V-----	180
94CY032.3	AA-GSSN-----A---I-----	180
96ZM651.8	QQAADGK-----K-----T-----	179
96ZM751.3	.EATGGK-----AI-----G-N-----T-----	177
94CY017.41	DT-NSS...-A---AI-----V-----T-----	176
94IN476.104	AD-K...-P-----T-----	177
93BR20.1	PQDLNMLNTVGGHQAAMQMLKDTINEEAAEWDRHLHTQAGPIPPGQIREPRGSDIAGTT	236
92NG083.2	-----D---I-Q-----S-----	239
90CF056.1	---A-----V-VH-----M-----	240
92RW009.6	-----V-V---VA-----	238
92NG003.1	-----S-----Q-----	240
93BR029.4	-----E-----V-VH-----M-----	240
94CY032.3	---M---I-----D--T-VH-----M-----	240
96ZM651.8	-----VH---A-M-----	239
96ZM751.3	-----VH---A-----	237
94CY017.41	-----V-VH-----M-----	236
94IN476.104	-S-----VH--N--M-----	237
93BR20.1	STLQEIQWMTGNPPVPVGEMYKRWIILGLNKIVRMYSVPVGILDIRQGPKEPFRDYVDRF	296
92NG083.2	-----R--S--I---I-----S-----	299
90CF056.1	-----A---AI---DI-----S---K-----	300
92RW009.6	-----A--N--I---I-----S---K-----	298
92NG003.1	-----T--S--I---I-----S---K-----	300
93BR029.4	-----S-----I-----TS-G-----	300
94CY032.3	-----G--S-----I-----T--IS-----	300
96ZM651.8	-----A--S--I---DI-----S---K-----	299
96ZM751.3	G-----A--N--I---DI-----S---K-----	297
94CY017.41	-----G--SD-I---I-----S-----	296
94IN476.104	-----A-----I---DI-----S-----	297
93BR20.1	FKTLRAEQATQEVKGWMTDTLLVQANANPDCKTILKALGPGATLEEMMTACQGVGGPSHKA	356
92NG083.2	-----D--N--E-----R-----	359
90CF056.1	-----S-D--N-----R--Q--SI-----	360
92RW009.6	-----N-----R--A---L-----	360
92NG003.1	Y-----TS-D--N--E-----A-----G---	360
93BR029.4	--C-----TS--N--E-----S---T-----	360
96ZM651.8	-----D--N-----R-----G---	359
96ZM751.3	-----D--N-----R-----G---	356
94CY017.41	-----N-----RS--R---S-----	356
94IN476.104	-----R-----S---V-----	357

Fig. 14A

93BR20.1	RVLAEAMSQATNTA...IMMQKSNFKGQRRIVKCFNCGKEGHIAKNCRAPRKKGCWKCGR	413
92NG083.2	-----SGA-AAA-----P---I-----L-R-----K	419
90CF056.1	-----V---N.TA-----G-----KF-----R-----	419
92RW009.6	-----VQQPN...---RG-----I-----L-R-----K	415
92NG003.1	-----R--G-S.AA-----N---P-GI-----L-R-----K	419
93BR029.4	-----V--SG..T---RG--RN--KTI-----K	418
94CY032.3	-----S-A..AA-----K-----TI-----L-R-----K	419
96ZM651.8	-----TNSVN...-L-----NK-M-----R-----K	416
96ZM751.3	-----VN--N...---PK-----R-----G-----K	413
94CY017.41	-----HVQS-N.TN-----RG--R--K-.I-----L-R-----K	414
94IN476.104	-----SHSN....---RG---PK-----R-----R-----Q	413
93BR20.1	EGHQMKDCTE.RQANFLGKIWPSNKGPRGNFIQNRP.....EPSAPPAESFRFGEE.TT	465
92NG083.2	-----E-----L-----T-----G-----IA	471
90CF056.1	-----S-----L-S-----T-----G-----M-	471
92RW009.6	-----P-S-L-----T-----N-GM-----IA	467
92NG003.1	-----L-----T-----G-----IA	471
93BR029.4	-----H-----L-S-----T-----V--	471
94CY032.3	-----RM--S-----L-----T-----CLERK----	471
96ZM651.8	-----H-----L-----T-----	467
96ZM751.3	-----Q-----L-----EPTAPPA-T-----E----	470
94CY017.41	-----P-S-T-----T-----NL-M-----I-	466
94IN476.104	-----H-----L-----T-----K-----	464
93BR20.1	PSPKQEQKDEGLYPPLASLKSFLGNDP...1	492
92NG083.2	-----P-EKE-----T-----S---1	497
90CF056.1	-----LKDKKEP.-----R---S--LLQ1	500
92RW009.6	SPL-----REP...-I-----LSQ1	494
92NG003.1	--L---PREKESP.--T-----1	497
93BR029.4	--Q---PI-KEM------R-----SSQ1	500
94CY032.3	S-L---PR-KE---T-----S--LSQ1	500
96ZM651.8	-A---S--RE...A-T-----S--LSQ1	494
96ZM751.3	-A-R-----KE...-TA-----S--LSQ1	497
94CY017.41	S-L---LETREP-N-AI-----LLQ1	496
94IN476.104	-A---S--RE...-T-----S--LSQ1	491

Fig. 14B

POL		
93BR020.1	FFRENLAFFQQGEARKL . . . . HPEQARAVSPASRE . . . . LQVRGGD.NP . . . IS.EAG	44
92NG083.2	-----S---D--N--T-----RI-R--S---LP----	44
90CF056.1	-----R---F---S---TN--T-----R--R--D---L----	44
92RW009.6	-----F---S---TG-N--T-----WNG-R-.SL---S--T-	44
92NG003.1	-----EF---SS---N--TR-----R--R--S---FP----	44
93BR029.4	-----P--K--EF---PS--T--N--T-----W-RGN-S---L--T-	45
94CY032.3	-----V---R---FSSEQA . . . . -N--RGM . . . . REER--N . . . . LLS---	44
96ZM651.8	-----P--K--EF---PS---N--T-----R-----	43
96ZM751.3	-----PE--GE---PS--T--N--T--SNSPTSRE-----CP----	49
94CY017.41	-----R---F---SS--N--N--T-----ENG-R-N . . . . LLP---	44
94IN476.104	-----P---EF---PSK---N--T-----Q-DN . . . . PRS---	43
93BR020.1	AE.RRGTVPSLSFPQITLWQRPLVTIRVGGQLKEALLDTGADDTVLEDVNLPGKWKPKMI	103
92NG083.2	-K.GE-AI--N-----VKI---I-----GI-----	102
90CF056.1	-AEGQ-----VKIE--R-----EI-----	102
92RW009.6	-Q---FN-----VKI---R-----EI-----	100
92NG003.1	-.GK-IT-.INL-----V-I--I-----QI-----	102
93BR029.4	-D.-Q-D-.FG-----VKI-----EI--R-----	103
94CY032.3	T-.GQ--I-.FN-----PS--KL--IR-----EI-----	102
96ZM651.8	V--Q---N-----S-K--I-----G--EI-----	99
96ZM751.3	-.Q---T-NC-----S-K--I-----EI-----	105
94CY017.41	TG.DQ--IQ-CN-----VKIE-----EI-----	103
94IN476.104	V--Q-.T--N-----S-K--I-----EIA--R-----	99
93BR020.1	GGIGGFIKVKQYDSILIEICGHRAIGTVLVGPTPVNIIGRNMLTQIGCTLHFPISPIETV	163
92NG083.2	-----R--Q---G-KK-----I-----N-----	162
90CF056.1	-----R--EQVA-----KK-----I-----N-----	162
92RW009.6	-----Q-----KK-----S-----N-----	160
92NG003.1	-----Q-----E-KK-----I-----N-----	162
93BR029.4	-----R--Q-P-----RK-T-----L-----N-----	163
94CY032.3	-----R--Q-P-----KK-----L-----N-----	162
96ZM651.8	-----E-R--Q-PM-----KK-----L-----N-----	159
96ZM751.3	-----R--Q-----KK-----L-----N-----	165
94CY017.41	-----R--Q-A-----K-----V-L-----N-----	163
94IN476.104	-----R--Q-----KK-----D-----L-----N-----	159
93BR020.1	PVKLKPGMDGPKVKQWPLTEEKIKALTEICMEMEKEGKISKIGPENPYNTPVFAIKKKDS	223
92NG083.2	-----R-----KD-----I-----	222
90CF056.1	-----A-----R-----T-----R-----S--I-----	222
92RW009.6	-----A-----I-----R-----T-----I-----	220
92NG003.1	-----A-----I-----R-----T-----I-----	222
93BR029.4	-----R-----I-----T-----I-----	223
94CY032.3	-----R-----I-----T-----I-----	222
96ZM651.8	-----R-----A-E-----T-----	219
96ZM751.3	-----R-----A-E-----T-----	225
94CY017.41	-----R-----K-----	223
94IN476.104	-----R-----K-----T-----R-----	219
93BR020.1	TKWRKLVDFRELNKRTQDFWEVQLGIPHPAGLKKKKSVTVLVDVGDAYFSVPLDKDFRKYT	283
92NG083.2	-----R-----S-----E-----	282
90CF056.1	-----R-----I-----EN-----	282
92RW009.6	-----R-----I-----EN-----	280
92NG003.1	-----R-----I-----EN-----	282
93BR029.4	-----R-----I-----EN-----	283
94CY032.3	-----R-----I-----EN-----	282
96ZM651.8	-----R-----I-----EN-----	279
96ZM751.3	-----R-----I-----EN-----	285
94CY017.41	-----R-----I-----EN-----	283
94IN476.104	-----R-----I-----EN-----	279
93BR020.1	ASTIPSTNNETPGVRYQYNVLPQGWKGSPAIFQYSMTKILDPPFRAKNPDIVYQYMDLLY	343
92NG083.2	-F---I---I-----S-----E-S-T--EM-----	342
90CF056.1	-F---I---I-----S-----A--EQ--EM-----	342
92RW009.6	-F---I---I-----N-----E--Q--QE-----	340
92NG003.1	-F---I---I-----S-----E--TE--E-----	342
93BR029.4	-F---I---L-----S-----E--KQ-----	343
94CY032.3	-F---I---I-----C-----E--F--E-----	342
96ZM651.8	-F---I---I-----S-----E--Q-----	339
96ZM751.3	-F---I---I-----S--I--E--TQ--E-----	345
94CY017.41	-F---I---I-----S-----E--S--TELI-----	343
94IN476.104	-F---I---I-----S-----E--R--K-----	339

Fig. 15A

93BR020.1	VGSDLEIGQHRTKIEELREHLLKWGLTTPDKKHQKEPPFLWMGYELHPDKWTVQPIQLPD	403
92NG083.2	-----A-----F-----TVK--E	402
90CF056.1	-----A-----F-----TVK--E	402
92RW009.6	-----A-----F-----TVK--E	400
92NG003.1	-----T--A-----N--R--F-----N	402
93BR029.4	-----Q--R--F-----V--E	403
94CY032.3	-----A-----R--F-----PAE	402
96ZM651.8	-----A-----F-----AE	399
96ZM751.3	-----A-----R--F-----K--E	405
94CY017.41	-----S--V-----A-----FY-----K--E	403
94IN476.104	-----H--A-----A-----F-----K--E	399
93BR020.1	KDSWTVNDIQKLVGKLNWASQIYPGIKVKQLCKLLRGAKALTDIVPLTTEAELELAENRE	463
92NG083.2	-ED-----H--R-----A--M-----	462
90CF056.1	-----N-----I--K-----	462
92RW009.6	-----V--R-----T-----E-----	460
92NG003.1	-E-----E-----	462
93BR029.4	-----A--R-----T--EV--A-----	463
94CY032.3	-----A--R-----E-----K--	459
96ZM651.8	-----A--R-----E-----S--	464
96ZM751.3	-E-----?--A--R-----E-----S--	464
94CY017.41	-----A-----T--K-----E--	463
94IN476.104	-----R-----E-----	459
93BR020.1	ILKEPVHGAYYDPSKDLIAEIQQGQGWTYQIYQEPFKNLKTGKYAKMRSHTNDVKQL	523
92NG083.2	-----V-H--E--V--PD-----Y-----RG-----	522
90CF056.1	--R--I--V-----R-----T-----I--	522
92RW009.6	-----V-----HD-----R-T-----	520
92NG003.1	-----V--E--L--CD-----Y-----RG-----	522
93BR029.4	-----V-----Y-----R--G-----	523
94CY032.3	-----H-----RT-----R--	522
96ZM651.8	-----V-----HD-----T-----	519
96ZM751.3	-----V-----HD--V-----T-----	524
94CY017.41	--T--V-----D-----R--T--I--	523
94IN476.104	-----V-----HD-----T-----	519
93BR020.1	TEAVQKISLESIVIWGKT.PKFRLPILKETWDTWTEYWQATWIPEWEFVNTPLVLKWLWY	582
92NG083.2	--V--AT-G--I--K--R--EV--A-----	581
90CF056.1	-----T--G--I--Q--E-----H--	581
92RW009.6	-----AM-----Q--E--D-----	579
92NG003.1	-----AT-----V--K--R--EV--D-----	581
93BR029.4	-----TT-----I--K--Q--EA--I-----	582
94CY032.3	-----AM-C-----Q-----	581
96ZM651.8	-----A-----I--Q--E--D-----L--	578
96ZM751.3	-----AM-----I--Q--E--D-----	583
94CY017.41	-----TM-----K--Q--E--A-----	582
94IN476.104	-----AI-----?--Q--E--D-----D-----	577
93BR020.1	QLETEPIVGAETFYVDGASNRETKKGKAGYVTDGRQKAVSLTETTNQKAELQAIQLALQ	642
92NG083.2	-----P--Y--A--L--H--K--K--IIT-----H--	641
90CF056.1	-----A--Y-I--A--L-----K--V-----T--Y--	641
92RW009.6	-----K--L-----A--I-----I-----T-----	639
92NG003.1	R-----P--Y--A--K--L-----K--IITIQ-----T--H--	641
93BR029.4	-----K-----A--L-----V--P--D-----T--H--	642
94CY032.3	-----D--A-----A--Q-----V--S-----T--Y--	641
96ZM651.8	-----K-----A--L--I-----I-T-----T--Y--	638
96ZM751.3	-----K--A--Y--A--I-----I-T-----T-----	643
94CY017.41	-----K--A-----A--L-----I-----T--H--Y--	642
94IN476.104	-----K-----A--V-----I-----T-----	637
93BR020.1	DSGSEVNIVTDSQYALGIIQAQPKSESELVNQIIEQLIKKEKVYLSWVPAHKGIGGNEQ	702
92NG083.2	--RP-----R-G-----E-----	701
90CF056.1	-----L-----S--A-----R-----	701
92RW009.6	-----S--A-----R-----	699
92NG003.1	-----R-----T-----	701
93BR029.4	--L-----I--L--I-----I--A-----	702
94CY032.3	-----I-----R--D-----R-D-----	701
96ZM651.8	-----H-----R-----	698
96ZM751.3	-----R-----	703
94CY017.41	-----L-----ER--I--K--E--R-----	702
94IN476.104	--T-----N--R-----	697

Fig. 15B

93BR020.1	VDKLVSAGIRKVLFLDGDIDKAQEEHEKYHNNWRAMASDFNIPAVVAKEIVASCDKCKQLKG	762
92NG083.2	-----S-----R-S-----L-P-----	761
90CF056.1	-----S-V-----R-----V-----L-PI-----	761
92RW009.6	-----S-R-----R-S-----L-PI-----	759
92NG003.1	-----S-----D-R-S-----L-PI-----	761
93BR029.4	-----S-----P-----	762
94CY032.3	-----N-----L-S-----N-----	761
96ZM651.8	-----K-----E-L-P-----Q-----	758
96ZM751.3	-----S-----S-----E-L-PI-----	763
94CY017.41	-----S-----R-S-----H-L-P-----	762
94IN476.104	--R--S-----D--S-----NE-L-PI-----	757
93BR020.1	EAMHGQVDCSPGIWQLDCTHLEGGKIIILVAVHVASGYLEAEVIPAETGQETAYFLLKLAGR	822
92NG083.2	-----I-----I-----I-----	821
90CF056.1	-----QV-----I-----K-----S-----	821
92RW009.6	-----A-----I-----I-----	819
92NG003.1	-----V-I-----I-----	821
93BR029.4	-----V-----G-I-----	822
94CY032.3	-----V-M-----I-----I-----	821
96ZM651.8	--T-----I-----YI-----	818
96ZM751.3	--I-----V-----I-----T-----L-I-----	823
94CY017.41	-----V-----I-----T-----D-----I-----	822
94IN476.104	-----R-----I-----YI-----	817
93BR020.1	WPVKTIHTDNGTNFTSATVKAACWWAGIQQEFIPYNPQSQGVVESMNKELKKIIGQIRD	882
92NG083.2	-----V-----P-I-A-----N-T-----VG-----	881
90CF056.1	-----S-----A-----D-----V-----	881
92RW009.6	-----V-----S-----N-----I-----V-----	879
92NG003.1	-----V-----S-----AM-----N-----V-----	881
93BR029.4	-----S-----T-----K-----I-----V-----	882
94CY032.3	-----M-A-P-----A-----D-N-----V-----	881
96ZM651.8	-----V-----S-----A-----K-----V-----	878
96ZM751.3	-----VV-----S-----A-----H-----V-----	883
94CY017.41	-----V-----P-I-----V-----	882
94IN476.104	-----V-----S-----A-----V-E-----	877
93BR020.1	QAEHLKTAVQMAVFIHNFKRKGGIGGYSAGERTIDIIATDIQTRELQKQIIKIQNFRVYY	942
92NG083.2	-----I-----S-----K-----	941
90CF056.1	-----I-----K-----SN-K-----	941
92RW009.6	-----R-----I-----K-----T-----	939
92NG003.1	-----I-----S-----K-----	941
93BR029.4	-----T-----IV-----K-----T-----	942
94CY032.3	-----I-----S-----K-----T-----	941
96ZM651.8	-----R-----I-----K-----N-K-----	938
96ZM751.3	-----I-----K-----	943
94CY017.41	-----I-----K-----R-T-----	942
94IN476.104	-----K-----N-T-----	937
93BR020.1	RDSRDPVWKGPAKLLWKGEAVVIQDNSEIKVVP RRKAKIIRDYGKQMAGDDCVAGRQDE	1002
92NG083.2	-----I-----N-----LK-----G-----	1001
90CF056.1	-----I-----E-----S-----	1001
92RW009.6	-----I-----D-----	999
92NG003.1	-----I-----V-----K-----G-----	1001
93BR029.4	-----L-----D-----V-----G-----	1002
94CY032.3	-----E-I-----D-----N-----	1001
96ZM651.8	-----I-----D-----A-----	998
96ZM751.3	-----I-----D-----I-----T-S-----	1003
94CY017.41	-----I-----D-----	1002
94IN476.104	-----I-----D-----A-----	997
93BR020.1	D....1	1003
92NG083.2	....1	1002
90CF056.1	....1	1002
92RW009.6	....1	1000
92NG003.1	....1	1002
93BR029.4	....1	1003
94CY032.3	....1	1002
96ZM651.8	....1	999
96ZM751.3	....1	1004
94CY017.41	....1	1003
94IN476.104	-QNME1	1002

Fig. 15C

# VIF

93BR020.1	MENRWQVMIWVQVDRMRINTWKS	LVKYHMHISKKAGW	FYRHHFESRHPKISSEVHIPL	60		
92NG083.2	-----V-----	R--N--H--YV-----	Y-----RV-----	60		
90CF056.1	-----	-----R--R-----	T--R-----	60		
92RW009.6	-----	K-R--N--H--YA-RR-----	Y-----	60		
92NG003.1	-----V-----	R--N--YK-----	D-----Y-----	60		
93BR029.4	-----V-----	-----V-----	R-----RV-----	60		
94CY032.3	-A-----	K-R--N--H--YV-----	Y-----V-----	59		
96ZM651.8	-----AL-----	R--N--H--Y--R--N-----	Y-----RV-----	60		
96ZM751.3	-----L-----	K-R--N--H--YV--RTGR-----	Y-----	60		
94CY017.41	-----	R--N--H--Y--R-----	V-K--Y--N-R-----	60		
94IN476.104	-----L-----	R--N--H--YV-RR-S-----	Y-----V-A-----	60		
93BR020.1	TAE LVITTYWGLLPGEREWHLGQGV	SI EW RQGRYRTQIDPGLADQLIHI	YFDCFSesai	120		
92NG083.2	D-T--VR-----	HA--KD-Q--H-----	K--S--NT--H--L-----	120		
90CF056.1	E-R-----	NT-----	LK--S--VE-----	120		
92RW009.6	E-R--K-----	QT--D--H-----	LR--K--V-----	G--MH--AD--	120	
92NG003.1	E-R--VR-----	HT--D-----	K-R--S--D-----	LH--N-----	V	120
93BR029.4	E-K-----	HT--D-----	-----	-----	-----	120
94CY032.3	E-R--VR-----	Q--QD--H-----	LR--S--V--D-----	MH-----	-----	119
96ZM651.8	D-K--K-----	QT--D--H-----	LR--S--V-----	MH--AD--	-----	120
96ZM751.3	D-K--K-----	H-----H-----	LR--S--V-----	MH--N--AD--	-----	120
94CY017.41	E-RIIVR-----	HI--KD--H-----	N--H-----D--H--L-----	-----	-----	120
94IN476.104	D-R--K-----	QT--D--H-----	L--S--VE-----	MH--AD--	-----	120
93BR020.1	RKAILGHKISPRCNYQAGHNKVGSL	QYLAL TAL IAPKKT KPPLPSVQKL	VEDRW NKPQKT	180		
92NG083.2	-----EIV--E-P-----	SK--VT-TRKR-----	G--A-----	180		
90CF056.1	-----RVVR--P--KQ--T-----	V--I-----R-----	-----	180		
92RW009.6	-----IV--D-----	-----K--I-----	S-----K-----	180		
92NG003.1	-----EVVR--E--T--Q-----	K--VT-TQ-----	K--T-----E-----	180		
93BR029.4	-----R--D-----	-----K--R-----	K--T-----	180		
94CY032.3	-----RV--E-----	A--S-----	K-----	179		
96ZM651.8	-----IVI--D-----	-----K--R-----	R-----NS--	180		
96ZM751.3	---L---IVI--D-----	-----K--I-----	R-----	180		
94CY017.41	---I-EIV--E-----	-----K-VV-STR-----	R-----	180		
94IN476.104	-----IVIS--D-----	-----K--R-----	K-----N-----	180		
93BR020.1	RGHRESHTMNGH1	192				
92NG083.2	-D--NP-----1	192				
90CF056.1	---G-----1	192				
92RW009.6	--R-GN-----1	192				
92NG003.1	---G--ST---1	192				
93BR029.4	KD--G-----1	192				
94CY032.3	--R--NQI---1	191				
96ZM651.8	K-R-GN--VS--1	192				
96ZM751.3	K-R-GN-I---1	192				
94CY017.41	K---G-----C1	192				
94IN476.104	-D--GN-----1	192				

Fig. 16

# VPR

93BR020.1	MEQAPEDQGPQREPYNEWTLDLLEELKNEAVRHFPRLHSLGQHIYNTYGDTWEGVEAI	60
92NG083.2	-----E-----G---Y-----	60
90CF056.1	-----H-----E---I-----V---Q-----V---L	60
92RW009.6	-----E---A---Q-----D---Y---E-----R-----	60
92NG003.1	--R-----F-----E---H---X...--G-----V--	56
93BR029.4	-----E---S---L-----E---A-----	60
94CY032.3	-----N---E-----G-----	60
96ZM651.8	---F-----S---EI---Q-----E---T-----	60
96ZM751.3	---N-----A-E---Q-----T---N---Q---T---L	60
94CY017.41	-----M-E---Q-----H---G---Y-----V--	60
94IN476.104	---S-----E---Q-----Y---E---A-T---L	59
93BR020.1	IRILQQLLFHFRIGCRHSRIGITRQRRVRNGTSRS1	96
92NG083.2	-----Q-----P-----D-PG-P1	96
90CF056.1	--T-----Q-----P---1	96
92RW009.6	-----LQ---A---A---1	96
92NG003.1	-----Q-----IPG---G---AG---1	92
93BR029.4	-----Q---N---A---A---1	96
94CY032.3	-----Q-----P---RGR-W-Q.1	95
96ZM651.8	-----Q---MV---A---A---1	96
96ZM751.3	-----Q---M---A---A---1	96
94CY017.41	--Y-----V-----Q-----I-R---D-A---P1	96
94IN476.104	--T-----Q-----LQR---A---A---1	95

Fig. 17

# TAT

93BR020.1	MELVDPNLDPWNPSPQPTTCTRCYCKWCCFHCYWCFTTKGLGISYGRKKRRQRPRTPO	60
92NG083.2	-DP---K-E-----NK---V---W---QV---LN-----P-RG---	60
90CF056.1	-DP---K-E-----Q-A-NN---K---Y---QM---LK-----S---H---A	60
92RW009.6	--P---K-E-----K-A-NN---H-SY---LV---QA-----RNA-P	60
92NG003.1	-----S-E-----A-NK---I---W---QL---LN-----R-RG---	60
93BR029.4	--P---R-E---K---R-Q-A-NS---K---QV-----H---	60
94CY032.3	--P---D-E-----D-NK-F---K---W---QV---LK-----KH-RGSL-	60
96ZM651.8	--P---SIE-----K-A-NK---R-SY---LV---Q-----RS---P	60
96ZM751.3	--P---R-E-----K---NK---H-SY---LV---Q-----RSA-P	60
94CY017.41	--P---K-E-----K-A---K---R---Y---QL---IN-----P-RKPSP	60
94IN476.104	--P---E-----K-A-NT---H-SY---LV---Q-----RSA-P	60
93BR020.1	SSQIHQDFVPKQPISQA.RGNPTGPKESKKEVESKAKTDP..1	99
92NG083.2	G-KD--NP-----LPIT.S-----SEKP---A---TE---LD1	101
90CF056.1	-L-D--NSIS---L-RT.H-D-----Q---A---TE---.1	99
92RW009.6	--ED--NPIS---L---T---D---SE---K---TEA---FD1	101
92NG003.1	-H-D--NP-----LPTT.-----TE---QCA1	101
93BR029.4	---L---P---A---.Q-----Q-----1	99
94CY032.3	G-KG--NLI---L---QPN-DS---E-Q---K-A---TEA---FA1	102
96ZM651.8	--ED---PIS---L-RT.Q-----QE---K---T-R---CD1	101
96ZM751.3	--ED--NPIS---L---P---Q---SE---K---TE---QFD1	101
94CY017.41	-NKD--NPI---SLP---.QRV---E-P-----E---RFD1	101
94IN476.104	--ED--NLIS---LP-T.-----SE---K---T---FD1	101

Fig. 18

REV

93BR020.1	MAGRSGSDQELLKAVRYIKILYQSNPYPKP.EGTRQARRNRRRRWRARQRIREISDRI	59
92NG083.2	-----P-E---R---I--T-----S-.A-----K-----HS--E--	59
90CF056.1	-----A--T---QVCKI-----C-E-.T-----K-----E--	59
92RW009.6	-----ET--Q--KI-----HS--E--	59
92NG003.1	-----A-E---RVT-I-----P-.-----K-----SAL-E--	59
93BR029.4	-----T-----S-----L-.K-----E--	59
94CF032.3	-----NI-ED-F--A-A-----NNPT-----K--HSL-E--	60
96ZM651.8	-----AA--L-A-T-----E-.K-----K-----E--A--E--	59
96ZM751.3	-----N-EA-Q---I-----N-.-----K-----NS--E--	59
94CY017.41	T---D-P-ES-Q-I-T-----RGS.---Q-----DS--E-V	59
94IN476	-----AA-Q---I-----R-.-----Q-----HS--E--	59
93BR020.1	LSSCLGRPAEPVPLQLPPLERLHINCSEDCGQGAEE.....GVGSSQISGESHTVLGS	112
92NG083.2	--A-----F-----G-SLD--K-G-TSGTQQPQGTET---RP-VLV-PPV----	119
90CF056.1	-T-----P---T-----TL-----TSG-K.....E--P---L--S-I--T	112
92RW009.6	--T-----T---F---I---T-D---G-TSGTQQSQGTTE---NP.....	107
92NG003.1	--T-----I---SLD---SRTPETQQSPGTET---GP---V--PV----	119
93BR029.4	-----E-----T-----P-T---RA--E-	112
94CF032.3	-ATY-----K-TL-----TSGDK.....P-V-V-LPA---T	113
96ZM651.8	--T-----T-----I---GD--SG-ASETQQSQGTTE---P.....	107
96ZM751.3	--T-----P---F-----D---GTT.....E--N-----	96
94CY017.41	-RT-----T-----D-----TSGTLQSQGTET---R--E-V--SVI---	119
94IN476	--T---ST-----I---G---SG-TSGTQQSQGTTE---P.....	107
93BR020.1	GTKE1	116
92NG083.2	----1	123
90CF056.1	----1	116
92RW009.6	....1	107
92NG003.1	----1	123
93BR029.4	----1	116
94CF032.3	-A--1	117
96ZM651.8	....1	107
96ZM751.3	....1	96
94CY017.41	--E-1	123
94IN476	....1	107

Fig. 19



# VPU

93BR020.1	MSNL..LAIGIAA...LIVALIITIVVWT.IAYIEYKKLVQRQKINRLYKRISERAEDSG	54
92NG083.2	-QA...EISX.....-F-AATI--S.-VF---R-IRK-K--EK-LD--R-----	51
90CF056.1	-YI...G.L--G....-V-TF--AVI---V-----K--D--IE--G-----	53
92RW009.6	-TS...EIYA-V-....-V-----L-G-----LK---D--I-K-R-----	54
92NG003.1	-QS...EIAA--G....-V--A-AA-----X-IKK-E--D--LD--R-----	49
93BR029.4	--Y...-V--L-----A---A-----RE-----R-----	54
94CY032.3	-LFW..EIWA-VG...-V-----V-----LVF-----R---R-DS--N--R-----	54
96ZM651.8	-LD-LARVNYRVGVGA-----L-A-----R--L-----DW-I---R-----	59
96ZM751.3	-L--EARVDYRIGVGA--A---A-A--I.-V---R--S-----D--I--R-----	59
94CY017.41	-LP...VILA-VG.....LA-----VF-----IKK-----DW-I-----	54
94IN476.104	-V--LERVDYRLGVGA-----LA-.IVWT---L--R--L-----IE--R--V----	59
93BR020.1	NESEGDAAEELAALGEVGPFI PGDINNLI	81
92NG083.2	-----T---T-M-M-D-D-WVG---1	78
90CF056.1	---D--T---SK-M-M-HLNL-YVAD-1	80
92RW009.6	---D--ID--SK-VG--NYDL--V--1	81
92NG003.1	-----T---T-VDMVD-D-WVGD--1	76
93BR029.4	-----M-----D--1	81
94CY032.3	---D-----ST-VGM-N-D-WVGD--1	81
96ZM651.8	-----T---TMVDM-HLRLL-V-D-1	86
96ZM751.3	-----N---TMVDM-HLRLL-AIDV1	86
94CY017.41	---D--T---S--V-R-HLDF--V--V1	81
94IN476.104	-----T---ST-VDM-NLRLL-A-D-1	86

Fig. 20

ENV		
93BR20.1	MRVRGMQRNWQH LGKWGLLFLGLTLI ICNAAENLWVTVYYGVPVWKEATTTLFCASDAKSY	60
92NG083.2	---K-I-----W---T-I--LV---S-SD-----ED-D-P-----	60
90CF056.1	...MET---YPS-WR--T-I--M-L--S--Q-----K-----A-	57
92RW009.6	---M-TLM-Y-N-WG--TMI--M-T--S--N-----D-E-----A-	60
92NG003.1	---K-T-----WT-WT-I--LV---S-SN-----ED-D-P-----A-	60
93BR029.4	-----I-----A-	59
94CY032.3	---M---YP--WE--T-I--LV---S-SN-----RD-E-----E-A-	60
96ZM651.8	---EIL---RWWT--I-GFWM-M---VWG-----K-----	60
96ZM751.3	---K-IM---QWWI--I-GFWM-LM---MGK-----K-----A-	60
94CY017.41	---M-T---Y---WRG-I-I--M--M-K-TD-----D-D-I-----A-	59
94IN476.104	-----IL--C--WWI--I-GFWM-M-Y-VVG-----K-----A-	60
93BR20.1	EKEAHNVWATHACVPTDPNPQEVVLENVTERFNMWENNMMVEQMHTDIISLWDQSLKPCVK	120
92NG083.2	SS-K-----IAI-----N---K-----QE-----EE-----	120
90CF056.1	-T-K-----M-M-----S-----	117
92RW009.6	DP-K-----I--D--IH-----E---K-----	120
92NG003.1	ST-R-----IT-----T---K-----E-----E-----	120
93BR029.4	-----N-D-K-----	119
94CY032.3	---V--I-----A-I---N---K-D---E-----NEG---A-	120
96ZM651.8	---V-----I--G---N---K-D--D--E-----	120
96ZM751.3	-T-V-----M-----K-----D--E-----	120
94CY017.41	DT-V-----IN-----N---K-----QE-----	119
94IN476.104	---V--I-----MD-V---N---K-D--D--E-V-----	120
93BR20.1	LTPLCVTLDCR.....NIATNGTNDTIAIND.TLKEDPEA..IQNC SFNTTTEIRD	168
92NG083.2	-----I--N-T.....-VNSANHTEANN-VENK.-E.-K---KI---RGG	164
90CF056.1	-----N-T.....VR-N-SNSTS.SMEAG.GE..LT---V--VL--	160
92RW009.6	-----E-N.....NITNVNNTVNITDDMKGE..K---M---L--	163
92NG003.1	-----N-T...NVNCNSNV-STG-SAGTNATCNIE-A.NN..LK---I---	173
93BR029.4	-----R-S.....NAT-NSTQND---E-G---M---V--	162
94CY032.3	--S---FT-I.....NAT-TNSTNG-VIKEG...-K---DI-----	161
96ZM651.8	-----N-TEVNV.....TR-VN-SVVNNTTNVNSMNGD..MK---I---LK-	171
96ZM751.3	-----N-TANIT.....NANIT-NANITNYNNETDMR---I---L--	168
94CY017.41	-----I-N-SNANT.....S-HSNSSS-QSPIN-E..K---Y---IL--	164
94IN476.104	-----N-SKVTN.....ATYNNTDD..-K---A-----	158
93BR20.1	KQLKVHALFYKLDIVQI.....NKDDN...RTY....RLINCDASTITQACPKVSWD	213
92NG083.2	-KKEEY-----V-P.....SNGNK...TS.....-H-NV---K-----NF-	209
90CF056.1	--Q-----R--V-P.....DNNSTQY.....NT-V-----FE	204
92RW009.6	-KQR-YS--R-----SNS-NS.SHNQ..Y---NT-A-----FE	212
92NG003.1	-KKTEY---R--V-P.....DGNN-VS.NN....-NV---K-----F-	220
93BR029.4	-----R---P.....SN-NSSN.DNSSREY---NT--L-----	213
94CY032.3	-KK-EY---RI---P-NARVPINGSNRN....NSTEEYM---N---K-----FE	216
96ZM651.8	-KKN-Y-----SL.....ET-DSETGNSSKYY---NT-AL-----F-	223
96ZM751.3	-RRQ-D-----P.....ENS.....S..EY---NT-A-----TF-	212
94CY017.41	-TQ--YS---R--V--LDE.....SENK...NTSGSNTLY---NT-----TFE	216
94IN476.104	-KR-EY---R---PLNE.....NS....SSNYSEYI---NT-----F-	208
93BR20.1	PIPIHYCAPAGYAILKCNEKNFTGTGSCKNVSTVQCTHG IKPVVSTQLLNLGSLAEGE.I	272
92NG083.2	-----RD-EYN--P-----ED..	268
90CF056.1	-----F-----N-T-N--L-T-----R-----EQ..	263
92RW009.6	-----N-----F-----KD-K-N--P-----E..	271
92NG003.1	-L-----F-----RG-----Q-----S-----	279
93BR029.4	-----D-K-N--P-R-----KD..	272
94CY032.3	-----F-----L-P-T---S-R-----TE..V	275
96ZM651.8	-----N-T-N--P-H-----EG..	282
96ZM751.3	-----N-T-N--P-N-----E..	271
94CY017.41	-----F-----KDPR-N-----S-----A-----GK-	276
94IN476.104	-----F-----KDET-N--P-E-----T--K..	267
93BR20.1	VIRSONISDNAKTIIVHLNESVQINCTRP.NNNTRKRISLGPGRVFYTTGEIIGDIRKAH	331
92NG083.2	R---E-FT--T-V---Q--N-IE--I---S-PI---QA--A--D---Q--	327
90CF056.1	I--TK---T-N---Q-KTP-N-T---TS-H---A--A--D---Q--	322
92RW009.6	I---E-TN-----Q---T---S---SVHI---QA--A--DV---Q-Y	330
92NG003.1	---E-LT---V---Q--KTIG-----S-RI---QA--A-----	332
93BR029.4	I-----Q--V-P-----S-PI---A-----	331
94CY032.3	---K--T--T-N---Q-AKA-K---G--T---SVHI---LTW-A-----Q--	334
96ZM651.8	I---E-LTN-V-----R-IE-V-V---QS-RI---QT--A--D---Q--	341
96ZM751.3	I---K-MT---I-----E-V---SVRI---QT--A---N---Q-Y	330
94CY017.41	M---E---TN---N---QFTKP-L-T-I---S-RF---QA---N---Q--	334
94IN476.104	IT--E--T-----IK-V---S-RI---QA--A-NG---Q--	326

Fig. 21A

93BR20.1	CNVSGTQWRNTLAKVKAKLGSYFPNAT.IKFNSSSSGGDLEITRHNFCMGEFFYCNTDEL	390
92NG083.2	---RIK--EM-KN-T-Q-RKIYN-KN.-T---A-----T-S---R-----SG-	386
90CF056.1	--I-R-D-NK--HQ-VTQ--IHLN-R--S-KPN---M-VRT-S--R-----SG-	381
92RW009.6	-T-N--K-NR--Q--AE--SH--E-I-T-I-KN-----T-S--G-----SG-	390
92NG003.1	....QE-QEM-Q--Q-Q-EQV-NKSI..T---A-----T-S---R-----SG-	385
93BR029.4	-----K-NE--E--R--KPH-----M-S--R-----SG-	390
94CY032.3	--I--ND-ND--KVISEE-KRL---K---APPV-----T-S--K-----TP-	393
96ZM651.8	--I-R-N-TK--RE-RN--REH---KN.-T-KP-----T-S--R-----SG-	400
96ZM751.3	--I-EGK-N--QR-GE--RK--K--S-AP-----T-S--R-----SK-	389
94CY017.41	--INK-L-ND--Q--AEQ-REK--KK--I-TN-----P---TLS--A-----TG-	393
94IN476.104	--I-ESN-TK--QE-GK--AKH---K--S--Q-----VT-S--G-----SR-	385
93BR20.1	FN.....DTKFNDTGFGTITLPCRICKQIVNMWQEVGRAMYANPIAGNI	434
92NG083.2	-----NNISNIN-E-----K-----R--K--Q--L-----L	428
90CF056.1	--SSW.....EMHTNYTS--KG-EN-----R-----P--Q--	432
92RW009.6	--STW.....SKRNGTWQSN-TELN-----I--RT-Q--P--Q--V-	440
92NG003.1	-----ESGG...NDT-----K-----R--R--Q--P--D-	425
93BR029.4	-----DTV...D-----A-----	429
94CY032.3	--STH.....MQNGTNITSTDST-S---Q--L--F-R-----Q--S--S-	444
96ZM651.8	-SINY..TE.....DGTP-----R--I-----P--E--	444
96ZM751.3	--GTF..NGT....NTS....NDRS-S---Q-----T--G--Q--P--K--	437
94CY017.41	--GTWWNNGTW...NGP....YTPNNT--S-I-----I--R-----P--I-	446
94IN476.104	--GTY..NGTDMPTYNGT.....NSSSDI-M-----R-FI-I--K-----P--E--	437
93BR20.1	TCNSNITGLLLTRDGG..LNSTN...ETFRPGGGMKDNWRSELYKYKVVEIEPLGVAP	488
92NG083.2	V-K-----I-----N-NDS..TE-----D-R-----T-K-KS-	484
90CF056.1	M-V-----I--I-E--NA-AE...NY-----D-R-----K--I--	487
92RW009.6	S-V-----N-N-T...T-----D-R-----K-----	495
92NG003.1	--R-----V-N-G...N-----D-R-----I-K-K--I--	480
93BR029.4	--S-----Q-NQT...E-----	484
94CY032.3	N-S-D--II-----TNNT-I-----D-R-----K--I--	497
96ZM651.8	A-K-D-----V---STND--NNT-I--A--D-R-----K--I--	503
96ZM751.3	--K-----T.NDTET...P-----D-----K-----	493
94CY017.41	K-T-----II-----N-G....N-----D-R-----KL-----	500
94IN476.104	--E-----V---DTNS....T-I-----D-R-----K--I--	492
93BR20.1	TKAKRQVVKRERRAVGLGALFLGFLGAAGSTMGAASITLTVQARQLLSGIVQQQSNLLRA	548
92NG083.2	-R-R-R--E--K-----V-----A-V-----	544
90CF056.1	--TR-R--E--K--M--S-----	547
92RW009.6	-R--R--E--K-----V-I-----	555
92NG003.1	--R-R--E-GK-----V-----G-----V-----	540
93BR029.4	-----K--M-----A-----N-----	544
94CY032.3	N--R-R--Q--K--I--M-----M-----	556
96ZM651.8	-E--R--E--K--I--V-----A--V-----	563
96ZM751.3	--R-R--E--K--I--V-----V-----	553
94CY017.41	-R--R--E--K-----V-----L-----Q-----	560
94IN476.104	-E--R--E--K--I--V-----V-----M-----K-----	552
93BR20.1	IEAQQHLLQLTVWGIKQLQARVLAVERYLKDQQLGLWGCGSKLICTTNVPWNSSWSNKS	608
92NG083.2	-----S--I-----I-----T-----	604
90CF056.1	-Q-R--M-----R-----I-----	607
92RW009.6	-----K-----L--R-----I-----T-----	615
92NG003.1	-----I-----I-----	600
93BR029.4	-----I-----D-----	604
94CY032.3	-----R-----L-S-----I-----	616
96ZM651.8	-----T--I-----A--I-----	623
96ZM751.3	-----M-----I-----I-----	613
94CY017.41	-----K-----I-----I-----A-T--T-----	620
94IN476.104	-----M-----T--I-----I-----V--P-A-----	612
93BR20.1	LEEIWGNMTWMEWEKEVSNSYKEIYRLIEDSONQOEKNEQELLALDKWASLWNWFDITQW	668
92NG083.2	YN--D--L--R-IH--TQH--S--E-----D-----SN-	664
90CF056.1	QS--D--D--QI--TE-----L-V--T-----D-----T--SH-	667
92RW009.6	QQ--D--QQ-D--IG--TQI--S--E-----D-----N--SN-	675
92NG003.1	Y--D--IQ--R--TQQ--S--E-----D-----K-	660
93BR029.4	Q-K-----I--N-----E-----SK-	664
94CY032.3	YND--D--LQ-D--IN--TQI--G-L-E-----D-----S--K-	676
96ZM651.8	KTD--D--Q-DR-I--TNT--L--S--Q--KD--S--NN--K-	683
96ZM751.3	ER--D--Q-DR-IN--TET--L-V--N--RD--S--KN--N--N-	672
94CY017.41	QD--D--LQ-D--I--TNI--L-E-----D-----D--S--N--SH-	680
94IN476.104	KDD--N--Q-D--I--TNT--L-E--I--Q--GKD--S--QN--S--K-	672

Fig. 21B

93BR20.1	LWYIKIFIMIVGGLIGLRIVFTVLSIVNRVRKGYSPLSFQTHIPSPRE.PDRPEGIEEGG	727
92NG083.2	---R-----A-----Q-----LTHHQ---LGKT---	723
90CF056.1	-----I-A-----Q-----LV-N-G-----T---	726
92RW009.6	-----I-A-----Q-----L-N-G-----LG---E---	734
92NG003.1	-----A-----Q-----LTHHQ---R---	719
93BR029.4	-----A-----L-RF---	723
94CY032.3	-----I-A-----Q-----L-L-TTQRLG---G-T-E---	736
96ZM651.8	-----I-A-----Q-----L-N-----GR---E---	742
96ZM751.3	-----I-----I-A-----Q-----L-L-T-----LGR---E---	731
94CY017.41	---R-----AIITV---Q---V---IPT---EG---R-T---	739
94IN476.104	-----I-----I-A-----Q-----L-LT-D---LR---E---	731
93BR20.1	GEQCKDRSVRLVTGFLALAWDDLRLNCLFSYRHLRDFILIAARIVDRGLK.....RGW	780
92NG083.2	---DR---T---S-----S-----HR---LV---T-ELLGRSSLKGLRL---	783
90CF056.1	---DR---N---PVV---S-S---L---LL---VV-T-ELLGR.....R	779
92RW009.6	---DRG---I---S-----S-----HR---LL---T-ELLGRSSLRGLQ---	794
92NG003.1	---DR---S-----S-----HR---LV---TAELLRRSSLQGLRL---	779
93BR029.4	---P-----N---V-----	776
94CY032.3	---DRS---I---N---P-I-----NLL---V---T-ELLGIR.....	789
96ZM651.8	---D-E---S-----S-----HR---VT---A-ELLRRSSLKGLQ---	802
96ZM751.3	---DR---I---N---V---S-----HR-----GLQ.....	780
94CY017.41	---R---I---N---F-----S-----HR---C-----T-ELLGHCSLKGLRL---	799
94IN476.104	---D---I---N-----S-----CHR-----V---A-ELLGRSSLRGLQ---	791
93BR20.1	EALKYLGNLTOYWGQELKNSAISLLNATAIAVAEWTDREVIEALQRAGRAILNIPRRIRQG	840
92NG083.2	-G---W---LL---R-----N-DTI---T-NG---VA---Y---V-T---	843
90CF056.1	-----W---L-----D---T-----G-GI-VIV---W---H-----	839
92RW009.6	-T-----V---L---R---N-DT---V---G---I---LI---IS---Y---S---	854
92NG003.1	-G---W---LL---R-----N-IDTI---N-----VA-G-C-----	839
93BR029.4	---L---AL---S-----T---V---G-----V-V-----	836
94CY032.3	-----W-FLN-----N-F-T-----G---I---V---C---C-----	849
96ZM651.8	-----S-V---L---K---DTI---G---I---LI-GIC---R-V-----	862
96ZM751.3	-T---S-V---L---K---DTI---G---I---LT---IC---R-V-----	840
94CY017.41	-G---N-W---LL---R-----FDTI-V-----IG---F-----	859
94IN476.104	-----S-V---L---K---DTI---TI---G---I---FT---IC---R-----	851
93BR20.1	LERALL1	846
92NG083.2	-----1	849
90CF056.1	F--S--1	845
92RW009.6	F-A--Q1	860
92NG003.1	-----1	845
93BR029.4	-----1	842
94CY032.3	-----1	855
96ZM651.8	F-T--1	868
96ZM751.3	F-A--Q1	846
94CY017.41	-----1	865
94IN476.104	F-A--1	857

Fig. 21C

## NEF

93BR020.1	MGGKWSKSSIVGWPAIRERMRRTPPTPP.AAE.....GVGAVSQDLERRGAIT	47
92NG083.2	-----Q-----I-Q-V.....-A-H----	44
90CF056.1	-----RMG--ST-----AE-....V-----R--D--V-	44
92RW009.6	--S---C-P---V---L-Q-E-----A---DKY--L-	44
92NG003.1	I-----V---I-Q-----P-----AP--A-H----	43
93BR029.4	--S-----L-Q-----	44
94CY032.3	-----E-----ARA....EP-RMRRQAEPAAA-----DKH----	56
96ZM651.8	-----V---I---E....P-AE-----A---DKY--L-	44
96ZM751.3	-----R-----KV---IA--D....P-AE-----A---DKY--L-	44
94CY017.41	-----R--P-----AQORTEAV....S.PAAP-----ATH--V-	54
94IN476.104	--S-M--R-----EV-----E....P-AE-----A---AKH--L-	44
93BR020.1	SSNTRANNPDLAWLEAQEED.EVGFPVRPQVPLRPMTYKGAVDLSHFLKEKGGLEGLIYS	106
92NG083.2	---AT---C-----SD-----A-F--F-----D----	104
90CF056.1	IN--AST-R-A-----DGE-----F-----D----	104
92RW009.6	---PS--A-C--A---EN-----A---F-----D----	104
92NG003.1	---AQT--C-----Q-NS-----Q-----A-F--F-----D----	103
93BR029.4	---G-----E-----L-----	103
94CY032.3	IN--A-T--KT-----EE-----F--L-----D----	116
96ZM651.8	---STT-AAC-----EE-----A---F-----D----	103
96ZM751.3	---ST--A-C-----EG-----S-F--F-----D--C	104
94CY017.41	---A-T--C--V---ES-----F--F--F-----D----	114
94IN476.104	T---PS--AAG--Q---EE-----F--AF-----D----	104
93BR020.1	KRRQEILDLWVYHTQGYFPDQWNYTPGPGIRYPLTMGWCFLKVPVDPEEVEKANEGENNC	166
92NG083.2	---D-----N--F-----T-L--F-----M--A-I-E--K--IS	164
90CF056.1	-Q--D-----N-----E-F--F-----N-Q--Q-----S	164
92RW009.6	-K--D-----N-----V-----F--Y-----R--E-----D--	164
92NG003.1	-K--D-----N-----T-F--FR-----M--A-I-E--K--S	163
93BR029.4	-K-----T-----L-----	163
94CY032.3	-K-----F--D-----E-F--CF-----Q--E-T--T-	176
96ZM651.8	-K-----F-----V-----F-----G--E-----	163
96ZM751.3	-K-----F--Y-----R--E-----D--	164
94CY017.41	QK--D--M-----F-----E-S--E-TQ--S	174
94IN476.104	-K-H-----N-----V-----F--Y-----SV--E--K----	164
93BR020.1	LLHPMSQHGMEDEDKEVLKWEFDSRLALRHIARERHPEYYQD.1	208
92NG083.2	---IC-----R--V-R-N-S--R--L--L-----K-C1	207
90CF056.1	---L-----DGR--M-K-----T-L--VK----.K-C1	206
92RW009.6	---L-----R-----K--H--H--M--L-----K-C1	207
92NG003.1	---IC--L--A-R--V-R--S--R-----Q-----K-C1	206
93BR029.4	---I-----R-I-Q-R-----FH-M--L-----K-C1	206
94CY032.3	---I-----ER-----K-----YK-V--L--F-K-C1	219
96ZM651.8	---Q--D-DHR-----K--H--HK-M--L-----K-C1	206
96ZM751.3	---I-----I-----R--R-K--S--R--M--L-----K-C1	207
94CY017.41	---IC--VD-PER--R--RS--R--R--L-----K-C1	217
94IN476.104	---D--G-----Q--S--R-----L-----K-C1	207

Fig. 22